



INTERNATIONALER RECHERCHENBERICHT

(Artikel 18 sowie Regeln 43 und 44 PCT)

Aktenzeichen des Anmelders oder Anwalts	Siehe Mitteilung über die Übermittlung des internationalen Recherchenberichts (Formblatt PCT/ISA/220) sowie, soweit			
M/40241-PCT	VORGEHEN Hecherchenberichts (I			
Internationales Aktenzeichen	Internationales Anmeldedatum	(Frühestes) Prioritätsdatum (Tag/Monat/Jahr)		
DCT/FD 00/07252	(Tag/Monat/Jahr)	27/07/1000		
PCT/EP 00/07253	27/07/2000	27/07/1999		
Anmelder		·		
DAGE 44775N0505N100N457				
BASF AKTIENGESELLSCHAFT	•			
Dieser internationale Recherchenbericht wurd Artikel 18 übermittelt. Eine Kopie wird dem Int	le von der Internationalen Recherchenbehörde e ernationalen Büro übermittelt.	erstellt und wird dem Anmelder gemäß		
Dieser internationale Recherchenbericht umfa	aßt insgesamt _4 Blätter.			
1	veils eine Kopie der in diesem Bericht genannter	n Unterlagen zum Stand der Technik bei.		
1. Grundlage des Berichts				
	rnationale Recherche auf der Grundlage der inte ereicht wurde, sofern unter diesem Punkt nichts			
Die internationale Recherch Anmeldung (Regel 23.1 b))	e ist auf der Grundlage einer bei der Behörde ei durchgeführt worden.	ngereichten Übersetzung der internationalen		
	n Anmeldung offenbarten Nucleotid- und/oder	Aminosäuresequenz ist die internationale		
l mo	equenzprotokolls durchgeführt worden, das Idung in Schriflicher Form enthalten ist.			
	•	ogereicht worden ist		
zusammen mit der internationalen Anmeldung in computerlesbarer Form eingereicht worden ist.bei der Behörde nachträglich in schriftlicher Form eingereicht worden ist.				
bei der Behörde nachträglich in computerlesbarer Form eingereicht worden ist.				
Die Erklärung, daß das nachträglich eingereichte schriftliche Sequenzprotokoll nicht über den Offenbarungsgehalt der				
	im Anmeldezeitpunkt hinausgeht, wurde vorgele			
Die Erklärung, daß die in co wurde vorgelegt.	mputerlesbarer Form erfaßten Informationen de	m schriftlichen Sequenzprotokoll entsprechen,		
2. Bestimmte Ansprüche hal	ben sich als nicht recherchierbar erwiesen (s	iehe Feld I).		
3. Mangelnde Einheitlichkeit	der Erfindung (siehe Feld II).			
4. Hinsichtlich der Bezeichnung der Erfin	dung			
X wird der vom Anmelder eing	gereichte Wortlaut genehmigt.			
wurde der Wortlaut von der	Behörde wie folgt festgesetzt:			
E Hippiphliph dor 7				
5. Hinsichtlich der Zusammenfassung	resolate Medicut seed '			
wurde der Wortlaut nach Re	gereichte Wortlaut genehmigt. egel 38.2b) in der in Feld III angegebenen Fassu e innerhalb eines Monats nach dem Datum der A tellungnahme vorlegen.			
	ist mit der Zusammenfassung zu veröffentlichen	; Abb. Nr		
wie vom Anmelder vorgesch		X keine der Abb.		
	ine Abbildung vorgeschlagen hat.			
	indung besser kennzeichnet.			

INTERNATIONALER RECHERCHENBERICHT



onales Aktenzeichen PCT/EP 00/07253

KLASSIFIZIERUNG DES ANMELDUNGSGEGENSTANDES PK 7 C12N15/53 C12N9/02 C12P17/16

C12R1:19)

C12P7/04

C12N15/70 C12P7/22

C12N1/21 C12P7/02 C12P17/10 //(C12N1/21,

Nach der Internationalen Patentklassifikation (IPK) oder nach der nationalen Klassifikation und der IPK

B. RECHERCHIERTE GEBIETE

Recherchierter Mindestprüfstoff (Klassifikationssystem und Klassifikationssymbole)

IPK 7 C12N C12P

Recherchierte aber nicht zum Mindestprüfstoff gehörende Veröffentlichungen, soweit diese unter die recherchierten Gebiete fallen

Während der internationalen Recherche konsultierte elektronische Datenbank (Name der Datenbank und evtl. verwendete Suchbegriffe)

WPI Data, PAJ, CAB Data, STRAND, EPO-Internal, BIOSIS, MEDLINE

Kategorie®	Bezeichnung der Veröffentlichung, soweit erforderlich unter Angabe der In Betracht kommenden Teile	Betr. Anspruch Nr.
X	MUNRO ANDREW W ET AL: "Regional saturation mutagenesis as an approach to identification of substrate specificity determinants in cytochrome P450 BM3." BIOCHEMICAL SOCIETY TRANSACTIONS, Bd. 21, Nr. 4, 1993, Seite 409S XP000971665 Biochemical Society 647th Meeting on Chromosomal Abnormalities in Cancer Cells: Identification of Molecules Important for Tumour Development; Sheffield, England, UK; July 20-23, 1993 ISSN: 0300-5127 das ganze Dokument	1,2, 6-12, 15-19

entnehmen	<u>^_</u>
Besondere Kategorien von angegebenen Veröffentlichungen :	*T* Spätere Veröffentlichung, die nach dem internationalen Anmeldedatum
'A' Veröffentlichung, die den allgemeinen Stand der Technik definiert, aber nicht als besonders bedeutsam anzusehen ist	oder dem Prioritätsdatum veröffentlicht worden ist und mit der Anmeldung nicht kollödiert, sondern nur zum Verständnis des der Erfindung zugrundellegenden Prinzips oder der ihr zugrundellegenden
'E' älteres Dokument, das jedoch erst am oder nach dem internationalen Anmeldedatum veröffentlicht worden ist	Theorie angegeben ist 'X' Veröffentlichung von besonderer Bedeutung: die beanspruchte Erfindung
'L' Veröffentlichung, die geeignet ist, einen Prioritätsanspruch zweifelhaft er-	

·Ľ scheinen zu lassen, oder durch die das Veröffentlichungsdatum einer anderen im Recherchenbericht genannten Veröffentlichung belegt werden vysoll oder die aus einem anderen besonderen Grund angegeben ist (wie

ausgeführt)

O Veröffentlichung, die sich auf eine mündliche Offenbarung,
eine Benutzung, eine Ausstellung oder andere Maßnahmen bezieht

P Veröffentlichung, die vor dem internationalen Anmeldedatum, aber nach
dem beanspruchten Prioritätsdatum veröffentlicht worden ist

erfinderischer Tätigkeit beruhend betrachtet werden Veröffentlichung von besonderer Bedeutung: die beanspruchte Erfindung kann nicht als auf erfinderischer Tätigkeit beruhend betrachtet werden. wenn die Veröffentlichung mit einer oder mehreren anderen Veröffentlichungen dieser Kategorie in Verbindung gebracht wird und diese Verbindung für einen Fachmann naheliegend ist

'&' Veröffentlichung, die Mitglied derselben Patentfamilie ist

Absendedatum des internationalen Recherchenberichts Datum des Abschlusses der internationalen Recherche 11/01/2001 20. Dezember 2000

Name und Postanschrift der Internationalen Recherchenbehörde Europäisches Patentamt, P.B. 5818 Patentlaan 2 NL - 2280 HV Rijswijk Tel. (+31-70) 340-2040, Tx. 31 651 epo nl,

Fax: (+31-70) 340-3016

Hornig, H

Bevollmächtigter Bediensteter

Formblatt PCT/ISA/210 (Blatt 2) (Juli 1992)





Inter onales Aktenzeichen PCT/EP 00/07253

C.(Fortsetz	ung) ALS WESENTLICH ANGESEHENE UNTERLAGEN	To-se Assessed to
Kategorie®	Bezeichnung der Veröffentlichung, soweit erforderlich unter Angabe der in Betracht kommenden Teile	Betr. Anspruch Nr.
Х	DE 195 07 546 A (MAX DELBRUECK CT FUER MOLEKULA) 12. September 1996 (1996-09-12)	1,2, 6-12, 15-18
	das ganze Dokument	
X	GB 2 294 692 A (BRITISH GAS PLC) 8. Mai 1996 (1996-05-08)	1,2, 6-12, 15-18
	das ganze Dokument	
x	GB 2 306 485 A (BRITISH GAS PLC) 7. Mai 1997 (1997-05-07)	1,2, 6-12, 15-18
	das ganze Dokument	
x	GRAHAM-LORENCE SANDRA ET AL: "An active site substitution, F87V, converts cytochrome P450 BM-3 into a regio- and	1-10
	stereoselective (14S,15R)-arachidonic acid epoxygenase." JOURNAL OF BIOLOGICAL CHEMISTRY.	
	Bd. 272, Nr. 2, 1997, Seiten 1127-1135, XP002155914 ISSN: 0021-9258 das ganze Dokument	
x	ENGLAND P A: "The oxidation of naphtalene and pyrene by cytochrome P450cam" FEBS LETTERS, NL, ELSEVIER SCIENCE PUBLISHERS, AMSTERDAM,	1,2,6-12
	Bd. 424, Nr. 3, 13. März 1998 (1998-03-13), Seiten 271-274, XP002131695 ISSN: 0014-5793 das ganze Dokument	
Ρ,Χ	JONES ET AL: "The oxidation of polychlorinated benzenes by genetically engineered cytochrome P450cam: potential applications in bioremediation" CHEMICAL COMMUNICATIONS, ROYAL SOCIETY OF	1,2,6-12
	CHEMISTRY,GB, Nr. 3, 7. Februar 2000 (2000-02-07), Seiten 247-248, XP002152716 ISSN: 1359-7345 das ganze Dokument	
Э,Х	WO 00 31273 A (BELL STEPHEN GRAHAM; CARMICHAEL ANGUS BISHOP (GB); WONG LUET LOK () 2. Juni 2000 (2000-06-02) das ganze Dokument	1-3, 6-12, 15-18
	-/	





Inter onales Aktenzeichen PCT/EP 00/07253

CAPORESEL	ung) ALS WESENTLICH ANGESEHENE UNTERLAGEN	In the second se
Kalegorie°	Bezeichnung der Veröffentlichung, soweit erforderlich unter Angabe der in Betracht kommenden Teile	Betr. Anspruch Nr.
Р,Х	WO 00 09682 A (DAVIS CHRISTOPHER; MAXYGEN INC (US); AFFHOLTER JOSEPH A (US); SELI) 24. Februar 2000 (2000-02-24) Seite 17, Zeile 11 - Zeile 24; Abbildungen 1-5 Seite 37, Zeile 23 -Seite 38, Zeile 21; Ansprüche 1-141	1,2, 6-12, 15-18
P,X	LI Q S ET AL: "Directed evolution of the fatty-acid hydroxylase P450 BM-3 into an indole-hydroxylating catalyst." CHEMISTRY, (2000 MAY 2) 6 (9) 1531-6., XP000971670 das ganze Dokument	1-19
P,X	GILLAM ELIZABETH M J ET AL: "Formation of indigo by recombinant mammalian cytochrome P450."	1,2,6-19
	BIOCHEMICAL AND BIOPHYSICAL RESEARCH COMMUNICATIONS, Bd. 265, Nr. 2, 19. November 1999 (1999-11-19), Seiten 469-472, XP002156034 ISSN: 0006-291X das ganze Dokument	
A	US 5 834 297 A (KIM IN CHEOL ET AL) 10. November 1998 (1998-11-10) das ganze Dokument	
A	CHERRY JOEL R ET AL: "Directed evolution of a fungal peroxidase." NATURE BIOTECHNOLOGY, Bd. 17, Nr. 4, April 1999 (1999-04), Seiten 379-384, XP002156029 ISSN: 1087-0156 in der Anmeldung erwähnt das ganze Dokument	
A	SCHWANEBERG ULRICH ET AL: "A continuous spectrophotometric assay for P450 BM-3, a fatty acid hydroxylating enzyme, and its mutant F87A." ANALYTICAL BIOCHEMISTRY, Bd. 269, Nr. 2, 1. Mai 1999 (1999-05-01), Seiten 359-366, XP002156030 ISSN: 0003-2697 das ganze Dokument	
	-/	







Intel phales Aktenzeichen PCT/EP 00/07253

	rt	J1/EP 0	0/0/233
C.(Fortsetz	ung) ALS WESENTLICH ANGESEHENE UNTERLAGEN		
(ategorie°	Bezeichnung der Veröffentlichung, soweit erforderlich unter Angabe der in Betracht kommender	n Teile	Betr. Anspruch Nr.
A	OLIVER CATHERINE F ET AL: "Engineering the substrate specificity of Bacillus megaterium cytochrome P-450 BM3: Hydroxylation of alkyl trimethylammonium compounds." BIOCHEMICAL JOURNAL, Bd. 327, Nr. 2, 1997, Seiten 537-544, XP002156031 ISSN: 0264-6021 das ganze Dokument		
	ATKINS W M ET AL: "Molecular recognition in cytochrome P-450: alteration of regioselective alkane hydroxylation via protein engineering" JOURNAL OF THE AMERICAN CHEMICAL SOCIETY, AMERICAN CHEMICAL SOCIETY, WASHINGTON, DC,US, Bd. 111, 1989, Seiten 2715-2717, XP002131692 ISSN: 0002-7863		
	SIBBESEN O ET AL: "Putidaredoxin reductase-putidaredoxin-cytochrome P450cam triple fusion protein" JOURNAL OF BIOLOGICAL CHEMISTRY,US,AMERICAN SOCIETY OF BIOLOGICAL CHEMISTS, BALTIMORE, MD, Bd. 271, Nr. 37, 13. September 1996 (1996-09-13), Seiten 22462-22469, XP002131693 ISSN: 0021-9258 das ganze Dokument		
			·



RECHERCHENBERICHT

Angaben zu Veröffentlichung. J. die zur selben Patentfamilie gehören

Inter nales Aktenzeichen PCT/EP 00/07253

Im Recherchenberiongeführtes Patentdoku		Datum der Veröffentlichung		Mitglied(er) der Patentfamilie	Datum der Veröffentlichung	
DE 19507546	Α	12-09-1996	WO	9627678 A	12-09-1996	
GB 2294692	Α	08-05-1996	AU	705736 B	03-06-1999	
			AU	3811795 A	31-05-1996	
			CN	1171818 A	28-01-1998	• •
			CZ	9701277 A	15-10-1997	
			ΕP	0789770 A	20-08-1997	• .
			WO	9614419 A	17-05-1996	
			JP	10503658 T	07-04-1998	
			KR	234348 B	15-12-1999	
		•	NZ	294904 A	24-09-1998	
			PL	319970 A	01-09-1997	
			RU	2133774 C	27-07-1999	
			SK	54597 A	04-02-1998	
			US	6100074 A	08-08-2000	
GB 2306485	Α	07-05-1997	AU	705736 B	03-06-1999	
GD 2000.00	••	0. 00 200.	AU	3811795 A	31-05-1996	
			AU	716583 B	02-03-2000	
			AU	7323696 A	22-05-1997	
			CA	2236381 A	09-05-1997	
			CN	1212015 A	24-03-1999	
			CZ	9801273 A	13-01-1999	
			CZ	9701277 A	15-10-1997	
			EP	0789770 A	20-08-1997	
			EP	0906431 A	07-04-1999	
			WO	9716553 A	09-05-1997	
			JP	10503658 T	07-04-1998	
			JP 2	2000508163 T	04-07-2000	
			KR	234348 B	15-12-1999	
			NZ	294904 A	24-09-1998	
			NZ	320497 A	29-09-1999	
			PL	319970 A	01-09-1997	
			PL	326445 A	28-09-1998	
			RU	2133774 C	27-07-1999	
			SK	54597 A	04-02-1998	
			SK	55598 A	13-04-1999	
			UŞ	6117661 A	12-09-2000	1
			US	6100074 A	08-08-2000	
WO 0031273	Α	02-06-2000	AU	1281900 A	13-06-2000	
WO 0009682	Α	24-02-2000	AU	5347999 A	06-03-2000	
US 5834297	Α	10-11-1998	US	5691171 A	25-11-1997	ŀ

OLISON MAN B TO ASIAN



INTERNATIONAL SEARCH REPORT

Inte: pnal Application No PCT/EP 00/07253

A. CLASSIFICATION OF SUBJECT MATTER
IPC 7 C12N15/53 C12N9/02

C12N15/53 C12N9/02 C12P17/16 C12P7/04 C12R1:19) C12N15/70 C12P7/22 C12N1/21 C12P7/02 C12P17/10 //(C12N1/21,

According to International Patent Classification (IPC) or to both national classification and IPC

B. FIELDS SEARCHED

 $\label{eq:minimum documentation searched (classification system followed by classification symbols)} IPC~7~C12N~C12P$

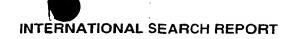
Documentation searched other than minimum documentation to the extent that such documents are included in the fields searched

Electronic data base consulted during the international search (name of data base and, where practical, search terms used)

WPI Data, PAJ, CAB Data, STRAND, EPO-Internal, BIOSIS, MEDLINE

Category *	Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages	Relevant to claim No.
X	MUNRO ANDREW W ET AL: "Regional saturation mutagenesis as an approach to identification of substrate specificity determinants in cytochrome P450 BM3." BIOCHEMICAL SOCIETY TRANSACTIONS, vol. 21, no. 4, 1993, page 409S XP000971665 Biochemical Society 647th Meeting on Chromosomal Abnormalities in Cancer Cells: Identification of Molecules Important for Tumour Development; Sheffield, England, UK; July 20-23, 1993 ISSN: 0300-5127 the whole document	1,2, 6-12, 15-19
X Furth	er documents are listed in the continuation of box C.	s are listed in annex.

Further documents are listed in the continuation of box C.	Patent family members are listed in annex.
Special categories of cited documents: 'A' document defining the general state of the art which is not considered to be of particular relevance 'E' earlier document but published on or after the international filing date 'L' document which may throw doubts on priority claim(s) or which is cited to establish the publication date of another citation or other special reason (as specified) 'O' document referring to an oral disclosure, use, exhibition or other means 'P' document published prior to the international filing date but later than the priority date claimed	 *T* later document published after the international filing date or priority date and not in conflict with the application but cited to understand the principle or theory underlying the invention *X* document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered novel or cannot be considered to involve an inventive step when the document is taken alone *Y* document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered to involve an inventive step when the document is combined with one or more other such documents, such combination being obvious to a person skilled in the art. *&* document member of the same patent family
Date of the actual completion of the international search	Date of mailing of the international search report
20 December 2000	11/01/2001
Name and mailing address of the ISA	Authorized officer
European Patent Office, P.B. 5818 Patentlaan 2 NL – 2280 HV Rijswijk Tel. (+31 –70) 340–2040, Tx. 31 651 epo nt, Fax: (+31–70) 340–3016	Hornig, H



Intel onal Application No .
PCT/EP 00/07253

C.(Continuation) DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT Category	., 8
X DE 195 07 546 A (MAX DELBRUECK CT FUER MOLEKULA) 12 September 1996 (1996-09-12) the whole document X GB 2 294 692 A (BRITISH GAS PLC) 8 May 1996 (1996-05-08) the whole document X GB 2 306 485 A (BRITISH GAS PLC) 7 May 1997 (1997-05-07) the whole document X GRAHAM-LORENCE SANDRA ET AL: "An active site substitution, F87V, converts cytochrome P450 BM-3 into a regio- and stereoselective (14S,15R)-arachidonic acid epoxygenase." JOURNAL OF BIOLOGICAL CHEMISTRY, vol. 272, no. 2, 1997, pages 1127-1135,	., 8
MOLEKULA) 12 September 1996 (1996-09-12) the whole document X	
the whole document X GB 2 306 485 A (BRITISH GAS PLC) 7 May 1997 (1997-05-07) the whole document X GRAHAM-LORENCE SANDRA ET AL: "An active site substitution, F87V, converts cytochrome P450 BM-3 into a regio- and stereoselective (14S,15R)-arachidonic acid epoxygenase." JOURNAL OF BIOLOGICAL CHEMISTRY, vol. 272, no. 2, 1997, pages 1127-1135,	, 8 ,
X GB 2 306 485 A (BRITISH GAS PLC) 7 May 1997 (1997-05-07) the whole document X GRAHAM-LORENCE SANDRA ET AL: "An active site substitution, F87V, converts cytochrome P450 BM-3 into a regio- and stereoselective (14S,15R)-arachidonic acid epoxygenase." JOURNAL OF BIOLOGICAL CHEMISTRY, vol. 272, no. 2, 1997, pages 1127-1135,	,
7 May 1997 (1997-05-07) the whole document X GRAHAM-LORENCE SANDRA ET AL: "An active site substitution, F87V, converts cytochrome P450 BM-3 into a regio- and stereoselective (14S,15R)-arachidonic acid epoxygenase." JOURNAL OF BIOLOGICAL CHEMISTRY, vol. 272, no. 2, 1997, pages 1127-1135,	,
GRAHAM-LORENCE SANDRA ET AL: "An active site substitution, F87V, converts cytochrome P450 BM-3 into a regio- and stereoselective (14S,15R)-arachidonic acid epoxygenase." JOURNAL OF BIOLOGICAL CHEMISTRY, vol. 272, no. 2, 1997, pages 1127-1135,	
epoxygenase." JOURNAL OF BIOLOGICAL CHEMISTRY, vol. 272, no. 2, 1997, pages 1127-1135,	
ISSN: 0021-9258 the whole document	
ENGLAND P A: "The oxidation of naphtalene and pyrene by cytochrome P450cam" FEBS LETTERS,NL,ELSEVIER SCIENCE PUBLISHERS, AMSTERDAM, vol. 424, no. 3, 13 March 1998 (1998-03-13), pages 271-274, XP002131695	i–12
ISSN: 0014-5793 the whole document	
JONES ET AL: "The oxidation of polychlorinated benzenes by genetically engineered cytochrome P450cam: potential applications in bioremediation" CHEMICAL COMMUNICATIONS, ROYAL SOCIETY OF CHEMISTRY, GB, no. 3, 7 February 2000 (2000-02-07), pages	-12
247-248, XP002152716 ISSN: 1359-7345 the whole document	
WO 00 31273 A (BELL STEPHEN GRAHAM; CARMICHAEL ANGUS BISHOP (GB); WONG LUET 6-12, LOK () 2 June 2000 (2000-06-02) 15-18 the whole document	
_/	



Inter >nal Application No PCT/EP 00/07253

ation) DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT Citation of document, with indication where appropriate, of the relevant passages		Relevant to claim No.
Olicino. S. Goodman, Man Massachar, Mana appraisant of Manager Processing		
WO 00 09682 A (DAVIS CHRISTOPHER; MAXYGEN INC (US); AFFHOLTER JOSEPH A (US); SELI) 24 February 2000 (2000-02-24) page 17, line 11 - line 24; figures 1-5 page 37, line 23 -page 38, line 21; claims 1-141		1,2, 6-12, 15-18
LI Q S ET AL: "Directed evolution of the fatty-acid hydroxylase P450 BM-3 into an indole-hydroxylating catalyst." CHEMISTRY, (2000 MAY 2) 6 (9) 1531-6., XP000971670 the whole document		1-19
GILLAM ELIZABETH M J ET AL: "Formation of indigo by recombinant mammalian cytochrome P450." BIOCHEMICAL AND BIOPHYSICAL RESEARCH COMMUNICATIONS, vol. 265, no. 2, 19 November 1999 (1999-11-19), pages 469-472, XP002156034 ISSN: 0006-291X the whole document		1,2,6-19
US 5 834 297 A (KIM IN CHEOL ET AL) 10 November 1998 (1998-11-10) the whole document		
CHERRY JOEL R ET AL: "Directed evolution of a fungal peroxidase." NATURE BIOTECHNOLOGY, vol. 17, no. 4, April 1999 (1999-04), pages 379-384, XP002156029 ISSN: 1087-0156 cited in the application the whole document		·
SCHWANEBERG ULRICH ET AL: "A continuous spectrophotometric assay for P450 BM-3, a fatty acid hydroxylating enzyme, and its mutant F87A." ANALYTICAL BIOCHEMISTRY, vol. 269, no. 2, 1 May 1999 (1999-05-01), pages 359-366, XP002156030 ISSN: 0003-2697 the whole document	÷ .	·
	WO 00 09682 A (DAVIS CHRISTOPHER; MAXYGEN INC (US); AFFHOLTER JOSEPH A (US); SELI) 24 February 2000 (2000-02-24) page 17, line 11 - line 24; figures 1-5 page 37, line 23 -page 38, line 21; claims 1-141 LI Q S ET AL: "Directed evolution of the fatty-acid hydroxylase P450 BM-3 into an indole-hydroxylating catalyst." CHEMISTRY, (2000 MAY 2) 6 (9) 1531-6., XP000971670 the whole document GILLAM ELIZABETH M J ET AL: "Formation of indigo by recombinant mammalian cytochrome P450." B10CHEMICAL AND BIOPHYSICAL RESEARCH COMMUNICATIONS, vol. 265, no. 2, 19 November 1999 (1999-11-19), pages 469-472, XP002156034 ISSN: 0006-291X the whole document US 5 834 297 A (KIM IN CHEOL ET AL) 10 November 1998 (1998-11-10) the whole document CHERRY JOEL R ET AL: "Directed evolution of a fungal peroxidase." NATURE BIOTECHNOLOGY, vol. 17, no. 4, April 1999 (1999-04), pages 379-384, XP002156029 ISSN: 1087-0156 cited in the application the whole document SCHWANEBERG ULRICH ET AL: "A continuous spectrophotometric assay for P450 BM-3, a fatty acid hydroxylating enzyme, and its mutant F87A." ANALYTICAL BIOCHEMISTRY, vol. 269, no. 2, 1 May 1999 (1999-05-01), pages 359-366, XP002156030 ISSN: 0003-2697	Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages WO 00 09682 A (DAVIS CHRISTOPHER; MAXYGEN INC (US); AFFHOLTER JOSEPH A (US); SELI) 24 February 2000 (2000-02-24) page 17, line 11 - line 24; figures 1-5 page 37, line 23 -page 38, line 21; claims 1-141 LI Q S ET AL: "Directed evolution of the fatty-acid hydroxylase P450 BM-3 into an indole-hydroxylating catalyst." CHEMISTRY, (2000 MAY 2) 6 (9) 1531-6., XP000971670 the whole document GILLAM ELIZABETH M J ET AL: "Formation of indigo by recombinant mammalian cytochrome P450." BIOCHEMICAL AND BIOPHYSICAL RESEARCH COMMUNICATIONS, vol. 265, no. 2, 19 November 1999 (1999-11-19), pages 469-472, XP002156034 ISSN: 0006-291X the whole document US 5 834 297 A (KIM IN CHEOL ET AL) 10 November 1998 (1998-11-10) the whole document CHERRY JOEL R ET AL: "Directed evolution of a fungal peroxidase." NATURE BIOTECHNOLOGY, vol. 17, no. 4, April 1999 (1999-04), pages 379-384, XP002156029 ISSN: 1087-0156 cited in the application the whole document SCHWANEBERG ULRICH ET AL: "A continuous spectrophotometric assay for P450 BM-3, a fatty acid hydroxylating enzyme, and its mutant F87A." ANALYTICAL BIOCHEMISTRY, vol. 269, no. 2, 1 May 1999 (1999-05-01), pages 359-366, XP002156030 ISSN: 0003-2697



Inte onal Application No PCT/EP 00/07253

	(Continuation) DOCIMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT			
C.(Continua Category °	Continuation) DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT egory Citation of document, with indication where appropriate, of the relevant passages Relevant to claim No.			
A	OLIVER CATHERINE F ET AL: "Engineering the substrate specificity of Bacillus megaterium cytochrome P-450 BM3: Hydroxylation of alkyl trimethylammonium compounds." BIOCHEMICAL JOURNAL, vol. 327, no. 2, 1997, pages 537-544, XP002156031 ISSN: 0264-6021 the whole document			
4	ATKINS W M ET AL: "Molecular recognition in cytochrome P-450: alteration of regioselective alkane hydroxylation via protein engineering" JOURNAL OF THE AMERICAN CHEMICAL SOCIETY, AMERICAN CHEMICAL SOCIETY, WASHINGTON, DC, US; vol. 111, 1989, pages 2715-2717, XP002131692 ISSN: 0002-7863		-	
	SIBBESEN O ET AL: "Putidaredoxin reductase-putidaredoxin-cytochrome P450cam triple fusion protein" JOURNAL OF BIOLOGICAL CHEMISTRY, US, AMERICAN SOCIETY OF BIOLOGICAL CHEMISTS, BALTIMORE, MD, vol. 271, no. 37, 13 September 1996 (1996-09-13), pages 22462-22469, XP002131693 ISSN: 0021-9258 the whole document			



information on patent family members

Inter onal Application No PCT/EP 00/07253

Patent docume cited in search rep		Publication date		Patent family member(s)	Publication date
DE 1950754	6 A	12-09-1996	WO	9627678 A	12-09-1996
GB 2294692	Α	08-05-1996	AU	705736 B	03-06-1999
			AU	3811795 A	31-05-1996
			CN	1171818 A	28-01-1998
			CZ	9701277 A	15-10-1997
			EP	0789770 A	20-08-1997
			WO	9614419 A	17-05-1996
			JP	10503658 T	07-04-1998
			KR	234348 B	15-12-1999
			NZ	294904 A	24-09-1998
			PL	319970 A	01-09-1997
			RU	2133774 C	27-07-1999
			SK	54597 A	04-02-1998
			US	6100074 A	08-08-2000
GB 2306485	A	07-05-1997	AU	705736 B	03-06-1999
			AU	3811795 A	31-05-1996
•			AU	716583 B	02-03-2000
			AU	7323696 A	22-05-1997
			CA	2236381 A	09-05-1997
			CN	1212015 A	24-03-1999
			CZ	9801273 A	13-01-1999
			CZ	9701277 A	15-10-1997
•			EP	0789770 A	20-08-1997
	•		EP	0906431 A	07-04-1999
			MO	9716553 A	09-05-1997
			JP	10503658 T	07-04-1998
				2000508163 T	04-07-2000
			KR	234348 B	15-12-1999
			NZ	294904 A	24-09-1998
		•	ΝZ	320497 A	29-09-1999
			PL	319970 A	01-09-1997
			PL	326445 A	28-09-1998 27-07-1999
			RU	2133774 C	
			SK	54597 A 55598 A	04-02-1998 13-04-1999
			SK US	6117661 A	13-04-1999
			US	6100074 A	08-08-2000
WO 0031273	Α	02-06-2000	AU	1281900 A	13-06-2000
WO 0009682	A	24-02-2000	AU	5347999 A	06-03-2000
US 5834297	Α	10-11-1998	US	5691171 A	25-11-1997

*.

VERTRAG ÜBEN DIE INTERNATIONALE ZUSAMMENARBEIT AUF DEM GEBIET DES PATENTWESENS

PCT

INTERNATIONALER VORLÄUFIGER PRÜFUNGSBERICHT

(Artikel 36 und Regel 70 PCT)

Aktenzeichen des Anmelders oder Anwalts	siehe Mi	tteilung über die Übersendung des internationalen
M/40241-PCT		en Prüfungsberichts (Formblatt PCT/IPEA/416)
Internationales Aktenzeichen	Internationales Anmeldedatum(Tag/Monat/Ja	hr) Prioritätsdatum (Tag/Monat/Tag)
PCT/EP00/07253	27/07/2000	27/07/1999
Internationale Patentklassifikation (IPK) oder i C12N15/53	nationale Klassifikation und IPK	
Anmelder BASF AKTIENGESELLSCHAFT et a	al.	
BAGI ARTIERGEDELEGGTIAL FOR		
Dieser internationale vorläufige Prüf Behörde erstellt und wird dem Anme	ungsbericht wurde von der mit der interna elder gemäß Artikel 36 übermittelt.	ationalen vorläufigen Prüfung beauftragten
2. Dieser BERICHT umfaßt insgesamt	9 Blätter einschließlich dieses Deckblatts	5.
und/oder Zeichnungen, die geä		Blätter mit Beschreibungen, Ansprüchen le liegen, und/oder Blätter mit vor dieser nitt 607 der Verwaltungsrichtlinien zum PCT)
3. Dieser Bericht enthält Angaben zu fo	olgenden Punkten:	•
I ⊠ Grundlage des Berichts		
Ⅱ 🖾 Priorität		
_	Gutachtens über Neuheit, erfinderische Tä	itigkeit und gewerbliche Anwendbarkeit
IV 🔲 Mangelnde Einheitlichke		•
V ⊠ Begründete Feststellung gewerblichen Anwendba	g nach Artikel 35(2) hinsichtlich der Neuhe arkeit; Unterlagen und Erklärungen zur Sti	eit, der erfinderischen Tätigkeit und der ützung dieser Feststellung
VI 🛛 Bestimmte angeführte U	Interlagen	
VII 🛛 Bestimmte Mängel der i	nternationalen Anmeldung	
VIII 🛚 Bestimmte Bemerkunge	n zur internationalen Anmeldung	
		llung diasas Parishts

Datum der Einreichung des Antrags	Datum der Fertigstellung dieses Berichts
23/02/2001	30.10.2001
Name und Postanschrift der mit der internationalen vorläufigen Prüfung beauftragten Behörde:	Bevollmächtigter Bediensteter
Europäisches Patentamt D-80298 München Tel. +49 89 2399 - 0 Tx: 523656 epmu d Fax: +49 89 2399 - 4465	Herrmann, K Tel. Nr. +49 89 2399 2670

INTERNATIONALER VORLÄUFIGER **PRÜFUNGSBERICHT**

Internationales Aktenzeichen PCT/EP00/07253

ı.	Gru	ndlage des Berichts					
1.	Hinsichtlich der Bestandteile der internationalen Anmeldung (<i>Ersatzblätter, die dem Anmeldeamt auf eine Aufforderung nach Artikel 14 hin vorgelegt wurden, gelten im Rahmen dieses Berichts als "ursprünglich eingereicht" und sind ihm nicht beigefügt, weil sie keine Änderungen enthalten (Regeln 70.16 und 70.17)): Beschreibung, Seiten:</i>						
	1-24	ursprüngliche Fassung					
	Patentansprüche, Nr.:						
	1-26	mit Telefax vom 22/10/2001					
	Seq	uenzprotokoll in der Beschreibung, Seiten:					
	1-39), in der ursprünglich eingereichten Fassung.					
2.	 Hinsichtlich der Sprache: Alle vorstehend genannten Bestandteile standen der Behörde in der Sprache, in der die internationale Anmeldung eingereicht worden ist, zur Verfügung oder wurden in dieser eingereicht, sofern unter diesem Punkt nichts anderes angegeben ist. 						
	Die Bestandteile standen der Behörde in der Sprache: zur Verfügung bzw. wurden in dieser Sprache eingereicht; dabei handelt es sich um						
	die Sprache der Übersetzung, die für die Zwecke der internationalen Recherche eingereicht worden ist (na Regel 23.1(b)).						
		die Veröffentlichungssprache der internationalen Anmeldung (nach Regel 48.3(b)).					
		die Sprache der Übersetzung, die für die Zwecke der internationalen vorläufigen Prüfung eingereicht worden ist (nach Regel 55.2 und/oder 55.3).					
3.	Hins inte	sichtlich der in der internationalen Anmeldung offenbarten Nucleotid- und/oder Aminosäuresequenz ist die mationale vorläufige Prüfung auf der Grundlage des Sequenzprotokolls durchgeführt worden, das:					
	☒	in der internationalen Anmeldung in schriftlicher Form enthalten ist.					
	☒	zusammen mit der internationalen Anmeldung in computerlesbarer Form eingereicht worden ist.					
		bei der Behörde nachträglich in schriftlicher Form eingereicht worden ist.					
		bei der Behörde nachträglich in computerlesbarer Form eingereicht worden ist.					
		Die Erklärung, daß das nachträglich eingereichte schriftliche Sequenzprotokoll nicht über den Offenbarungsgehalt der internationalen Anmeldung im Anmeldezeitpunkt hinausgeht, wurde vorgelegt.					
		Die Erklärung, daß die in computerlesbarer Form erfassten Informationen dem schriftlichen Sequenzprotokoll entsprechen, wurde vorgelegt.					

□ Beschreibung,

4. Aufgrund der Änderungen sind folgende Unterlagen fortgefallen:

Seiten:

INTERNATIONALER VORLÄUFIGER PRÜFUNGSBERICHT

Internationales Aktenzeichen PCT/EP00/07253

		Ansprüche,	Ńr.:
		Zeichnungen,	Blatt:
5.		angegebenen Gründ	ne Berücksichtigung (von einigen) der Änderungen erstellt worden, da diese aus den en nach Auffassung der Behörde über den Offenbarungsgehalt in der ursprünglich ng hinausgehen (Regel 70.2(c)).
		(Auf Ersatzblätter, di beizufügen).	e solche Änderungen enthalten, ist unter Punkt 1 hinzuweisen;sie sind diesem Bericht
6.		aige zusätzliche Bem ne Beiblatt	erkungen:
II.	Pric	orität	
1.			ne Berücksichtigung der beanspruchten Priorität erstellt worden, da folgende gen nicht innerhalb der vorgeschriebenen Frist eingereicht wurden:
		☐ Abschrift der frül	neren Anmeldung, deren Priorität beansprucht worden ist.
		☐ Übersetzung der	früheren Anmeldung, deren Priorität beansprucht worden ist.
2.			e Berücksichtigung der beanspruchten Priorität erstellt worden, da sich der s ungültig herausgestellt hat.
		Zwecke dieses Bericl bliche Datum.	nts gilt daher das obengenannte internationale Anmeldedatum als das
3.		aige zusätzliche Beme ne Beiblatt	erkungen:
111.	Keir	ne Erstellung eines (Butachtens über Neuheit, erfinderische Tätigkeit und gewerbliche Anwendbarkeit
1.	Folg erfin	jende Teile der Anmel iderischer Tätigkeit be	dung wurden nicht daraufhin geprüft, ob die beanspruchte Erfindung als neu, auf ruhend (nicht offensichtlich) und gewerblich anwendbar anzusehen ist:
		die gesamte internati	onale Anmeldung.
	Ø	Ansprüche Nr. 9-11,	13-15, 17-22, 25, 26 (teilweise).
Ве	grün	dung:	
			onale Anmeldung, bzw. die obengenannten Ansprüche Nr. beziehen sich auf den nstand, für den keine internationale vorläufige Prüfung durchgeführt werden braucht
	⊠		e Ansprüche oder die Zeichnungen (<i>machen Sie hierzu nachstehend genaue Angaben</i>) ten Ansprüche Nr. 9-11, 13-15, 17-22, 25, 26 (teilweise) sind so unklar, daß kein

INTERNATIONALER VORLÄUFIGER **PRÜFUNGSBERICHT**

Internationales Aktenzeichen PCT/EP00/07253

		sinnvolles Gutachten erstellt werden konnte (<i>genaue Angaben</i>): siehe Beiblatt					
	Ø	Die Ansprüche bzw. die obengenannten Ansprüche Nr. 9-11, 13-15, 17-22, 25, 26 (teilweise) sind so unzureichend durch die Beschreibung gestützt, daß kein sinnvolles Gutachten erstellt werden konnte.					
		Für die obengenannten Ansprü	che Nr	. wurde kein	internationaler Rechercher	nbericht erstellt.	
2.	und	ine sinnvolle internationale vorläufige Prüfung kann nicht durchgeführt werden, weil das Protokoli der Nukleotid- nd/oder Aminosäuresequenzen nicht dem in Anlage C der Verwaltungsvorschriften vorgeschriebenen Standard ntspricht:					
		Die schriftliche Form wurde nich Die computerlesbare Form wurd					
V.	Beg gew	Begründete Feststellung nach Artikel 35(2) hinsichtlich der Neuheit, der erfinderischen Tätigkeit und der gewerblichen Anwendbarkeit; Unterlagen und Erklärungen zur Stützung dieser Feststellung					
1.	Fest	tstellung					
	Neu	heit (N)	Ja: Nein:	Ansprüche Ansprüche	9-23, 25, 26 1-8, 24		
	Erfir	nderische Tätigkeit (ET)	Ja: Nein:	Ansprüche Ansprüche	9-23, 25, 26 1-8, 24		
	Gew	verbliche Anwendbarkeit (GA)	Ja: Nein:	Ansprüche Ansprüche	1-26		
2.		erlagen und Erklärungen ne Beiblatt		·		m *	4;

VI. Bestimmte angeführte Unterlagen

1. Bestimmte veröffentlichte Unterlagen (Regel 70.10)

und / oder

2. Nicht-schriftliche Offenbarungen (Regel 70.9)

siehe Beiblatt

VII. Bestimmte Mängel der internationalen Anmeldung

Es wurde festgestellt, daß die internationale Anmeldung nach Form oder Inhalt folgende Mängel aufweist: siehe Beiblatt

INTERNATIONALER VORLÄUFIGER PRÜFUNGSBERICHT - BEIBLATT

Dokumente

Für diesen internationalen vorläufigen Prüfungsbericht (IPER) werden die Dokumente des internationalen Recherchenbericht (ISR) vom 11.01.01 in der dort angegebenen Reihenfolge mit **D1-D17** abgekürzt.

Zu PUNKT I (Grundlage des Bescheids)

Die mit Telefax vom 22.10.01 eingereichten, geänderten Ansprüche 1-26 erfüllen die Erfordernisse von Art. 34(2)(b) PCT.

Für die Beurteilung der Frage, ob ein Disclaimer (Anspruch 1) zulässig ist, gibt es unter den PCT-Vertragsstaaten keine einheitlichen Kriterien. Nach dem EPÜ ist ein Disclaimer nur dann zulässig, wenn das zitierte Dokument nicht von Bedeutung für die weitere Prüfung der beanspruchten Erfindung ist. Es muß sich also um eine zufällig neuheitsschädliche Offenbarung handeln, welche z.B. nicht für die Beurteilung der erfinderischen Tätigkeit von Bedeutung ist. Nach Auffassung dieser Behörde erfüllt das Dokument **D5** diese Erfordernisse jedoch nicht (keine zufällig neuheitschädliche Offenbarung).

2 Die ursprünglich eingereichte Anmeldung enthält 39 Seiten Sequenzprotokoll (9 Sequenzen).

Zu PUNKT II (Priorität)

Die im Recherchenbericht als P-Dokumente bezeichneten Dokumente **D7**, **D10** und **D11** sind nicht als Stand der Technik nach Regel 64(1)(a) PCT zu berücksichtigen, da der beanspruchte Prioritätstag den relevanten Teilen der vorliegenden Anmeldung zuerkannt werden kann.

Zu PUNKT III (Keine Erstellung eines Gutachtens)

Aus der Beschreibung (siehe z.B. Beispiele) geht klar hervor, daß es sich bei den drei Mutationen Phe87Val; Phe87Val, Leu188Gln bzw. Phe87Val, Leu188Gln, Ala74Gly der Cytochrom P450 Monooxygenase BM-3 aus *B. megaterium* um die

INTERNATIONALER VORLÄUFIGER PRÜFUNGSBERICHT - BEIBLATT

technischen Merkmale handelt, welche für die Ausführung der Erfindung wesentlich sind, d.h. das objektive technische Problem, die Bereitstellung einer Cytochrom P450-Monooxygenase mit gesteigerter Indol-Turnover-Rate (Produktion von Indigo oder Indirubin) (siehe S. 20, Z. 28-30), wird nur gelöst, wenn die oben genannten Bedingungen erfüllt sind.

Da die unabhängigen Ansprüche 1, 9, 13, 19, 25 und 26 nicht alle wesentlichen technischen Merkmale der Erfindung enthalten, erfüllen sie nicht die Erfordernisse von Regel 6.3 PCT (siehe auch PCT Richtlinien III-4.4). Eine sinnvolle Prüfung ist deshalb für den Gegenstand der Ansprüche 9-11, 13-15, 17-22, 25 und 26 nicht möglich (Art. 6 und Art. 34(4)(a)(ii) PCT). Die unabhängigen Ansprüche 9, 13, 19, 25 und 26 wurden daher unter der Voraussetzung geprüft, daß sie die technischen Merkmale Phe87Val; Phe87Val, Leu188Gln oder Phe87Val, Leu188Gln, Ala74Gly enthalten.

Die unabhängigen Verfahrens-Ansprüche 9, 13, 19, 25 und 26 umfassen alle Cytochrom P450 Monooxygenasen bakteriellen Ursprungs, welche die gewünschte Eigenschaft aufweisen, zur mikrobiologischen Oxidation einer Noder Scheterocyclischen ein- oder mehrkernigen aromatischen Verbindung oder zur Herstellung von Indigo und/oder Indirubin geeignet zu sein. Jedoch ist nur eine begrenzte Anzahl solcher Enzyme vollständig offenbart (Art. 5 PCT) und durch die Beschreibung gestützt (Art. 6 PCT).

Ausser für die drei Mutanten (Phe87Val; Phe87Val, Leu188Gln und Phe87Val, Leu188Gln, Ala74Gly) der Cytochrom P450 Monooxygenase BM-3 aus *B. megaterium* wurde für keine weitere P450 Monooxygenase gezeigt, daß sie die gewünschte Eigenschaft aufweist. Auf S. 20, Z. 17 der vorliegenden Beschreibung wird offenbart, daß sogar eine definierte Einfachmutante (Leu188Gln) nur eine geringe Aktivität aufweist Indol zu oxidieren.

Da die Verfahrens-Ansprüche 9, 13, 19, 25 und 26 nicht die technischen Merkmale der oben beschriebenen Mutanten enthalten, erfüllen sie nicht die Erfordernisse von Art. 5/6 PCT und werden daher unter der Voraussetzung geprüft, daß sie die technischen Merkmale Phe87Val; Phe87Val, Leu188Gln oder Phe87Val, Leu188Gln, Ala74Gly enthalten.

Zu PUNKT V (Neuheit, erfinderische Tätigkeit, gewerbl. Anwendbarkeit)

1 Zusammenfassung der Anmeldung

Gegenstand der vorliegenden Anmeldung sind drei Mutanten (Phe87Val; Phe87Val, Leu188Gln und Phe87Val, Leu188Gln, Ala74Gly) der Cytochrom P450 Monooxygenase BM-3 aus *B. megaterium*. Insbesondere besagte Dreifachmutante, auch als "F87L188A74" bezeichnet, weist eine hohe Indol-Turnover-Rate zur Produktion von Indigo auf (siehe auch S. 20, Z. 17-30 der vorliegenden Beschreibung).

- 2 Neuheit (Art. 33(2) PCT)
- 2.1 Der Gegenstand von Ansprüchen 9-23, 25 und 26 ist der Öffentlichkeit durch den zur Verfügung stehenden Stand der Technik nicht zugänglich gemacht worden und kann daher als neu betrachtet werden.
- 2.1 Der Gegenstand der Ansprüche 1-8 und 24 erfüllt nicht die Anforderungen von Art. 33(2) und 33(3) PCT.
- 2.2 **D14** offenbart eine Cytochrom P450 Monooxygenase BM-3 aus *B. megaterium* mit veränderter Substratspezifität, welche eine Mutation an Aminosäureposition 87 aufweist (Phe87Ala). <u>Ansprüche 1-8</u> sind daher in der gegenwärtigen Form unter Art. 33(2) und 33(3) PCT nicht gewährbar.
- 2.3 Die IPEA ist der Auffassung, daß **D14** auch neuheitsschädlich für den Gegenstand von Anspruch 24 ist.
- 2.4 Es wird darauf hingewiesen, daß Ausdrücke wie "gegebenenfalls" (Ansprüche 1, 10 und 25) keine Beschränkung des Schutzumfangs des Patentanspruchs bewirken, d.h. das nach einem derartigen Ausdruck stehende Merkmal ist als ganz und gar fakultativ bzw. optional (nicht zwingend) zu betrachten (Richtlinien C-III, 4.6).

Die "Funktion" der Cytochrom P450 Monooxygenase ist in Anspruch 1 nur vage

definiert (Begriff "gegebenenfalls"). Daher bewirken die Ausdrücke "funktionelle Mutation" (Anspruch 1) und "funktionale Äquivalente" (Anspruch 3) keine Einschränkung des Schutzumfang besagter Ansprüche.

- 3 Erfinderische Tätigkeit (Art. 33(3) PCT)
- Der Gegenstand der Ansprüche 9-23, 25 und 26 ergibt sich nicht in naheliegender 3.1 Weise aus dem zur Verfügung stehenden Stand der Technik und erfüllt daher die Erfordernisse von Art. 33(3) PCT.
- 3.2 **D5** und **D14** offenbaren bereits Cytochrom P450 Monooxygenasen BM-3 aus B. megaterium mit veränderter Substratspezifität. Das Enzym von D5 weist z.B. eine Mutation an Aminosäureposition 87 auf (Phe87Val). Das Enzym von D14 weist ebenfalls eine Mutation an Aminosäureposition 87 aufweist (Phe87Ala). Cytochrom P450 Monooxygenasen mit veränderter Substratspezifität wurden ebenfalls bereits in D1, D3, D4, D6, D15 und D16 beschrieben.
- 3.3 Vor dem Prioritätstag der vorliegenden Anmeldung ist es ebenfalls gelungen, Indigo auf mikrobiologischem Weg herzustellen ("It is well-established that indigo may be prepared by microbial transformation") (siehe D5, S. 1533, rechte Spalte, Zitate 28 und 29 und Abb. 1). Auch D12 beschreibt bereits eine Methode zur Herstellung von Indigo unter Verwendung von rekombinanten Bakterien.
- Der Stand der Technik beschreibt jedoch nicht auf naheliegende Weise ein Verfahren zur mikrobiologischen Oxidation/Herstellung einer in den unabhängigen Ansprüchen definierten Verbindungen, dadurch gekennzeichnet, daß man eine Mutante der Cytochrom P450 Monooxygenase BM-3 aus B. megaterium verwendet, wobei die Mutante wenigstens eine der drei Mutationen Phe87Val; Phe87Val, Leu188Gln oder Phe87Val, Leu188Gln, Ala74Gly aufweist.
- Industrielle Verwertbarkeit (Art. 33(4) PCT) 4

Ansprüche 1-26 erfüllen die Anforderungen von Art. 33(4) PCT.

Bestimmte veröffentlichte Unterlagen (Regel 70.10) Zu PUNKT VI

			Prioritätsdatum
Anmelde Nr.	Veröffentlichungsdatum	Anmeldedatum	(zu Recht beansprucht)
Patent Nr.	(Tag/Monat/Jahr)	(Tag/Monat/Jahr)	(Tag/Monat/Jahr)
WO0031273	02.06.00	19.11.99	19.11.98
WO0009682	24.02.00	12.08.99	12.08.98

Besagte Dokumente sind zwischen dem Prioritätstag und dem Anmeldetag der vorliegenden Anmeldung veröffentlicht worden und sind daher nicht als Stand der Technik im Sinne von Regel 64(1)(b) PCT anzusehen. WO0031273 (D8) und WO0009682 (D9) beanspruchen jedoch ein früheres Prioritätsdatum als die vorliegende Anmeldung und werden daher in der regionalen Phase für die Beurteilung der Neuheit des beanspruchten Gegenstands von Bedeutung sein.

Zu PUNKT VII (Bestimmte Mängel der internationalen Anmeldung)

Aufgrund der Vielzahl unabhängiger Ansprüche mangelt es der Anmeldung insgesamt an Knappheit (Regel 6.1(a) PCT). 4 unabhängige Ansprüche beziehen sich auf keinen anderen Anspruch. Die unabhängigen Ansprüche 9, 13 19, 25 und 2 befassen sich z.B. alle mit einem "Verfahren zur mikrobiologischen Oxidation einer Verbindung".





PCT.

INTERNATIONAL PRELIMINARY EXAMINATION REPORT

(PCT Article 36 and Rule 70)

Applicant's or agent's file reference M/40241-PCT	FOR FURTHER ACTION	SeeNotificationofTransmittalofInternational Preliminar Examination Report (Form PCT/IPEA/416)				
International application No.	International filing date (day/n					
PCT/EP00/07253	27 July 2000 (27.0)	7.00)	27 July 1999 (27.07.99)			
International Patent Classification (IPC) or national classification and IPC C12N 15/53, 9/02, 15/70, 1/21, C12P 17/10, 17/16, 7/04, 7/22, 7/02, C12N 1/21						
Applicant	Applicant BASF AKTIENGESELLSCHAFT					
This international preliminary examinant and is transmitted to the applicant action.		by this Interna	tional Preliminary Examining Authority			
2. This REPORT consists of a total of	9 sheets, including	ng this cover sh	eet.			
amended and are the basis for		ning rectificati	n, claims and/or drawings which have been ons made before this Authority (see Rule			
These annexes consist of a to	tal of 6 sheets.					
3. This report contains indications relat	ting to the following items:					
I Basis of the report	I Basis of the report					
II Priority	II Priority					
III Non-establishment o	of opinion with regard to novelty	, inventive step	and industrial applicability			
IV Lack of unity of invo						
V Reasoned statement citations and explana	under Article 35(2) with regard ations supporting such statement	to novelty, inve t	entive step or industrial applicability;			
VI Certain documents o	rited					
VII Certain defects in the	e international application					
VIII Certain observations	VIII Certain observations on the international application					
Date of submission of the demand		completion of	this report			
23 February 2001 (23.0	02.01)	30 Oc	tober 2001 (30.10.2001)			
Name and mailing address of the IPEA/EP	Author	ized officer				
Facsimile No.	Telepho	one No.				

Form PCT/IPEA/409 (cover sheet) (July 1998)

INTERNATIONAL PRELIMINARY EXAMINATION REPORT

International application No.

PCT/EP00/07253

1. Basis	1. Basis of the report						
1. With	regard to	the elements of the international application:*					
	the inte	mational application as originally filed					
\boxtimes	the des	cription:					
	pages	1-24	, as originally filed				
	pages		, filed with the demand				
	pages	, filed with the letter of					
\boxtimes	the clai	ms:					
	pages		, as originally filed				
	pages	, as amended (togethe	r with any statement under Article 19				
	pages		, filed with the demand				
	pages	1-26 , filed with the letter of	22 October 2001 (22.10.2001)				
	the drav	wings:					
	pages		, as originally filed				
	pages		, filed with the demand				
	pages	, filed with the letter of					
∇	the seque	ence listing part of the description:					
	pages		as anisimally filed				
	pages		, as originally filed				
	pages	, filed with the letter of	, med with the demand				
2. With the in Thes	regard to nternation se elemen	o the language, all the elements marked above were available or furnished to the hall application was filed, unless otherwise indicated under this item ts were available or furnished to this Authority in the following language.	nis Authority in the language in which which is:				
	the lan	the language of a translation furnished for the purposes of international search (under Rule 23.1(b)).					
	the lan						
		the language of the translation furnished for the purposes of international preliminary examination (under Rule 55.2 and/ or 55.3).					
3. With preli	n regard minary e	to any nucleotide and/or amino acid sequence disclosed in the interna xamination was carried out on the basis of the sequence listing:	tional application, the international				
\boxtimes	contain	ned in the international application in written form.					
\boxtimes	filed to	gether with the international application in computer readable form.					
Ш	furnish	ed subsequently to this Authority in written form.					
	furnish	furnished subsequently to this Authority in computer readable form.					
		The statement that the subsequently furnished written sequence listing does not go beyond the disclosure in the international application as filed has been furnished.					
		atement that the information recorded in computer readable form is identical irnished.	to the written sequence listing has				
4.	The arr	nendments have resulted in the cancellation of:					
		the description, pages					
		the claims, Nos.					
		the drawings, sheets/fig					
5.		port has been established as if (some of) the amendments had not been made, so the disclosure as filed, as indicated in the Supplemental Box (Rule 70.2(c)).**	ince they have been considered to go				
in th		sheets which have been furnished to the receiving Office in response to an invite as "originally filed" and are not annexed to this report since they do no					
		ent sheet containing such amendments must be referred to under item 1 and anne	exed to this report.				

INTERNATIONAL PRELIMINARY EXAMINATION REPORT

International application No. PCT/EP 00/07253

I. Basis of the report

1. This report has been drawn on the basis of (Replacement sheets which have been furnished to the receiving Office in response to an invitation under Article 14 are referred to in this report as "originally filed" and are not annexed to the report since they do not contain amendments.):

Documents

For this international preliminary examination report the documents of the international search report dated January 11, 2001 are abbreviated as **D1-D17** in the order specified therein.

Claims 1-26 amended by fax submitted on October 22,
 2001 meet the requirements of PCT Article 34(2)(b).

The PCT Contracting States do not have uniform criteria for assessing whether a disclaimer (Claim 1) is permissible. According to the PCT, a disclaimer is only permissible if the cited document is of no significance for the further examination of the claimed invention. Therefore it must involve a coincidental disclosure prejudicial to novelty which, for example, is of no significance for the evaluation of inventive step. However, in the opinion of this authority document D5 does not meet these requirements (no coincidental disclosure prejudicial to novelty).

The application originally submitted contains 39 pages of sequence protocols (9 sequences).

INTERNATIONAL PRELIMINARY EXAMINATION REPORT

International application No.

PCT/EP00/07253

II. Priority					
This report has been established as if no priority had been claimed due to the failure to furnish within the prescribed time limit the requested:					
copy of the earlier application whose priority has been claimed.					
translation of the earlier application whose priority has been claimed.					
2. This report has been established as if no priority had been claimed due to the fact that the priority claim has been found invalid.					
Thus for the purposes of this report, the international filing date indicated above is considered to be the relevant date.					
3. Additional observations, if necessary:					
See the supplemental box					



International application No.

PCT/EP 00/07253

Supplemental Box			
(To be used when the space in	inv of the pre	ceding boxes is	not sufficient)

Continuation of: I I

Documents D7, D10 and D11 identified in the search report as P documents cannot be considered as prior art under PCT Rule 64.1(a) as the claimed priority date can be granted to the relevant parts of the present application.

- 4.



International application No.

PCT/EP00/07253

H	l. Non-	establishment of opinion with regard to novelty, inventive step and industrial applicability
1.	The q	uestions whether the claimed invention appears to be novel, to involve an inventive step (to be non obvious), or to be rially applicable have not been examined in respect of:
		the entire international application.
	\boxtimes	claims Nos. 9-11,13-15,17-22,25,26 (in part)
	becaus	se:
		the said international application, or the said claims Nosrelate to the following subject matter which does not require an international preliminary examination (specify):
		relate to the following subject matter which does not require an international promining of the matter (opens).
		the description, claims or drawings (indicate particular elements below) or said claims Nos. 9-11,13-15,17-22,25,26 (in part)
	\boxtimes	are so unclear that no meaningful opinion could be formed (speciful:
		** -
		about it as a social china New 2011 12 15 17 22 26 26 (in most)
	\boxtimes	the claims, or said claims Nos. 9-11,13-15,17-22,25,26 (in part) are so inadequately supported by the description that no meaningful opinion could be formed.
		no international search report has been established for said claims Nos
2.	A mea	ningful international preliminary examination cannot be carried out due to the failure of the nucleotide and/or amino acid ace listing to comply with the standard provided for in Annex C of the Administrative Instructions:
		the written form has not been furnished or does not comply with the standard.
		the computer readable form has not been furnished or does not comply with the standard.

International application No.

INTERNATIONAL PRELIMINARY EXAMINATION REPORT

PCT/EP 00/07253

Supplemental Box (To be used when the space in any of the preceding boxes is not sufficient)

Continuation of: III

From the description (see examples) it is clear 1. that the three mutations Phe87Val; Phe87Val, Leu188Gln or Phe87Val, Leu188Gln and Ala74Gly of the cytochrome P450 monooxygenase BM-3 from B.megaterium involve technical features which are important for carrying out the invention, i.e. the objective technical problem - the preparation of a cytochrome P-450 monooxgenase with increased indole turnover rate (production of indigo or indirubin) (see page 20, lines 28-30) - is only solved if the above-mentioned conditions are fulfilled.

> Because the independent Claims 1,9,13,19, 25 and 26 do not contain all the essential technical features of the invention they do not meet the requirements of PCT Rule 6.3 (see also PCT Guidelines III-4.4). A meaningful examination is therefore impossible for the subject matter of Claims 9-11, 13-15, 17-22, 25 and 26 (PCT Articles 6 and 34(4)(a)(ii)). The independent Claims 9, 13, 19, 25 and 26 were therefore examined on the assumption that they contain the technical features Phe87Val; Phe87Val, Leu188Gln or Phe87Val, Leu188Gln and Ala74Gly.

The independent method Claims 9, 13, 19, 25 and 26 2. all cover cytochrome P450 monooxygenases of bacterial origin which display the desired characteristic of being suitable for microbiological oxidation of an N or S heterocyclical mono- or multinuclear aromatic compound, or for the production of indigo and/or



International application No. PCT/EP 00/07253

Supplemental Box

(To be used when the space in any of the preceding boxes is not sufficient)

Continuation of: I I I

indirubin. However, only a limited number of such enzymes have been fully disclosed (PCT Article 5) and supported by the description (PCT Article 6).

Apart from the three mutations (Phe87Val; Phe87Val, Leu188Gln and Phe87Val, Leu188Gln, Ala74Gly) of the cytochrome P450 monooxygenase Bm-3 from B.megaterium, there is no indication that any other P450 monooxygenases contain the desired characteristic. Page 20, line 17 of the present description discloses that even a specific single mutation (Leu188Gln) only demonstrates a low indole-oxidising activity.

Since the method Claims 9, 13, 19, 25 and 26 do not contain the technical features of the mutations described above, they do not meet the requirements of PCT Articles 5 and 6 and are therefore examined on the assumption that they contain the technical features Phe87Val; Phe87Val, Leu188Gln or Phe87Val, Leu188Gln and Ala74Gly.

INTERNATIONAL PRELIMINARY EXAMINATION REPORT

International application No.
PCT/EP 00/07253

V.	Reasoned statement under Article 35(2) with regard to novelty, inventive step or industrial applicability; citations and explanations supporting such statement
	Statement

. Statement			
Novelty (N)	Claims	9-23,25,26	YES
, ,	Claims	1-8,24	NO NO
Inventive step (IS)		9-23,25,26	YES
	Claims	1-8,24	NO NO
Industrial applicability (IA)	Claims	1-26	YES
	Claims		NO

2. Citations and explanations

1. Summary of the application

The present application concerns three mutations (Phe87Val; Phe87Val, Leu188Gln and Phe87Val, Leu188Gln and Ala74Gly) of the cytochrome P450 monooxygenase BM-3 from B.megaterium. In particular the said triple mutation, also identified as "F87L188A74", displays a high indole turnover rate for the production of indigo (see also page 20, lines 17-30 of the present application).

2. Novelty (PCT Article 33(2))

- 2.1 The subject matter of <u>Claims 9-23, 25 and 26</u> has not been made public in the existing prior art and therefore can be considered novel.
- 2.2 The subject matter of Claims 1-8 and 24 does not meet the requirements of PCT Article 33(2) and 33(3).
- 2.3 **D14** discloses a cytochrome P450 monooxygenase Bm-3 from *B. megaterium* with altered substrate specificity which displays a mutation at amino acid



position 87 (Phe87Ala). Therefore, Claims 1-8 cannot be accepted in their current form under PCT Article 33(2) and (3).

- The international preliminary examining authority is 2.4 of the opinion that ${\bf D14}$ is also prejudicial to novelty for the subject matter of Claim 24.
- It should be noted that expressions such as 2.5 "optionally" (Claims 1, 10 and 25) do not restrict the scope of a claim. Consequently any feature preceded by such an expression is regarded as entirely optional (not compulsory) (see PCT Guidelines, Chapter III, 4.6)

The "function" of the cytochrome P450 monooxygenase is only vaguely defined in Claim 1 (concept "optionally"). For this reason the expressions "functional mutation" (Claim 1) and "functional equivalents" (Claim 3) do not restrict the scope of protection for the said claims.

3. Inventive Step (PCT Article 33(3))

- The subject matter of Claims 9-23, 25 and 26 are not 3.1 obvious from the available prior art and therefore meet the requirements of PCT Article 33(3).
- D5 and D14 already disclose cytochrome P450 3.2 monooxygenases Bm-3 from B.megaterium with altered substrate specificity. For example, the enzyme in D5 displays a mutation at amino acid position 87 (Phe87Val). The enzyme in **D14** also displays a mutation at amino acid position 87 (Phe87Ala). Cytochrome P450 monooxygenases with altered

INTERNATIONAL PRELIMINARY EXAMINATION REPORT

substrate specificity have also already been described in D1, D3, D4, D6, D15 and D16.

- 3.3 Before the priority date of the present application it had been possible to produce indigo microbiologically ("It is well-established that indigo may be prepared by microbial transformation") (see D5, page 1533, right-hand column, references 28 and 29 and Figure 1). D12 has also already described a method for the production of indigo using recombinant bacteria.
- 3.4 However, the prior art does not obviously describe a method for the microbiological oxidation of a compound identified in the independent claims, characterised by the fact that it uses a mutation of cytochrome P450 monooxygenase BM-3 from B.

 megaterium in which the mutant contains at least one of the three mutations Phe87Val; Phe87Val, Leu188Gln or Phe87Val, Leu188Gln or Ala74Gly.
- 4. Industrial applicability (PCT Article 33(4))

Claims 1-26 meet the requirements of PCT Article 33(4).

INTERNATIONAL PRELIMINARY EXAMINATION REPORT

PCT/EP 00/07253

Supplemental Box

(To be used when the space in any of the preceding boxes is not sufficient)

Continuation of:VI

Application No. Patent No.	Publication date (day/month/year)	Filing date (day/month/year)	Priority date (valid claim) (day/month/year)
WO0031273	02.06.00	19.11.99	19.11.98
WO0009682	24.02.00	12.08.99	12.08.98

The said documents were published between the priority date and the filing date of the present application and therefore cannot be considered as prior art within the meaning of PCT Rule 64.1(b). However, WO0031273 (D8) and WO0009682 (D9) claim an earlier priority date than the present application and will therefore be of significance in the regional phase for assessing the novelty of the claimed subject matter.

Intern

international application No.

PCT/EP 00/07253

INTERNATIONAL PRELIMINARY EXAMINATION REPORT

VII.	Certain	defects	in	the	international	application
------	---------	---------	----	-----	---------------	-------------

The following defects in the form or contents of the international application have been noted:

Due to its many independent claims the application displays an overall lack of clarity (PCT Rule 6.1(a)). Four of the independent claims refer to no other claim. For example, the independent Claims 9, 13, 19 25 and 2 all relate to a "method for the microbiological oxidation of a compound".

JC13 Rec'd PCT/PTO 17 JAN 2002

1

Patentansprüche:

Printed:30:10:200.1

15

25

30

- Cytochrom P450 Monooxygenase, welche zu wenigstens einer der folgenden Reaktionen befähigt ist:
 - a) Oxidation gegebenenfalls substituierter N-, O- oder S-heterocyclischer ein- oder mehrkerniger aromatischer Verbindungen;
 - b) Oxidation gegebenenfalls substituierter ein- oder mehrkerniger Aromaten:
 - c) Oxidation geradkettiger oder verzweigter Alkane und Alkene;
 - d) Oxidation gegebenenfalls substituierter Cycloalkane und Cycloalkene;

wobei die Monooxygenase abgeleitet ist von Cytochrom P450 Monooxygenase BM-3 aus Bacillus megaterium mit einer Aminosäuresequenz gemäß SEQ ID NO:2, welche wenigstens eine funktionelleiMutation in wenigstens einem der Aminosäuresequenzbereiche 172-224, 39-43, 48-52, 67-70, 330-335, 352-356, 73-82 und 86-88 aufweist; ausgenommen der Einfachmutante Phe87Val.

- 2. Monooxygenase nach Anspruch 1, dadurch gekennzeichnet, dass sie we20 nigstens eine funktionelle Mutation in wenigstens einem der Sequenzbereiche
 73-82, 86-88 und 172-224 aufweist.
 - 3. Monooxygenase nach Anspruch 1, dadurch gekennzelchnet, dass sie wenigstens eine der folgenden ein- oder mehrfachen Aminosäuresubstitutionen
 aufweist:
 - a) Plie87Val, Leu100Gln; oder
 - b) Phe87Val, Leu188Gin, Ala74Giy; sowie funktionale Äquivalente davon, welche zu wenigstens einer der obigen Oxidationsreaktionen befähigt sind.
 - 4. Nukleinsäuresequenz, kodierend für eine Monooxygenase nach einem der

5

20

25

30

2

vorherigen Ansprüche.

- 5. Expressionskonstrukt, enthaltend unter der genetischen Kontrolle regulativer Nukleinsäuresequenzen eine kodierende Sequenz, welche eine Nukleinsäuresequenz nach Anspruch 4 umfasst.
- 6. Vektor, umfassend wenigstens ein Expressionskonstrukt nach Anspruch 5.
- 7. Rekombinanter Mikroorganismus, transformiert mit wenigstens einem Vektor
 10 nach Anspruch 6.
 - 8. Mikroorganismus nach Anspruch 7, ausgewählt unter Bakterien der Gattung Escherichia.
- 15 9. Verfahren zur mikrobiologischen Oxidation einer N- oder S-heterocyclischen ein- oder mehrkernigen aromatischen Verbindung, dadurch gekennzeichnet, dass man
 - a1) einen rekombinanten Mikroorganismus, welcher eine Cytochrom P450 Monooxygenase bakterlellen Ursprungs exprimiert, in einem Kulturmedium, in Gegenwart eines exogenen oder intermediär gebildeten Substrats, kultiviert: oder
 - a2) ein Substrat-haltiges Reaktionsmedium mit einer Cytochrom P450 Monooxygenase bakteriellen Ursprungs inkubiert; und
 - b) das gebildete Oxidationsprodukt oder ein Folgeprodukt davon aus dem Medium isoliert.
 - 10. Verfahren nach Anspruch 9, dadurch gekennzeichnet, dass das exogene oder intermediär gebildete Substrat ausgewählt ist unter gegebenenfalls substituierten N- oder S-heterocyclischen ein- oder mehrkemigen aromatischen Verbindungen.

5

15

20

30

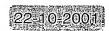
3

- 11. Verfahren nach Anspruch 9 oder 10, wobei die Monooxygenase eine Mutante nach einem der Ansprüche 1 bis 3 einschließlich der Mutante Phe87Val ist.
- 12. Verfahren nach Anspruch 11, wobei die Mutante wenigstens eine der folgenden ein- oder mehrfachen Aminosäuresubstitutionen aufweist:
 - a) Phe87Val;
 - b) Phe87Val, Leu188Gln; oder
 - c) Phe87Val, Leu188Gln, Ala74Gly.
- 10 13. Verfahren zur mikrobiologischen Oxidation einer Verbindung gemäß der Definition in Anspruch 1 b), c) oder d), dadurch gekennzeichnet, dass man
 - a1) einen rekombinanten Cytochrom P450 produzierenden Mikroorganismus nach Anspruch 7 oder 8 in einem Kulturmedium, in Gegenwart eines exogenen oder intermediär gebildeten Substrats, kultiviert; oder
 - a2) ein Substrat-haltiges Reaktionsmedium mit einer Cytochrom P450 Monooxygenase nach einem der Ansprüche 1 bis 3 inkubiert; und
 - b) das gebildete Oxidationsprodukt oder ein Folgeprodukt davon aus dem Medium isoliert:

wobei die Monooxygenase-Mutante Phe87Val nicht ausgeschlossen ist.

- 14. Verfahren nach Anspruch 13, dadurch gekennzeichnet, dass das exogene oder intermediär gebildete Substrat ausgewählt ist unter:
 - a) gegebenenfalls substituierten ein- oder mehrkernigen Aromaten;
 - b) geradkettigen oder verzweigten Alkanen und Alkenen;
- 25 c) gegebenenfalls substituierten Cycloalkanen und Cycloalkenen.
 - 15. Verfahren nach Anspruch 13 oder 14, wobei die Monooxygenase eine Mutante nach einem der Ansprüche 1 bis 3 einschließlich der Mutante Phe87Val ist.
 - 16. Verfahren nach Anspruch 15, wobei die Mutante wenigstens eine der folgen-





THIS PAGE BLANN (118 Priv)

.5

20

25

30

4

den ein- oder mehrfachen Aminosäuresubstitutionen aufweist:

- a) Phe87Val;
- b) Phe87Val, Leu188Gln; oder
- c) Phe87Val, Leu188Gln, Ala74Gly.
- 17. Verfahren nach einem der Ansprüche 9 bis 16, dadurch gekennzeichnet, dass man als exogenes Substrat wenigstens eine Verbindung, ausgewählt unter den oben definierten Gruppen a) bis d) von Verbindungen, einem Medium zusetzt und die Oxidation durch enzymatische Umsetzung des substrathaltiges Mediums in Gegenwart von Sauerstoff bei einer Temperatur von etwa 20 bis 40 °C und einem pH-Wert von etwa 6 bis 9 durchführt, wobei das substrathaltige Medium außerdem bezogen auf das Substrat einen etwa 10-bis 100-fachen molaren Überschuß an Reduktionsäquivalenten enthält.
- 15 18. Verfahren nach Anspruch 17, dadurch gekennzeichnet, dass man als exogenes Substrat eine Verbindung, ausgewählt unter Indol, n-Hexan, n-Octan, n-Decan, n-Dodecan, Cumol, 1-Methylindol, 5-Cl. oder Br Indol, Indon, Ben zothiophen, α-, β- oder γ-Ionon, Acridin, Naphthalin, 6-Methyl- oder 8-Methylchinolin, Chinolin und Chinaldin, einsetzt.
 - Verfahren zur mikrobiologischen Produktion von Indigo und/oder Indirubin, dadurch gekennzeichnet, dass man
 - a1) einen rekombinanten, eine Indol-oxidierende Cytochrom P450 produzierenden Mikroorganismus in einem Kulturmedium, in Gegenwart von exogenem oder intermediär gebildetem Indol, kultiviert; oder
 - a2) ein Indol-haltiges Reaktionsmedium mit einer Indol-oxidierenden Cytochrom P450 Monooxygenase inkubiert; und
 - b) das gebildete Oxidationsprodukt oder ein Folgeprodukt davon aus dem Medium isoliert;
 - 20. Verfahren nach Anspruch 19, dadurch gekennzeichnet, dass man aus dem

5

15

20

25

30

5

Medium das anfallende Indigo und/oder Indirubin isoliert, welches durch Oxidation von intermediär gebildetem Indol erzeugt wurde.

- 21. Verfahren nach Anspruch 20, dadurch gekennzeichnet, dass man die Indoloxidation durch Kultivierung der Mikroorganismen in Gegenwart von Sauerstoff
 bei einer Kultivierungstemperatur von etwa 20 bis 40 °C und einem pH-Wert
 von etwa 6 bis 9 durchführt.
- 22. Verfahren nach Anspruch 20 oder 21, wobei die Monooxygenase eine Mutante nach einem der Ansprüche 1 bis 3 einschließlich der Mutante Phe87Val ist.
 - 23. Verfahren nach Anspruch 22, wobei die Mutante wenigstens eine der folgenden ein- oder mehrfachen Aminosäuresubstitutionen aufweist:
 - a) Phe87Val;
 - b) Phe87Val, Leu188Gln; oder
 - c) Phe87Val, Leu188Gln, Ala74Gly.
 - 24. Bioreaktor, umfassend ein Enzym nach einem der Ansprüche 1 bis 3 oder einen rekombinanten Mikroorganismus nach einem der Ansprüche 7 oder 8 in immobilisierter Form.
 - 25. Verwendung einer Cytochrom P450 Monooxygenase nach einem der Ansprüche 1 bis 3, eines Vektors nach Ansprüch 6, oder eines Mikroorganismus nach Ansprüch 7 oder 8 zur mikrobiologischen Oxidation von
 - a) gegebenenfalls substituierten N-, O- oder S-heterocyclischen ein- oder mehrkernigen aromatischen Verbindungen;
 - b) gegebenenfalls substituierten ein- oder mehrkernigen Aromaten;
 - c) geradkettigen oder verzweigten Alkanen und Alkenen; und/oder
 - d) gegebenenfalls substituierten Cycloalkanen und Cycloalkenen.
 wobei die Monooxygenase-Mutante Phe87Val nicht ausgeschlossen ist.

6

26. Verwendung eines Indol-oxidierenden Cytochrom P450 produzierenden Mikroorganismus zur Herstellung von Indigo und/oder Indirubin.

40

- 1. A cytochrome P450 monooxygenase which is capable of at least one of the following reactions:
 - a) oxidation of unsubstituted or substituted N-, O- or S-heterocyclic mono- or polynuclear aromatic compounds;
 - b) oxidation of unsubstituted or substituted mono- or polynuclear aromatics;
 - c) oxidation of straight-chain or branched alkanes and alkenes;
 - d) oxidation of unsubstituted or substituted cycloalkanes and cycloalkenes.

15

10

- 2. A monooxygenase as claimed in claim 1, derived from cytochrome P450 monooxygenases of bacterial origin.
- 3. A monooxygenase as claimed in claim 2, derived from cytochrome P450 monooxygenase BM-3 from Bacillus megaterium having an amino acid sequence according to SEQ ID NO:2, which has at least one functional mutation in at least one of the amino acid sequence regions 172-224, 39-43, 48-52, 67-70, 330-335, 352-356, 73-82 and 86-88.

25

- 4. A monooxygenase as claimed in claim 3, which has at least one functional mutation in at least one of the sequence regions 73-82, 86-88 and 172-224.
- 30 5. A monooxygenase as claimed in claim 4, which has at least one of the following mono- or polyamino acid substitutions:
 - a) Phe87Val;
 - b) Phe87Val, Leu188Gln; or
 - c) Phe87Val, Leu188Gln, Ala74Gly;
- 35 and functional equivalents thereof.
 - 6. A nucleic acid sequence coding for a monooxygenase according to one of the preceding claims.
- 40 7. An expression construct comprising, under the genetic control of regulatory nucleic acid sequences, a coding sequence which comprises a nucleic acid sequence according to claim 6.
- 8. A vector comprising at least one expression construct45 according to claim 7.

TO COSTA MARIE

10

15

- 9. A recombinant microorganism transformed by at least one vector as claimed in claim 8.
- 10. A microorganism as claimed in claim 9, selected from bacteria5 of the genus Escherichia.
 - 11. A process for the microbiological oxidation of a compound as defined in claim 1, which comprises
 - al) culturing a recombinant microorganism as claimed in claim 9 or 10 in a culture medium, in the presence of an exogenous or intermediately formed substrate; or
 - a2) incubating a substrate-containing reaction medium with an enzyme as claimed in one of claims 1 to 5; and
 - b) isolating the oxidation product formed or a secondary product thereof from the medium.
 - 12. A process as claimed in claim 11, wherein the exogenous or intermediately formed substrate is selected from the group consisting of
 - a) unsubstituted or substituted N-, O- or S-heterocyclic mono- or polynuclear aromatic compounds;
 - b) unsubstituted or substituted mono- or polynuclear aromatics;
- 25 c) straight-chain or branched alkanes and alkenes;
 - d) unsubstituted or substituted cycloalkanes and cycloalkenes.
- 13. A process as claimed in claim 12, wherein the substrate is

 30 intermediately formed indole and the indigo and/or indirubin which is generated by oxidation of intermediately formed indole is isolated from the medium.
- 14. A process as claimed in claim 13, wherein the indole

 oxidation is carried out by culturing the microorganisms in
 the presence of oxygen at a culturing temperature of
 approximately 20 to 40°C and a pH of approximately 6 to 9.
- substrate, at least one compound selected from the compound groups a) to d) defined above is added to a medium and the oxidation is carried out by enzymatic conversion of the substrate-containing medium in the presence of oxygen at a temperature of about 20 to 40°C and a pH of about 6 to 9, where the substrate-containing medium additionally contains

THIS PAGE BLANK (USPTO)

an about 10- to 100-fold molar excess, based on the substrate, of reduction equivalents.

- 16. A process as claimed in claim 15, wherein the exogenous substrate used is a compound selected from the group consisting of indole, n-hexane, n-octane, n-decane, n-dodecane, cumene, 1-methylindole, 5-Cl- or Br-indole, indene, benzothiophene, $\alpha-\beta-$ and $\gamma-$ ionone, acridine, naphthalene, 6-methyl- or 8-methylquinoline, quinoline and quinaldine.
 - 17. A bioreactor comprising an enzyme as claimed in one of claims 1 to 5 or a recombinant microorganism as claimed in one of claims 9 or 10 in immobilized form.

15

18. The use of a cytochrome P450 monooxygenase as claimed in one of claims 1 to 5, of a vector as claimed in claim 8, or of a microorganism as claimed in claim 9 or 10 for the microbiological oxidation of

20

25

- a) unsubstituted or substituted N-, O- or S-heterocyclic mono- or polynuclear aromatic compounds;
- b) unsubstituted or substituted mono- or polynuclear aromatics;
- c) straight-chain or branched alkanes and alkenes; and/or
 - d) unsubstituted or substituted cycloalkanes and cycloalkenes.
- 19. The use as claimed in claim 18 for the preparation of indigo and/or indirubin.

35

THIS PAGE BLANK (USPTO)

Abstract

The invention relates to novel cytochrome P450 monooxygenases

5 with modified substrate specificity, nucleotide sequences coding therefor, expression constructs and vectors comprising these sequences, microorganisms transformed therewith, processes for the microbiological oxidation of various organic substrates, such as, for example processes for the preparation of indigo and indirubin.

15 ...,

THIS PAGE BLANK (USPTO)

1

We claim:

- A cytochrome P450 monooxygenase which is capable of at least
 one of the following reactions:
 - a) oxidation of optionally substituted N-, O- or S-heterocyclic mono- or polynuclear aromatic compounds;
 - b) oxidation of optionally substituted mono- or polynuclear aromatics;
- 10 c) oxidation of straight-chain or branched alkanes and alkenes;
 - d) oxidation of optionally substituted cycloalkanes and cycloalkenes;
- where the monocygenase is derived from cytochrome P450 monocygenase BM-3 from Bacillus megaterium having an amino acid sequence according to SEQ ID NO:2, which has at least one functional mutation in at least one of the amino acid sequence regions 172-224, 39-43, 48-52, 67-70, 330-335, 352-356, 73-82 and 86-88; except the single mutant Phe87Val.
 - 2. A monooxygenase as claimed in claim 1, which has at least one functional mutation in at least one of the sequence regions 73-82, 86-88 and 172-224.

3. A monooxygenase as claimed in claim 1, which has at least one of the following mono- or polyamino acid substitutions:

- a) Phe87Val, Leu188Gln; or
- b) Phe87Val, Leu188Gln, Ala74Gly;
- and functional equivalents thereof which are capable of at least one of the above oxidation reactions.

A nucleic acid sequence coding for a monooxygenase according to one of the preceding claims.

- 5. An expression construct comprising, under the genetic control of regulatory nucleic acid sequences, a coding sequence which comprises a nucleic acid sequence according to claim 4.
- 40 6. A vector comprising at least one expression construct according to claim 5.
 - 7. A recombinant microorganism transformed by at least one vector as claimed in claim 6.

THIS PAGE BLANK USPRO

15

- 8. A microorganism as claimed in claim 7, selected from bacteria of the genus Escherichia.
- 9. A process for the microbiological oxidation of an N- or S-heterocyclic mono- or polynuclear aromatic compound, which comprises
 - al) culturing a recombinant microorganism which expresses a cytochrome P450 monooxygenase of bacterial origin in a culture medium, in the presence of an exogenous or
- intermediately formed substrate; or
 a2) incubating a substrate-containing reaction medium with a
 cytochrome P450 monooxygenase of bacterial origin; and
 b) isolating the oxidation product formed or a secondary
 product thereof from the medium.
 - 10. A process as claimed in claim 9, wherein the exogenous or intermediately formed substrate is selected from optionally substituted N- or S-heterocyclic mono- or polynuclear aromatic compounds.
- A process as claimed in claim or 10, where the monooxygenase is a mutant as claimed in any of claims 1 to 3, including the mutant Phe87Val.
 - 25 12. A process as claimed in claim 11, where the mutant has at least one of the following mono- or polyamino acid substitutions:
 - a) Phe87Val;
 - b) Phe87Val, Leu188Gln; or
 - 30 c) Phe87Val, Leul88Gln, Ala74Gly.
- A process for microbiological oxidation of a compound as defined in claim 1b), c) or d), which comprises al) culturing a recombinant cytochrome P450-producing microorganism as claimed in claim 7 or 8 in a culture medium, in the presence of an exogenous or intermediately formed substrate; or
 - a2) incubating a substrate-containing reaction medium with a cytochrome P450 monooxygenase as claimed in any of claims 1 to 3; and
 - b) isolating the oxidation product formed or a secondary product thereof from the medium; where the monooxygenese mutant Phe87Val is not excluded.
 - 14. A process as claimed in claim 13, wherein the exogenous or intermediately formed substrate is selected from:

THIS PAGE BLANK WSPro

30

40

3

- a) optionally substituted mono- or polynuclear aromatics;
- b) straight-chain or branched alkanes and alkenes;
- optionally substituted cycloalkanes and cycloalkenes.
- 15. A process as claimed in claim 13 or 14, where the monooxygenase is a mutaht as claimed in any of claims 1 to 3, including the mutant Phes7Val.
- 10 16. A process as claimed in claim 15, where the mutant has at least one of the following mono- or polyamino acid substitutions:
 - a) Phe87Val;
 - b) Phe87Val, Leu188Gln; or
- 15 c) Phe87Val, Leu188Gln, Ala74Gly.

20 A process as claimed in any of claims 9 to 16, wherein, as exogenous substrate, at least one compound selected from the groups a) to d) of compounds defined above is added to a medium and the oxidation is carried out by enzymatic reaction of the substrate-containing medium in the presence of oxygen at a temperature of approximately 20 to 40°C and a pH of approximately 6 to 9, where the substrate-containing medium additionally contains an approximately 10- to 100-fold molar

excess of reduction equivalents based on the substrate.

18. A process as claimed in claim 17, wherein, as exogenous substrate, a compound selected from indole, n-hexane, n-octane, n-decane, n-dodecane, cumene, 1-methylindole, α-, β- or γ-ionone, acridine, naphthalene, 6-methyl- or 8-methylquinoline, quinoline and quinaldine is employed.

A process for the microbiological production of indigo and/or indirubin, which comprises

- al) culturing a recombinant microorganism which produces an indole-oxidizing cytochrome P450 in a culture medium, in the presence of exogenous or intermediately formed indole; or a2) incubating an indole containing reaction medium with an
- indole-oxidizing cytochrome P450 monooxygenase; and
- b) isolating the oxidation product formed or a secondary product thereof from the medium;
- 20. A process as claimed in claim 19, wherein the indigo and/or indirubin obtained, which was produced by oxidation of intermediately formed indole, is isolated from the medium.

AMENDED SHEET

THIS PAGE BLANK USPICIT

REITSTÖTTER, KINZEBACH&PAR

21. A process as claimed in claim 20, wherein the indole oxidation is carried out by culturing the microorganisms in the presence of oxygen at a culturing temperature of approximately 20 to 40°C and a pH of approximately 6 to 9.

5

22. A process as claimed in claim 20 or 21, where the monooxygenase is a mutant as claimed in any of claims 1 to 3 including the mutant Phe87val.

July 10

- 10 23. A process as claimed in claim 22, where the mutant has at least one of the following mono- or polyamino acid substitutions:
 - a) Phe87Val;
 - b) Phe87Val, Leul88Gln; or

c) Phe87Val, Leul88Gln, Ala74Gly.

- 24. A bioreactor comprising an enzyme as claimed in one of claims 1 to 3 or a recombinant microorganism as claimed in one of claims 7 or 8 in immobilized form.
 - 25. The use of a cytochrome P450 monooxygenase as claimed in one of claims 1 to 3, of a vector as claimed in claim 6, or of a microorganism as claimed in claim 7 or 8 for the microbiological oxidation of
 - a) optionally substituted N-, Of or S-heterocyclic mono- or polynuclear aromatic compounds
 - b) optionally substituted monp- or polynuclear aromatics:
 - c) straight-chain or branched alkanes and alkenes; and/or
- d) optionally substituted ycloalkanes and cycloalkenes, where the monocygenase mutant Phe87val is not excluded.
 - 26. The use of a microorganism producing indole-oxidizing cytochrome P450 for the preparation of indigo and/or indirubin.

40

35

25

THIS PAGE BLANK (USPEO)

Copy f r the Elected Offic (EO/US)

PANT COOPERATION TREAT

	From the INTERNATIONAL BUREAU		
PCT	To:		
NOTIFICATION OF THE RECORDING OF A CHANGE (PCT Rule 92bis.1 and Administrative Instructions, Section 422) Date of mailing (day/month/year)	KINZEBACH, Werner Reitstötter, Kinzebach & Partner Sternwartstrasse 4 D-81679 München ALLEMAGNE		
14 juin 2001 (14.06.01)			
Applicant's or agent's file reference			
M/40241-PCT	IMPORTANT NOTIFICATION		
International application No.	International filing date (day/month/year)		
PCT/EP00/07253	27 juillet 2000 (27.07.00)		
The following indications appeared on record concerning: X the applicant X the applicant the common representative			
Name and Address	State of Nationality State of Resid	ence	
	Telephone No.		
	Facsimile No.	Facsimile No.	
$\frac{1}{2} + \frac{1}{2} $			
The Property of the Control of the C	Teleprinter No.		
The International Bureau hereby notifies the applicant that the following change has been recorded concerning:			
the person the name the add		ce	
Name and Address	State of Nationality State of Reside	ance	
APPEL, Daniel	DE DE		
August-Lämmle-Weg 5 D-74348 Lauffen	Telephone No.		
Germany	Facsimile No.		
	Teleprinter No.		
3. Further observations, if necessary: The person indicated in Box No. 2 has been added as inventor/applicant for the US only.			
4. A copy of this notification has been sent to:			
X the receiving Office	the designated Offices concerned	•	
the International Searching Authority	X the elected Offices concerned	=	
X the International Preliminary Examining Authority	other:		
	Authorized officer		
The International Bureau of WIPO 34, chemin des Colombettes 1211 Geneva 20, Switzerland	Elisabeth KÖNIG		
Facsimile No.: (41-22) 740.14.35	Telephone No.: (41-22) 338.83.38		

THIS PAGE BLANK (USPTO)

PATENT COOPERATION TREATY

From the INTERNATIONAL BUREAU

PCT	То:
NOTIFICATION OF ELECTION (PCT Rule 61.2)	Commissioner US Department of Commerce United States Patent and Trademark Office, PCT 2011 South Clark Place Room CP2/5C24 Arlington, VA 22202
Date of mailing (day/month/year) 09 April 2001 (09.04.01)	ETATS-UNIS D'AMERIQUE in its capacity as elected Office
International application No. PCT/EP00/07253	Applicant's or agent's file reference M/40241-PCT
International filing date (day/month/year) 27 July 2000 (27.07.00)	Priority date (day/month/year) 27 July 1999 (27.07.99)
Applicant	
HAUER, Bernhard et al	
1. The designated Office is hereby notified of its election made: X In the demand filed with the International Preliminary Examining Authority on: 23 February 2001 (23.02.01)	
in a notice effecting later election filed with the International Bureau on:	
2. The election X was was was not was not made before the expiration of 19 months from the priority date or, where Rule 32 applies, within the time limit under Rule 32.2(b).	
	t j gas til jak
The International Bureau of WIPO 34, chemin des Colombettes 1211 Geneva 20, Switzerland	Authorized officer Peggy Steunenberg

Telephone No.: (41-22) 338.83.38

Form PCT/IB/331 (July 1992)

Facsimile No.: (41-22) 740.14.35

THIS PAGE BLANK (USPTO)

Neue Cytochrom P450-Monooxygenasen und deren Verwendung zur Oxidation von organischen Verbindungen

5 Beschreibung

Erfindung betrifft neue Cytochrom Die vorliegende P450-Monooxygenasen mit veränderter Substratspezifität, welche zur Oxidation organischer Substrate, wie z.B. N-heterocyclischer 10 aromatischer Verbindungen, befähigt sind, dafür kodierende Nudiese Sequenzen enthaltende Expressionskonkleotidsequenzen, strukte und Vektoren, damit transformierte Mikroorganismen, Verfahren zur mikrobiologischen Oxidation unterschiedlicher, organischer Substrate, wie N-heterocyclischer aromatischer Verbindungen 15 und insbesondere Verfahren zur Herstellung von Indigo und Indirubin.

Enzyme mit neuartigen Funktionen und Eigenschaften können entweder durch Screening natürlicher Proben oder durch Protein Engineering bekannter Enzyme bereitgestellt werden. Die letztgenannte Methode kann unter Umständen die geeignetere sein, um Eigenschaften zu induzieren, deren Generierung auf dem Wege natürlicher Selektion unwahrscheinlich ist. Trotz zahlreicher Anstrengungen zum Engineering von Enzymen gibt es bisher nur wenige erfolgreiche Studien zur Förderung der katalytischen Aktivität von Enzymmutanten bezüglich eines bestimmten Substrates (1-10). In diesen bekannten Fällen sind die Substrate strukturell eng verwandt mit dem nativen Substrat des jeweiligen Enzyms. Bisher gibt es keine Berichte über ein erfolgreiches Engineering von Enzymen, welche nach der Modifikation die Umsetzung einer Verbindung katalysieren, welche strukturell völlig verschieden vom nativen Substrat des Enzyms ist.

Die aus dem Bakterium Bacillus megaterium isolierbare Cytochrom P450-Monooxygenase Katalysiert gewöhnlich die subterminale Hydroxylierung langkettiger, gesättigter Säuren und der entsprechenden Amide und Alkohole davon oder die Epoxydation ungesättigter langkettiger Fettsäuren oder gesättigter Fettsäuren mit mittlerer Kettenlänge (11-13). Die optimale Kettenlänge gesättigter Fettsäuren beträgt 14 bis 16 Kohlenstoffatome. Fettsäuren mit einer Kettenlänge von weniger als 12 werden nicht hydroxyliert (11).

Die Struktur der Häm-Domäne von P450 BM-3 wurde durch Röntgenstrukturanalyse bestimmt (14-16). Die Substratbindungsstelle liegt in Form einer langen tunnelartigen Öffnung vor, welche von der Moleküloberfläche bis hin zum Häm-Molekül reicht und wird fast ausschließlich von hydrophoben Aminosäureresten begrenzt. Die einzigen geladenen Reste an der Oberfläche der Häm-Domäne sind die Reste Arg47 und Tyr51. Man nimmt an, daß diese an der

2

Bindung der Carboxylatgruppe des Substrates durch Bildung einer Wasserstoffbrückenbindung beteiligt sind (14). Die Mutation von Arg47 zu Glu bewirkt eine Inaktivierung des Enzyms für Arachidonsäure (13), erhöht jedoch dessen Aktivität gegenüber C12-C14-Alkyltrimethylammonium-Verbindungen (17). Eine Substratnutzung für aromatische Verbindungen, insbesondere ein-, zwei- oder mehrkernige, gegebenenfalls heterocyclische, Aromaten, Alkane, Alkene, Cycloalkane und -alkene, wurde für dieses Enzym nicht beschrieben. Es wurde deshalb bisher in der Fachwelt angenommen, daß andere als die bisher beschriebenen organischen Substrate, wie z.B. Indol, aufgrund der deutlichen strukturellen Unterschiede zu den nativen Substraten von P450 BM-3, insbesondere aufgrund des Fehlens funktioneller Gruppen, welche an die oben erwähnten Reste in der Substrattasche binden könnten, keine Substrat darstellen.

15 Es ist deshalb Aufgabe der vorliegenden Erfindung neue Cytochrom P450 Monooxygenasen mit veränderter Substratspezifität oder verändertem Substratprofil bereit zu stellen. Insbesondere sollten Monooxygenase-Mutanten bereitgestellt werden, welche im Vergleich zu dem nichtmutierten Wildtyp-Enzym mit strukturell deutlich anderen Substraten enzymatisch aktiv sind.

Ein "verändertes Substratprofil" ist für die erfindungsgemäßen Mutanten im Vergleich zum Wildtyp-Enzym zu beobachten. Man beobachtet für die jeweilige Mutante insbesondere eine Verbesserung 25 der Reaktivität, wie z. B. eine Erhöhung der spezifischen Aktivi-Substrat/Minute/nmol umgesetztes als nmol (ausgedrückt P450-Enzym), und/oder wenigstens eines kinetischen Parameters, ausgewählt unter Kcat, Km und Kcat/Km (z.B. um mindestens 1 %, wie etwa 10 bis 1000 %, 10 bis 500 %, oder 10 bis 100 %) bei Umsetzung zumindest einer der in den Gruppen a) bis d) definierten oxidierbaren Verbindungen. Die erfindungsgemäße Oxidationsreaktion umfasst die enzymkatalysierte Oxigenierung wenigstens eines exogenen (d.h. dem Reaktionsmedium zugesetzten) oder endogenen (d.h. im Reaktionsmedium bereits vorhandenen) organischen Substrats. Insbesondere umfasst die erfindungsgemäße Oxidations-35 reaktion eine Mono- und oder Polyhydroxylierung, wie z.B. eine Mono- und/oder Dihydroxylierung, an einer aliphatischen oder aromatischen C-H-Gruppe, oder eine Epoxidierung an einer vorzugsweise nichtaromatischen C=C-Gruppe. Auch Kombinationen obiger Reaktionen sind denkbar. Das unmittelbare Reaktionsprodukt kann au-40 Berdem im Rahmen einer nichtenzymatischen Folge- oder Nebenreaktion weiter umgewandelt werden. Derartige Kombinationen von enzymatischen und nichtenzymatischen Prozessen sind ebenfalls Gegenstand der Erfindung.

Die obige Aufgabe konnte überraschenderweise gelöst werden durch neuartige Cytochrom P450 Monooxygenasen, welche z.B. zur Oxida-

3

tion N-heterocyclischer zwei- oder mehrkerniger armotischer Verbindungen befähigt sind.

Insbesondere sind Gegenstand der Erfindung solche Monooxygenasen, deren Substrat-bindender Bereich durch ortsspezifische Mutagenese zur funktionalen Aufnahme neuer, wie z.B. N-heterocyclischer Substrate, befähigt ist.

In einer bevorzugten Ausführungsform der Erfindung sind die neuen Monooxygenase löslich, d.h. in nicht-membrangebundener Form exi10 stent, und in dieser Form enzymatisch aktiv.

Die erfindungsgemäßen Monooxygenasen sind vorzugsweise abgeleitet von Cytochrom P450 Monooxygenasen bakteriellen Ursprungs, wie insbesondere abgeleitet von Cytochrom P450 Monooxygenase BM-3 aus Bacillus megaterium mit einer Aminosäuresequenz gemäß SEQ ID NO:2, welche wenigstens eine funktionelle, d.h. die Oxidation neuer organischer Substrate (vgl. insbesondere die im Folgenden definierten Gruppen a) bis d) von Verbindungen), wie z.B. N-heterocyclischer ein-, zwei- oder mehrkerniger armotischer Verbindungen, fördernde Mutation, in einem der Aminosäuresequenzbereiche 172-224 (F/G-loop-Bereich), 39-43 (ß-strand 1), 48-52 (ß-strand 2), 67-70 (ß-strand 3), 330-335 (ß-strand 5), 352-356 (ß-strand 8), 73-82 (helix 5) und 86-88 (helix 6) aufweist.

Die erfindungsgemäß bereitgestellten Cytochrom P450 Monooxyge-25 nase-Mutanten, sind bevorzugt zu wenigstens einer der folgenden Reaktionen befähigt:

- a) Oxidation gegebenenfalls substituierter N-, 0- oder S-heterocyclischer ein-, zwei- oder mehrkerniger armotischer Verbindungen;
- b) Oxidation gegebenenfalls substituierter ein- oder mehrkerniger Aromaten;
- Oxidation geradkettiger oder verzweigter Alkane und Alkene;
 und
- 35 d) Oxidation gegebenenfalls substituierter Cycloalkane und Cycloalkene

30

Bevorzugte Monooxygenase-Mutanten weisen wenigstens eine funktionelle Mutation, insbesondere Aminosäuresubstitution, in wenigstens einem der Sequenzbereiche 73-82, 86-88 und 172-224 auf. So kann beispielsweise Phe87 ersetzt sein durch eine Aminosäure mit aliphatischer Seitenkette, wie z. B. Ala, Val, Leu, insbesondere Val; Leu188 kann ersetzt sein durch eine Aminosäure mit Amid-Seitenkette, wie z. B. Asn oder insbesondere Gln; und Ala74 kann ersetzt sein durch eine andere Aminosäure mit aliphatischer Seitenkette, wie z. B. Val und insbesondere Gly.

Besonders bevorzugten Monooxygenase-Mutanten dieses Typs sind, dadurch gekennzeichnet, daß sie wenigstens eine der folgenden ein- oder mehrfachen Aminosäuresubstitutionen aufweist:

- 1) Phe87Val;
- 5 2) Phe87Val, Leu188Gln; oder
 - 3) Phe87Val, Leu188Gln, Ala74Gly;

sowie funktionale Äquivalente davon. Der Zahlenwert gibt dabei 10 die Position der Mutation an; vor dem Zahlenwert steht die ursprüngliche, hinter dem Zahlenwert die neu eingeführte Aminosäure.

"Funktionale Äquivalente" oder Analoga der konkret offenbarten

Mutanten sind in diesem Zusammenhang davon verschiedene Mutanten,
welche weiterhin die gewünschte Substratspezifität im Rahmen wenigstens einer der oben bezeichneten Oxidationsreaktionen a) bis
d), also beispielsweise gegenüber heterozyklischen Aromaten, besitzen und z.B. Indol hydroxylieren, oder weiterhin das gewünschte, im Vergleich zum Wildtyp-Enzym "veränderte Substratprofil" zeigen.

Unter "funktionalen Äquivalenten" versteht man erfindungsgemäß auch Mutanten, welche in wenigstens einer der oben genannten Sequenzpositionen eine andere als die konkret genannte Aminosäuresubstitution aufweisen, aber trotzdem zu einer Mutante führen, die ebenso wie die konkret genannte Mutante ein gegenüber dem Wildtypenzym "verändertes Substratprofil" zeigen und wenigstens eine der oben genannten Oxidationsreaktionen katalysieren. Funktionale Äquivalenz ist insbesondere auch dann gegeben, wenn die Veränderungen im Substratprofil qualitativ übereinstimmen, d.h. beispielsweise gleiche Substrate aber mit unterschiedlicher Geschwindigkeit umgesetzt werden.

"Funktionale Äquivalente" umfassen natürlich auch P450-Monooxygenase-Mutanten, welche in gleicher Weise wie die konkret genannten
P450 BM3-Mutanten durch Mutation von P450-Enzymen aus anderen Organismen zugänglich sind. Beispielsweise lassen sich durch Sequenzvergleich Bereiche homologer Sequenzregionen festlegen. Mit
den modernen Methoden des Molecular Modeling können dann in Anlehnung an die konkreten Vorgaben der Erfindung äquivalente, das
Reaktionsmuster beeinflussende Mutationen vorgenommen werden.

"Funktionale Äquivalente" umfassen ebenso die durch eine oder mehrere zusätzliche Aminosäure-Additionen, -Substituenten, -Deletionen und/oder -Inversionen erhältlichen Mutanten, wobei die genannten zusätzlichen Veränderungen in jeglicher Sequenzposition auftreten können, solange sie zu einer Mutante mit verändertem Substratprofil im obigen Sinne führen.

5

Erfindungsgemäß oxidierbare Substrate der Gruppe a) sind gegebenenfalls substituierte heterocyclische ein-, zwei- oder mehrkernigen armotischen Verbindungen; insbesondere oxidierbare oder hydroxylierbare N-, O- oder S-heterocyclische ein-, zwei- oder 5 mehrkernige aromatische Verbindungen. Sie umfassen vorzugweise zwei oder drei, insbesondere zwei, vier- bis siebengliedrige, insbesondere sechs- oder fünfgliedrige, kondensierte Ringe, wobei wenigstens einer, vorzugsweise alle Ringe aromatischen Charakter besitzen und wobei wenigstens einer der aromatischen Ringe ein 10 bis drei, vorzugsweise ein N-, O- oder S-Heteroatom im Ring trägt. In der gesamten Ringstruktur können gegebenenfalls ein oder zwei weitere gleiche oder verschiedene Heteroatome enthalten sein. Die aromatischen Verbindungen können weiterhin 1 bis 5 Substituenten an den Ring-Kohlenstoff- oder an den Heteroatomen tragen. Beispiele für geeignete Substituenten sind C_1 - bis C_4 -Alkyl, wie Methyl, Ethyl, n- oder i-Propyl oder n-, i- oder t- Butyl oder C_2 - bis C_4 -Alkenyl, wie Ethenyl, 1-Propenyl, 2-Propenyl, 1-Butenyl, 2-Butenyl oder 3-Butenyl, Hydroxyl und Halogen, wie F, Cl, und Br. Die genannten Alkyl- oder Alkenylsubstituenten können gegebenenfalls auch eine Keto- oder Aldehydgruppe aufweisen; Beispiele hierfür sind Propan-2-on-3-yl, Butan-2-on-4-yl, 3-Bu-20 ten-2-on-4-yl. Nichtlimitierende Beispiele für geeignete heterocyclische Substrate sind insbesondere zweikernige Heterocyclen, wie Indol, N-Methylindol und die mit ein bis drei der oben definierten Substituenten an Kohlenstoffatomen substituierten Analoga 25 davon, wie z.B. 5-Chlor- oder 5-Brom-indol; sowie Chinolin und Chinolinderivate, wie z.B. 8-Methylchinolin, 6-Methylchinolin und Chinaldin; und Benzothiophen und die mit ein bis drei der oben definierten Substituenten an Kohlenstoffatomen substituierten Analoga davon. Außerdem seien genannt dreikernige Heteroaromaten 30 wie Acridin und die mit ein bis drei der oben definierten Substituenten an Kohlenstoffatomen substituierten Analoga davon.

Erfindungsgemäß oxidierbare Substrate der Gruppe b) sind gegebenenfalls substituierte ein- oder mehrkernige, insbesondere ein-35 oder zweikernige Aromaten, wie Benzol und Naphthalin. Die aromatischen Verbindungen können gegebenenfalls ein oder mehrfach substituiert sein und z.B. 1 bis 5 Substituenten an den Ring-Kohlenstoffatomen tragen. Beispiele für geeignete Substituenten sind C_1 bis C_4 -Alkyl, wie Methyl, Ethyl, n- oder i-Propyl oder n-, i- oder t- Butyl, oder C2 bis C4-Alkenyl, wie Ethenyl, 1-Propenyl, 2-Propenyl, 1-Butenyl, 2-Butenyl oder 3-Butenyl, Hydroxyl und Halogen, wie F, Cl, und Br. Die genannten Alkyl- oder Alkenylsubstituenten können gegebenenfalls auch eine Keto- oder Aldehydgruppe aufweisen; Beispiele hierfür sind Propan-2-on-3-yl, Butan-2-on-4-yl, 3-Buten-2-on-4-yl. Der Aromat kann gegebenenfalls mit einem vierbis siebengliedrigen, nichtaromatischen Ring kondensiert sein. Der nichtaromatische Ring kann gegebenenfalls eine oder zwei C=C-Doppelbindungen aufweisen, ein- oder mehrfach mit oben genannten

6

Substituenten substituiert sein und gegebenenfalls ein oder zwei Ringheteroatome tragen. Beispiele für besonders brauchbare Aromaten sind einkernige Aromaten, wie Cumol, sowie zweikernige Substrate, wie Inden und Naphthalin, sowie die mit ein bis drei der oben definierten Substituenten an Kohlenstoffatomen substituierten Analoga davon.

Erfindungsgemäß oxidierbare Substrate der Gruppe c) sind geradkettige oder verzweigte Alkane oder Alkene mit 4 bis 15, vorzugsweise 6 bis 12 Kohlenstoffatomen. Als Beispiele können genannt
werden n-Butan, n-Pentan, n-Hexan, n-Heptan-, n-Oktan, n-Nonan,
n-Decan, n-Undecan und n-Dodecan, sowie die ein- oder mehrfach
verzweigten Analoga dieser Verbindungen, wie z.B. analoge Verbindungen mit 1 bis 3 Methyl-Seitengruppen; oder die ein- oder mehrfach, beispielsweise einfach ungesättigten Analoga der oben genannten Alkane.

Erfindungsgemäß oxidierbare Substrate der Gruppe d) sind gegebenenfalls substituierte Cycloalkane und Cycloalkene mit 4 bis 8 Ring-C-Atomen. Beispiele hierfür sind Cyclopentan, Cyclopenten, Cyclohexan, Cyclohexan, Cyclohexan und Cyclohepten. Die Ringstruktur kann dabei ein- oder mehrfach, wie z.B. 1 bis 5 Substituenten gemäß obiger Definition für Verbindungen der Gruppen a) und b) tragen. Nichtlimitierendes Beispiel hierfür sind Ionone, wie α -, β - und γ -Ionon, sowie die entsprechenden Methylionone und Isomethylionone. Besonders bevorzugt sind α - und β -Ionon.

Gegenstand der Erfindung sind auch Nukleinsäuresequenzen, kodierend für eine der erfindungsgemäßen Monooxygenasen. Bevorzugte Nukleinsäuresequenzen sind abgeleitet von SEQ ID NO:1, welche wenigstens eine Nukleotidsubstitution aufweisen, die zu einer der oben beschriebenen funktionellen Aminosäuremutationen führt. Gegenstand der Erfindung sich außerdem die durch Addition, Substitution, Insertion und/oder Deletion einzelner oder mehrerer Nukleotide erhaltenen funktionalen Analoga der Nukleinsäuren, welche weiterhin für eine Monooxygenase mit der gewünschten Substratspezifität, wie z. B. mit Indol-oxidierender Aktivität, kodieren.

Erfindungsgemäß umfasst sind auch solche Nukleinsäuresequenzen, die sogenannte stumme Mutationen umfassen oder entsprechend der Codon-Nutzung eines speziellen Ursprungs- oder Wirtsorganismus, im Vergleich zu einer konkret genannten Sequenz verändert sind, ebenso wie natürlich vorkommende Varianten davon. Erfindungsgemäß mit umfasst sind außerdem durch Degeneration des genetischen Codes (d. h. ohne Veränderung der korrespondierenden Aminosäuresequenz) oder konservative Nukleotidsubstitution (d. h. die korrespondierende Aminosäure wird durch eine andere Aminosäure gleicher Ladung, Größe, Polarität und/oder Löslichkeit ersetzt) erhaltene Abwandlungen der Nukleinsäuresequenzen, ebenso wie durch Nukleo-

7

tidaddition, -insertion, -inversion oder -deletion veränderte Sequenzen, welche für eine erfindungsgemäße Monooxygenase mit "verändertem Substratprofil" kodieren, sowie die korrespondierenden komplemetären Sequenzen.

Gegenstand der Erfindung sind außerdem Expressionskonstrukte, enthaltend unter der genetischen Kontrolle regulativer Nukleinsäuresequenzen wenigstens eine für eine erfindungsgemäße Mutante kodierende Nukleinsäuresequenz; sowie Vektoren, umfassend wenigstens eines dieser Expressionskonstrukte.

Vorzugsweise umfassen die erfindungsgemäßen Konstrukte 5'-stromaufwärts von der jeweiligen kodierenden Sequenz einen Promotor
und 3'-stromabwärts eine Terminatorsequenz sowie gegebenenfalls
weitere übliche regulative Elemente, und zwar jeweils operativ
15 verknüpft mit der kodierenden Sequenz. Unter einer operativen
Verknüpfung versteht man die sequentielle Anordnung von Promotor,
kodierender Sequenz, Terminator und gegebenenfalls weiterer regulativer Elemente derart, dass jedes der regulativen Elemente
seine Funktion bei der Expression der kodierenden Sequenz bestimungsgemäß erfüllen kann. Beispiele für operativ verknüpfbare Sequenzen sind Targeting-Sequenzen sowie Translationsverstärker,
Enhancer, Polyadenylierungssignale und dergleichen. Weitere regulative Elemente umfassen selektierbare Marker, Amplifikationssignale, Replikationsursprünge und dergleichen.

25 Zusätzlich zu den artifiziellen Regulationssequenzen kann die natürliche Regulationssequenz vor dem eigentlichen Strukturgen noch vorhanden sein. Durch genetische Veränderung kann diese natürliche Regulation gegebenenfalls ausgeschaltet und die Expression der Gene erhöht oder erniedrigt werden. Das Genkonstrukt kann aber auch einfacher aufgebaut sein, das heißt es werden keine zusätzlichen Regulationssignale vor das Strukturgen insertiert und der natürliche Promotor mit seiner Regulation wird nicht entfernt. Statt dessen wird die natürliche Regulationssequenz so mutiert, dass keine Regulation mehr erfolgt und die Genexpression gesteigert oder verringert wird. Die Nukleinsäuresequenzen können in einer oder mehreren Kopien im Genkonstrukt enthalten sein.

Beispiele für brauchbare Promotoren sind: cos-, tac-, trp-, tet-, trp-tet-, lpp-, lac-, lpp-lac-, lacIq-, T7-, T5-, T3-, gal-, trc-, ara-, SP6-, l-PR- oder im l-PL-Promotor, die vorteilhafter-weise in gram-negativen Bakterien Anwendung finden; sowie die gram-positiven Promotoren amy und SPO2, die Hefepromotoren ADC1, MFa , AC, P-60, CYC1, GAPDH oder die Pflanzenpromotoren CaMV/35S, SSU, OCS, lib4, usp, STLS1, B33, nos oder der Ubiquitin- oder Phaseolin-Promotor. Besonders bevorzugt ist die Verwendung induzierbarer Promotoren, wie z.B. licht- und insbesondere temperaturinduztierbarer Promotoren, wie der PrP1-Promotor.

8

Prinzipiell können alle natürlichen Promotoren mit ihren Regulationssequenzen verwendet werden. Darüber hinaus können auch synthetische Promotoren vorteilhaft verwendet werden.

Die genannten regulatorischen Sequenzen sollen die gezielte Expression der Nukleinsäuresequenzen und der Proteinexpression ermöglichen. Dies kann beispielsweise je nach Wirtsorganismus bedeuten, dass das Gen erst nach Induktion exprimiert oder überexprimiert wird, oder dass es sofort exprimiert und/oder überexprimiert wird.

Die regulatorischen Sequenzen bzw. Faktoren können dabei vorzugsweise die Expression positiv beeinflussen und dadurch erhöhen
oder erniedrigen. So kann eine Verstärkung der regulatorischen
Elemente vorteilhafterweise auf der Transkriptionsebene erfolgen,
indem starke Transkriptionssignale wie Promotoren und/oder "Enhancer" verwendet werden. Daneben ist aber auch eine Verstärkung
der Translation möglich, indem beispielsweise die Stabilität der
mRNA verbessert wird.

Die Herstellung einer Expressionskassette erfolgt durch Fusion eines geeigneten Promotors mit einer geeigneten Monooxygenase-Nukleotidsequenz sowie einem Terminator- oder Polyadenylierungssignal. Dazu verwendet man gängige Rekombinations- und Klonierungstechniken, wie sie beispielsweise in T. Maniatis, E.F. Fritsch und J. Sambrook, Molecular Cloning: A Laboratory Manual, Cold Spring Harbor Laboratory, Cold Spring Harbor, NY (1989) sowie in T.J. Silhavy, M.L. Berman und L.W. Enquist, Experiments with Gene Fusions, Cold Spring Harbor Laboratory, Cold Spring Harbor, NY (1984) und in Ausubel, F.M. et al., Current Protocols in Molecular Biology, Greene Publishing Assoc. and Wiley Interscience (1987) beschrieben sind.

Das rekombinante Nukleinsäurekonstrukt bzw. Genkonstrukt wird zur Expression in einem geeigneten Wirtsorganismus vorteilhafterweise in einen wirtsspezifischen Vektor insertiert, der eine optimale Expression der Gene im Wirt ermöglicht. Vektoren sind dem Fachmann wohl bekannt und können beispielsweise aus "Cloning Vectors" (Pouwels P. H. et al., Hrsg, Elsevier, Amsterdam-New York-Oxford, 1985) entnommen werden. Unter Vektoren sind außer Plasmiden auch alle anderen dem Fachmann bekannten Vektoren, wie beispielsweise Phagen, Viren, wie SV40, CMV, Baculovirus und Adenovirus, Transposons, IS-Elemente, Phasmide, Cosmide, und lineare oder zirkuläre DNA zu verstehen. Diese Vektoren können autonom im Wirtsorganismus repliziert oder chromosomal repliziert werden.

Mit Hilfe der erfindungsgemäßen Vektoren sind rekombinante Mikro-45 organismen herstellbar, welche beispielsweise mit wenigstens einem erfindungsgemäßen Vektor transformiert sind und zur Produktion der Mutanten eingesetzt werden können. Vorteilhafterweise

9

werden die oben beschriebenen erfindungsgemäßen rekombinanten Konstrukte in ein geeignetes Wirtssystem eingebracht und exprimiert. Dabei werden vorzugsweise dem Fachmann bekannte geläufige Klonierungs- und Transfektionsmethoden verwendet, um die genannten Nukleinsäuren im jeweiligen Expressionssystem zur Expression zu bringen. Geeignete Systeme werden beispielsweise in Current Protocols in Molecular Biology, F. Ausubel et al., Hrsg., Wiley Interscience, New York 1997, beschrieben.

- Als Wirtsorganismen sind prinzipiell alle Organismen geeignet, die eine Expression der erfindungsgemäßen Nukleinsäuren, ihrer Allelvarianten, ihrer funktionellen Äquivalente oder Derivate ermöglichen. Unter Wirtsorganismen sind beispielsweise Bakterien, Pilze, Hefen, pflanzliche oder tierische Zellen zu verstehen. Bevorzugte Organismen sind Bakterien, wie solche der Gattungen Escherichia, wie z. B. Escherichia coli, Streptomyces, Bacillus oder Pseudomonas, eukaryotische Mikroorganismen, wie Saccharomyces cerevisiae, Aspergillus, höhere eukaryotische Zellen aus Tieren oder Pflanzen, beispielsweise Sf9 oder CHO-Zellen.
- Gewünschtenfalls kann das Genprodukt auch in transgenen Organismen wie transgenen Tieren, wie insbesondere Mäusen, Schafen oder transgenen Pflanzen zur Expression gebracht werden. Bei den transgenen Organismen kann es sich auch um sogenannte Knock-Out Tiere oder Pflanzen handeln, in denen das korrespondierende endogene Gen ausgeschaltet wurde, wie z. B. durch Mutation oder partielle oder vollständige Deletion.

Die Selektion erfolgreich transformierter Organismen kann durch Markergene erfolgen, die ebenfalls im Vektor oder in der Expressionskassette enthalten sind. Beispiele für solche Markergene sind Gene für Antibiotikaresistenz und für Enzyme, die eine farbgebende Reaktion katalysieren, die ein Anfärben der transformierten Zelle bewirkt. Diese können dann mittels automatischer Zellsortierung selektiert werden. Erfolgreich mit einem Vektor transformierte Mikroorganismen, die ein entsprechendes Antibiotikaresistenzgen (z. B. G418 oder Hygromycin) tragen, lassen sich durch entsprechende Antibiotika-enthaltende Medien oder Nährböden selektieren. Markerproteine, die an der Zelloberfläche präsentiert werden, können zur Selektion mittels Affinitätschromatographie genutzt werden.

40

Die Kombination aus den Wirtsorganismen und den zu den Organismen passenden Vektoren, wie Plasmide, Viren oder Phagen, wie beispielsweise Plasmide mit dem RNA-Polymerase/Promoter-System, die Phagen λ , μ oder andere temperente Phagen oder Transposons und/oder weiteren vorteilhaften regulatorischen Sequenzen bildet ein Expressionssystem. Beispielsweise ist unter dem Begriff "Expressionssystem" die Kombination aus Säugetierzellen, wie CHO-Zellen,

10

und Vektoren, wie pcDNA3neo-Vektor, die für Säugetierzellen geeignet sind, zu verstehen.

Wie oben beschrieben, kann das Genprodukt vorteilhaft auch in transgenen Tieren, z.B. Mäusen, Schafen oder transgenen Pflanzen zur Expression gebracht werden. Ebenso ist es möglich, zellfreie Translationssysteme mit der von der Nukleinsäure abgeleiteten RNA zu programmieren.

10

Gegenstand der Erfindung sind weiterhin Verfahren zur Herstellung einer erfindungsgemäßen Monooxygenase, wobei man einen Monooxygenase-produzierenden Mikroorganismus kultiviert, gegebenenfalls die Expression der Monooxygenase induziert und die Monooxygenase aus der Kultur isoliert. Die erfindungsgemäße Monooxygenase könne so auch in großtechnischem Maßstab produziert werden, falls dies erwünscht ist.

Der Mikroorganismus kann nach bekannten Verfahren kultiviert und fermentiert werden. Bakterien können beispielsweise in TB- oder LB-Medium und bei einer Temperatur von 20 bis 40 °C und einem pH-Wert von 6 bis 9 vermehrt werden. Im Einzelnen werden geeignete Kultivierungsbedingungen beispielsweise in T. Maniatis, E.F. Fritsch and J. Sambrook, Molecular Cloning: A Laboratory Manual, Cold Spring Harbor Laboratory, Cold Spring Harbor, NY (1989) beschrieben.

Die Zellen werden dann, falls die Monooxygenase nicht in das Kul-30 turmedium sezerniert wird, aufgeschlossen und die Monooxygenase nach bekannten Proteinisolierungsverfahren aus dem Lysat gewonnen. Die Zellen können wahlweise durch hochfrequenten Ultraschall, durch hohen Druck, wie z. B. in einer French-Druckzelle, durch Osmolyse, durch Einwirkung von Detergenzien, lytischen En-35 zymen oder organischen Lösungsmitteln, durch Homogenisatoren oder durch Kombination mehrerer der aufgeführten Verfahren aufgeschlossen werden. Eine Aufreinigung der Monooxygenase kann mit bekannten, chromatographischen Verfahren erzielt werden, wie Molekularsieb-Chromatographie (Gelfiltration), Q-Sepharosewie Chromatographie, Ionenaustausch-Chromatographie und Chromatographie, sowie mit anderen üblichen Verfahren wie Ultrafiltration, Kristallisation, Aussalzen, Dialyse und nativer Gelelektrophorese. Geeignete Verfahren werden beispielsweise in Cooper, F. G., Biochemische Arbeitsmethoden, Verlag Walter de Gruyter, Berlin, New York oder in Scopes, R., Protein Purification, Springer Verlag, New York, Heidelberg, Berlin beschrieben.

11

Besonders vorteilhaft ist es, zur Isolierung des rekombinanten Proteins Vektorsysteme oder Oligonukleotide zu verwenden, die die cDNA um bestimmte Nukleotidsequenzen verlängern und damit für veränderte Polypeptide oder Fusionsproteine kodieren, die einer einfacheren Reinigung dienen. Derartige geeignete Modifikationen sind beispielsweise als Anker fungierende sogenannte "Tags", wie z. B. die als Hexa-Histidin-Anker bekannte Modifikation oder Epitope, die als Antigene von Antikörpern erkannt werden können (beschrieben zum Beispiel in Harlow, E. and Lane, D., 1988, Antibodies: A Laboratory Manual. Cold Spring Harbor (N.Y.) Press). Diese Anker können zur Anheftung der Proteine an einen festen Träger, wie z. B. einer Polymermatrix, dienen, die beispielsweise in einer Chromatographiesäule eingefüllt sein kann, oder an einer Mikrotiterplatte oder an einem sonstigen Träger verwendet werden kann.

Gleichzeitig können diese Anker auch zur Erkennung der Proteine verwendet werden. Zur Erkennung der Proteine können außerdem übliche Marker, wie Fluoreszenzfarbstoffe, Enzymmarker, die nach Reaktion mit einem Substrat ein detektierbares Reaktionsprodukt bilden, oder radioaktive Marker, allein oder in Kombination mit den Ankern zur Derivatisierung der Proteine verwendet werden.

- Die Erfindung betrifft außerdem ein Verfahren zur mikrobiologischen Oxidation organischer Verbindungen, wie z.B. N-heterocyclischer ein-, zwei- oder mehrkerniger armotischer Verbindungen gemäß obiger Definition, das dadurch gekennzeichnet ist, daß man
- 30 al) einen rekombinanten Mikroorganismus gemäß obiger Definition in einem Kulturmedium in Gegenwart eines exogenen (von außen zugesetzten) oder intermediär gebildeten von der erfindungsgemäßen Monooxygenase oxidierbaren Substrats, vorzugsweise in Gegenwart von Sauerstoff (d.h. aerob), kultiviert; oder
- 35 a2) ein Substrat-haltiges Reaktionsmedium mit einem erfindungsgemäßen Enzym, vorzugsweise in Gegenwart von Sauerstoff und einem Elektronendonor, inkubiert; und
 - das gebildete Oxidationsprodukt oder ein Folgeprodukt davon aus dem Medium isoliert.

Der für die Umsetzung erforderliche Sauerstoff gelangt entweder aus der Umgebungsluft in das Reaktionsmedium oder kann, falls erforderlich, in an sich bekannter Weise zugesetzt werden.

45 Bevorzugt ist das oxidierbare Substrat ausgewählt unter

40

 a) gegebenenfalls substituierten N-heterocyclischen ein-, zweioder mehrkernigen armotischen Verbindungen;

PCT/EP00/07253 WO 01/07630

12

gegebenenfalls substituierten ein- oder mehrkernigen Aromab) ten;

- geradkettigen oder verzweigten Alkanen und Alkenen; C)
- gegebenenfalls substituierten Cycloalkanen und Cycloalkenen. d)

Eine bevorzugte Verfahrensvariante ist auf die Bildung von Indigo/Indirubin gerichtet und dadurch gekennzeichnet, dass das Substrat intermediär in Kultur gebildetes Indol ist und man aus dem Kulturmedium das anfallende Indigo und/oder Indirubin iso-10 liert, welches durch Oxidation von intermediär gebildete Hydroxyindolen erzeugt wurde.

Wird die erfindungsgemäße Oxidation mit einem rekombinanten Mikroorganismus durchgeführt, so erfolgt vorzugsweise zunächst die Kultivierung der Mikroorganismen in Gegenwart von Sauerstoff und in einem Komplexmedium, wie z.B. TB- oder LB- Medium bei einer 15 Kultivierungstemperatur von etwa 20 bis 40 °C und einem pH-Wert von etwa 6 bis 9, bis eine ausreichende Zelldichte erreicht ist. Die Zugabe von exogenem Indol ist gewöhnlich nicht erforderlich, da dieses vom Mikroorganismus intermediär gebildet wird. Bei Um-20 setzung anderer Substrate kann dagegen die Zugabe exogenen Substates erforderlich sein. Um die Oxidationsreaktion besser steuern zu können, bevorzugt man die Verwendung eines induzierbaren, insbesondere temperaturinduzierbaren, Promotors. Man erhöht dabei die Temperatur auf die erforderliche Induktionstemperatur, z.B. 25 42 °C beim PrP1-Promotor, behält dies über einen ausreichenden Zeitraum, z. B. 1 bis 10 oder 5 bis 6 Stunden, zur Expression der Monooxygenase-Aktivität bei und verringert anschließend der Temperatur wieder einer Wert von etwa 30 bis 40 °C. Die Kultivierung wird dann in Gegenwart von Sauerstoff 12 Stunden bis 3 Tage fort-30 gesetzt. Insbesondere bei Indol-Oxidation kann der pH-Wert durch Zugabe von NaOH, z.B. auf 9 bis 10, erhöht werden, wodurch die Indigobildung bzw. Indirubinbildung durch Luftoxidation der enzymatisch gebildeten Oxidationsprodukte 2- und 3-Hydroxyindol zusätzlich gefördert wird.

35

5

Die erfindungsgemäße Indigo/Indirubin-Bildung wird durch folgendes Reaktionsschema veranschaulicht:

wird die erfindungsgemäße Oxidation dagegen mit gereinigten oder angereicherten Enzymmutanten durchgeführt so löst man das erfindungsgemäße Enzym in einem exogenes Substrat enthaltenden, wie z.B. Indol enthaltenden, Medium (etwa 0,01 bis 10 mM, oder 0,05 bis 5 mM), und führt die Umsetzung, vorzugsweise in Gegenwart von Sauerstoff, bei einer Temperatur von etwa 10 bis 50 °C, wie z.B. 30 bis 40 °C, und einem pH-Wert von etwa 6 bis 9 (wie z.B. eingestellt mit 100 bis 200 mM Phosphat- oder Tris-Puffer), sowie in Gegenwart eines Reduktionsmittels durch, wobei das Substrat-haltige Medium außerdem bezogen auf das zu oxidierende Substrat einen etwa 1- bis 100-fachen oder 10- bis 100-fachen molaren Überschuß an Reduktionsäquivalenten enthält. Bevorzugtes Reduktions-

PCT/EP00/07253 WO 01/07630

14

mittel ist NADPH. Die Zugabe des Reduktionsmittels kann falls erforderlich portionsweise erfolgen.

In analoger Weise werden als oxidierbare Substrate bevorzugt eingesetzt: n-Hexan, n-Octan, n-Decan, n-Dodecan, Cumol, 1-Methylindol, 5-Cl- oder Br-Indol, Inden, Benzothiophen, α -, β - und γ -Ionon, Acridin, Naphthalin, 6-Methyl- oder 8-Methylchinolin, Chinolin und Chinaldin.

Beispielsweise kann die erfindungsgemäße enzymatische Oxidations-10 reaktion unter folgenden Bedingungen durchgeführt werden:

0,01 bis 20 mM Substratkonzentration:

0,1 bis 10 mg/ml Enzymkonzentration:

10 bis 50 °C 15 Reaktionstemperatur:

6 bis 8 pH:

0,05 bis 0,2 M Kaliumphosphat,oder Tris/ Puffer:

HCl 20

wird bevorzugt portionsweise zu-Elektronendonor:

gegeben (Anfangskonzentration

etwa 0,1 bis 2 mg/ml)

25 Vor dem Start der Reaktion, z.B. durch Zugabe der Elektronendonors (z.B. NADPH) kann kurzzeitig (1 bis 5 Minuten) vorinkubiert werden (bei etwa 20 bis 40 °C). Die Umsetzung erfolgt aeorb, gegebenenfalls bei zusätzlicher Einleitung von Sauerstoff.

Beim erfindungsgemäßen Substratoxidationsprozess wird im Reaktionsmedium enthaltener oder zugesetzter Sauerstoff reduktiv enzymatisch gespalten. Die erforderlichen Reduktionsäquivalente werden von dem zugesetzten Reduktionsmittel (Elektronendonor) zur Verfügung gestellt.

Das gebildete Oxidationsprodukt kann dann in herkömmlicher Weise, wie z.B. durch Extraktion oder Chromatographie, vom Medium abgetrennt und gereinigt werden.

40 Weitere Gegenstände der Erfindung betreffen Bioreaktoren, umfassend ein erfindungsgemäßes Enzym oder einen erfindungsgemäßen rekombinanten Mikroorganismus in immobilisierter Form.

Ein letzter Gegenstand der Erfindung betrifft die Verwendung einer erfindungsgemäßen Cytochrom P450 Monooxygenase oder eines er-45 findungsgemäßen Vektors oder Mikroorganismus zur mikrobiologischen Oxidation eines Substrates aus einer der Gruppen a) bis d), insbesondere N-heterocyclischer ein-, zwei- oder mehrkerniger ar15

motischer Verbindungen, und bevorzugt zur Bildung von Indigo und/ oder Indirubin.

Die vorliegende Erfindung wird nunmehr unter Bezugnahme auf die folgenden Beispiele näher beschrieben.

Beispiel 1:

Randomisierung spezieller Codons von P450 BM-3

Die Versuche wurden im wesentlichen wie beschrieben in (19) durchgeführt. Drei Positionen (Phe87, Leu188 und Ala74) wurden mit Hilfe von ortsspezifischer Mutagenese unter Verwendung des Stratagene QuikChange kit (La Jolla, CA, USA) randomisiert. Folgende PCR-Primer wurden für die einzelnen Positionen verwendet:

15 Phe87: 5'-gcaggagacgggttgnnnacaagctggacg-3' (SEQ ID NO:3), 5'-cgtccagcttgtnnncaacccgtctcctgc-3', (SEQ ID NO:4)

Leu188: 5'-gaagcaatgaacaagnnncagcgagcaaatccag-3' (SEQ ID NO:5), 5'-ctggatttgctcgctgnnncttgttcattgcttc-3' (SEQ ID NO:6);

Ala74: 5'-gctttgataaaaacttaaagtcaannncttaaatttgtacg-3'

20 (SEQ ID No:7),

5'-cgtacaaatttaagnnnttgacttaagtttttatcaaagc-3' (SEQ ID NO:8)

Die Bedingungen für die PCR waren für alle drei Positionen identisch. Insbesondere wurden je 50 μl Reaktionsvolumen 17,5 pmol eines jeden Primers, 20 pmol Template-Plasmid-DNA, 3 U der Pfu Polymerase und 3,25 nmol von jedem dNTP verwendet. Die PCR Reaktion wurde bei 94°C /1 min gestartet und dann wurde folgender Temperaturzyklus 20 mal durchgeführt: 94°C, 1 min; 46°C, 2,5 min; 72°C, 17 min. Nach 20 Zyklen wurde die Reaktion 15 min bei 72°C fortgesetzt. Nach der PCR wurde die Template DNA mit 20 U DpnI bei 37°C 3 h verdaut. Anschließend wurde E. coli DH5α transformiert. Die transformierten E. coli DH5α-Zellen wurden auf LB-Agarplatten ausplattiert, welche 150 μg/ml Ampicillin enthielten. Anschließend wurde 18 h bei 37°C inkubiert.

Beispiel 2:

35

Expression und Reinigung der P450 BM-3 und dessen Mutanten und Produktion eines blauen Pigmentes

40 Das P450 BM-3-Gen und die Mutanten davon wurden unter der Kontrolle des starken, Temperatur-induzierbaren P_RP_L -Promotors des Plasmids pCYTEXP1 in E. coli DH5 α wie bereits beschrieben (20), exprimiert. Kolonien wurden mit sterilen Zahnstochern aufgenommen und in Mikrotiterplatten mit 96 Vertiefungen, enthaltend je Vertiefung 200 μ l TB-Medium und 100 μ g/ml Ampicillin transferiert. Anschließend wurde über Nacht bei 37°C inkubiert. 40 μ l der Zellkultur einer jeden Vertiefung wurden anschließend in ein Kultur-

16

röhrchen überführt, das 2 ml TB-Medium mit 100 μg/ml Ampicillin enthält. Anschließend wurde 2 h bei 37°C kultiviert. Dann wurde die Tempertur zur Induktion 6 h auf 42°C erhöht. Dann wurde die Kultivierung über Nacht bei 37°C fortgesetzt, wobei ein blaues 5 Pigment produziert wurde.

Die präparative Herstellung von Enzym oder blauem Pigment wurde ausgehend von einer 300 ml Zellkultur (OD578nm = 0.8 bis 1.0) durchgefürht. Zur Isolierung des Enzymes wurden die Zellen 10 min bei 4000 Upm abzentrifugiert, in 0,1 M KxPO4-Puffer, pH 7,4 resuspendiert. Die eisgekühlten Zellen wurden mit Hilfe eines Branson Sonifiers W25 (Dietzenbach, Deutschland) bei einer Energieoutput von 80 W durch dreimalige Beschallung von 2 min vorsichtig aufgeschlossen. Die Suspensionen wurden 20 min bei 32570 x g zentrifugiert. Der Rohextrakt wurde zur Aktivitätsbestimmung bzw. zur En-15 zymreinigung eingesetzt. Die Enzymreinigung erfolgte wie in (21) bereits beschrieben, worauf hiermit ausdrücklich Bezug genommen wird. Die Konzentration an gereinigtem Enzym wurde über die Extinktionsdifferenz bei 450 und 490 nm, wie in (11) bereits beschrieben, unter Verwendung eines Extinktionskoeffizienten ϵ von **20** 91 mM^{-1} cm^{-1} bestimmt.

Beispiel 3:

Isolierung von Mutanten, welche große Mengen an blauem Pigment produzieren

Jeweils 100 Kolonien wurden von den Mutanten einer jeden Position isoliert, welche durch randomisierte Mutagenese des Codons der entsprechenden Position erzeugt wurden. Diese Kolonien wurden in Kulturröhrchen zur Produktion von blauem Pigment kultiviert. Nach dem Waschen der Zellen mit Wasser und mehreren langsamen Zentrifugationsschritten (500 Upm) wurde das blaue Pigment mit Dimethylsulfoxid (DMSO) extrahiert. Die Löslichkeit des blauen Pigmentes war in DMSO am größten. Die Absorption des Extraktes wurde bei 677 nm bestimmt. Diejenige Mutante, welche die größte Menge an blauem Pigment von allen Mutanten einer bestimmten Position produzierte, wurde für eine DNA-Sequenzierung (ABI DNA Sequenzierungs-Kit; ABI PrismTM 377 DNA Sequencer) verwendet und außerdem als Template für ortsspezifische randomisierte Mutagenese verwendet.

40 Beispiel 4:

Aktivitätstest für die Indol-Hydroxylierung

Die Indol-Hydroxylierungsaktivität wurde in einer Lösung getestet, die 8 µl einer 10-500 mM Indollösung in DMSO, 850 µl Tris/
HCl-Puffer (0,1 M, pH 8,2) und 0,6 nmol P450 BM-3 Wildtyp oder
Mutante in einem Endvolumen von 1 ml enthielt. Das Gemisch wurde
9 min vorinkubiert, bevor man die Reaktion durch Zugabe von 50 µl

einer wässrigen 1 mM Lösung von NADPH startete. Die Reaktion wurde nach 20 sec durch Zugabe von 60 μ l 1,2 M KOH gestoppt. Innerhalb von 5 bis 30 sec (unter aeroben Bedingungen) wurden die Enzymprodukte vollständig in Indigo $[\Delta^{2,2'}$ -Biindolin]-3,3'-dion) 5 und Indirubin ([Δ^2 ,3'-Biindolin]-2',3-dion) überführt. Die Indigoproduktion wurde über dessen Absorption bei 670 nm bestimmt. Eine Eichkurve mit reinem Indigo zeigte einen Extinktionskoeffizienten von 3,9 mM-1 cm-1 bei dieser Wellenlänge. Ein linearer Kurvenverlauf wurde für die Indigoproduktion in einer Reaktionszeit von 40 10 sec unter Verwendung von 0,6 nmol Wildtyp bzw. P450 BM-3-Mutante und 0,05 bis 5,0 mM Indol erhalten. Indirubin zeigt eine sehr schwache Absorption bei 670 nm und die gebildete Indirubinmenge war sehr viel geringer als die gebildete Indigomenge. Die Bildung von Indirubin wurde bei der Bestimmung der kinetischen Parameter vernachlässigt. Der NADPH-Verbrauch wurde bei 340 nm bestimmt und unter Verwendung eines Extinktionskoeffizienten von $6.2~\mathrm{mM^{-1}~cm^{-1}}$ wie beschrieben (17) berechnet.

Beispiel 5:

20 Reinigung von Indigo und Indirubin

Nach Waschen der Zellen mit Wasser und wiederholter Zentrifugation bei 500 g wurde das gebildete blaue Pellet mit Tetrahydrofuran (THF) extrahiert. Der Extrakt wurde bis fast zur Trockene 25 eingedampft und das rote Pigment wurde mehrmals mit 50 ml absolutem Ethanol extrahiert. Der verbleibende blaue Feststoff wurde in THF gelöst und durch Dünnschichtchromatographie (TLC) analysiert. Die Ethanollösung wurde eingedampft und durch Silicagelchromatographie (DC 60, Merck, Darmstadt, Deutschland; 2 cm x 30 cm) 30 gereinigt, bevor sie mit THF und Petrolether in einem Verhältnis von 1:2 gewaschen wurde. Die erhaltene rote Lösung wurde eingedampft und deren Reinheit wurde durch TLC bestimmt. Die Absorptionsspektren des blauen und des roten Pigmentes wurden mit Hilfe eines Ultraspec 3000 Spektrophotometers (Pharmacia, Uppsala, Swe-35 den) in einem Bereich von 400 bis 800 nm bestimmt. Außerdem wurde der blaue und der rote Farbstoff durch Massenspektrometrie und 1H-NMR Spektroskopie analysiert.

Versuchsergebnisse

40 1. Erhöhung der Produktivität für blaues Pigment durch P450 BM-3-Mutagenese

Natives P450 BM-3 besitzt nicht die Fähigkeit zur Produktion des blauen Indigo-enthaltenden Pigments, bzw. der Vorläufersubstanten 45 2- bzw 3-Hydroxyindol. Um eine ausreichende Menge an blauem Pigment herstellen zu können, wurde P450 BM3 einer gezielten Evolution ausgesetzt. Sämtliche Mutanten, welche das blaue Pigment

produzierten, wurden sequenziert. Es wurde festgestellt, daß wenigstens eine der folgenden drei Positionen mutiert waren: Phe87, Leu188 und Ala74. Es wurde deshalb angenommen, daß diese drei Positionen eine entscheidende Rolle für die Aktivität von P450 5 BM-3 bei der Produktion von blauem Pigment spielen. Aus der Struktur der Häm-Domäne von Cytochrom-P450-BM 3, komplexiert mit Palmitoleinsäure sieht man, daß Phe87 das Substrat an einem näheren Heranrücken an die Häm-Gruppe hindert (14). Die Mutante Phe87Val zeigt eine hohe Regio- und Stereoselektität bei der Epo-10 xidation von (14S, 15R)-Arachidonsäure (13) und die Mutante Phe87Ala verschiebt die Hydroxylierungsposition von $\omega - 1$, $\omega - 2$ und $\omega - 3$ zu (22). Die Position 87 wurde deshalb als erste für die ortspezifische randomisierte Mutanese mit Hilfe von PCR ausgewählt. In Röhrchenkulturen wurden 7 Kolonien erhalten, welche eine geringe Menge an blauem Pigment nach Induktion produzierten. Die Kolonie, welche die größte Menge des blauen Pigments produzierte, wurde für die DNA-Sequenzierung ausgewählt. Die Sequenzdaten ergaben eine Substitution von Phe87 durch Val. Die Mutante Phe87Val wurde anschließend als Template für die zweite Runde der ortsspezifischen randomisierte Mutagenese an Position Leu188 verwendet. Die Struktur der Häm-Domäne, komplexiert mit Palmitoleinsäure zeigt, daß die Repositionierung der F- und G-Helices den Rest Leul88 in direkten Kontakt mit dem Substrat bringt (14). Diese Position könnte deshalb eine wichtige Rolle bei der Substratbindung oder -orientierung spielen. Nach dem zweiten Scree-25 ningdurchgang wurden 31 Kolonien beobachtet, welche das blaue Pigment produzierten. Die Mutante, welche die größte Pigmentmenge produzierte, enthielt die Substitutionen Phe87Val und Leu188Gln. Diese Mutante wurde anschließend in Position Ala74 im dritten Durchgang der ortspezifischen randomisierten Mutagenese mutiert. erhielt dabei die Dreifachmutante F87L188A74 Leu188Gln und Ala74Gly), welche mehrere mg blaues Pigment in einem 2-Liter-Kolben, enthaltend 300 ml TB-Medium, produzierte. Diese Menge reichte zur Isolierung und Charakterisierung des blauen Pigmentes aus.

2. Isolierung und Identifizierung des blauen Pigments

Nach dem Auswaschen der Zellen wurde das verbleibende blaue Pellet mit THF extrahiert und TLC analysiert. Das blaue Pigment wurde in eine schneller wandernde blaue Komponente und in eine langsamer wandernde rote Komponente aufgetrennt. Beide Komponenten zeigten exakt die gleichen Mobilitätsparameter wie die Komponenten einer kommerziellen Indigo-Probe.

Nach der Reinigung wurden die Absorptionsspektra beider Komponen-45 ten in DMSO bestimmt. Die blaue Komponente zeigte das gleiche Spektrum wie eine kommerzielle Indigoprobe. Die gereinigte blaue und rote Komponente wurden jeweils durch Massenspektrometrie anaWO 01/07630 PCT/EP00/07253

19

lysiert. Die Massenspektra beider Pigmente zeigten einen starken Molekülionenpeak bei m/z=262 und zwei Fragmentionenpeaks bei m/z=234 und 205 (relative Intensität jeweils 10%). Dieses Muster ist typisch für indigoide Verbindungen. Die Elementarzusammensetzung dieser Ionen wurde durch hochauflösende Massenspektrometrie bestimmt als $C_{16}H_{10}N_2O_2$, $C_{15}H_{10}N_2O$ bzw. $C_{14}H_9N_2$. Dies ist ebenfalls charakteristisch für Strukturen vom Indigotyp. Das blaue Pigment wurde somit als Indigo und das rote Pigment als Indirubin bestimmt. Zur Bestätigung der Struktur wurden 500 MHz ^{1}H -NMR-Spektren beider Pigmente in DMSO-D₆-Lösung durchgeführt. Die Ergebnisse stimmten mit den Literaturangaben (23) überein.

Produktion von Indigo mit isolierten Enzymen

Es ist bekannt, daß Indigo aus Indol durch mikrobielle Transformation zugänglich ist (24-26). Keines dieser mikrobiellen Systeme enthielt jedoch eine P450 Monooxygenase. Erfindungsgemäß wurde zunächst die katalytische Aktivität des reinen Enzyms für Indol bestimmt. Die Mutante F87L188A74 wurde mit Indol vermischt. Keine Farbreaktion war zu beobachten. Erst nach Zugabe von NADPH zum 20 Reaktionsgemisch bildete sich das blaue Pigment nach etwa 20 min. Durch Einstellung des pH-Werts der Reaktionsmischung auf einen Wert von etwa 11, 30 sec nach Zugabe von NADPH, wurde die blaue Färbung innerhalb von wenigen Sekunden sichtbar. Kontrollversuche unter Verwendung von nativem P450 BM-3 waren immer negativ, 25 selbst unter Verwendung erhöhter Konzentrationen an Enzym, Indol und NADPH. Das blaue Pigment wurde mit Ethylacetat extrahiert und durch TLC analysiert. Das blaue Pigment trennte sich wieder in eine schneller laufende blaue Komponente und in eine langsamer laufende rote Komponente auf. Die Rf-Werte und die Absorptions-30 spektren waren identisch mit denjenigen Werten der Extakte aus der Fermentationsbrühe. Die F87L188A74-Mutante von P450 BM-3 stellt somit eine Indolhydroxylase dar.

Es sind bisher zwei Wege für die enzymatische Transformation von Indol zu Indigo beschrieben worden. Ein Weg wird durch eine Dioxygenase, der andere durch eine StyrolMonooxygenase katalysiert (24,25). Die NADPH-Stöchiometrie beträgt in beiden Fällen 2. Es wurde deshalb angenommen, daß im Gegensatz zu den Dioxygenasen die erfindungsgemäße Mutante F87L188A74 Indol in nur einer Position hydroxyliert, um Oxindol (2-Hydroxyindol) oder Indoxyl (3-Hydroxyindol) zu bilden.

4. Kinetische Parameter der Indolhydroxylierung

Reine Proben des Wildtyp-Enzyms P450 BM-3 und der Mutanten 45 Leu188Gln, Phe87Val, F87L188 und F87L188A74 wurden zur Bestimmung der kinetischen Parameter der Indolhydroxylierung verwendet. Die Ergebnisse sind in folgender Tabelle 1 zusammengefaßt.

Tabelle 1: Kinetische Parameter der P450 BM-3 Mutanten für Indolhydroxylierung

	Mutanten	K _{cat} (S ⁻¹)	K _m (mM)	$K_{\text{cat}}/K_{\text{m}}(M^{-1}s^{-1})$
5	WT	_a)	_	-
	Leul88Gln	n.d.b)	n.d.	n.d.
	Phe87Val	2,03 (0,14)	17,0 (1,0)	119
•	F87L188	2,28 (0,16)	4,2 (0,4)	543
10	F87L188A74	2,73 (0,16)	2,0 (0,2)	1365

a) keine Aktivität wurde beobachtet;

15 Selbst beim Überschuß an gereinigtem Enzym und hoher Indolkonzentration ist das Wildtyp-Enzym nicht in der Lage, Indol zu oxidieren. Die Mutante Leu188Gln zeigt eine geringe Aktivität. Die Mutante Phe87Val zeigt eine katalytische Wirksamkeit von 119 $^{\mathrm{M}-1}\mathrm{s}^{-1}$ für die Indolhydroxylierung. Die katalytische Effizienz der Dop-(Phe87Val,Leu188Gln) erhöhte sich F87L188 20 pelmutante $543~\mathrm{M^{-1}s^{-1}}$ und wurde durch Einführung der weiteren Substitution Ala74Gly auf 1365 $M^{-1}s^{-1}$ erhöht. Die K_{cat} -Werte erhöhten sich von Phe87Val zur Dreifachmutante hin um insgesamt 35%, während die K_m -Werte etwa um das Siebenfache abnahmen. Dies weist darauf hin, 25 daß Ala74Gly und Leu188Gln vorwiegend an der Substatbindung beteiligt sind.

Die Indol-Turnover-Rate ($K_{\text{cat}}=2.73~\text{s}^{-1}$) war für die Dreifachmutante F87L188A74 mehr als zehnfach höher als für die meisten P450-Enzyme (18).

Beispiel 6:

n-Oktanhydroxylierung mit modifizierter Cytochrom P450 Monooxygenase

Die Umsetzungen wurden mit einer P450 BM-3-Monooxygenase Mutante durchgeführt, die folgende Mutationen enthält: Phe87Val Leu188Gln Ala74Gly

Als Substrat wurde n-Octan gewählt. Für die Hydroxylierung des 40 n-Octans wurde folgender aerober Reaktionsansatz verwendet:

P450 BM-3 Mutante: Reaktionspuffer:

17,5 mg (Lyophylisat)

9,1 ml (Kaliumphosphat-Puffer 50 mM,

pH 7.5)

Substrat:

50 μl einer 60 mM Lösung (in Aceton)

remperatur:

25°C

b) nicht bestimmt (Aktivität war zu gering um gemessen zu werden

Enzymlyophylisat wurde in 500 µl Reaktionspuffer gelöst und zunächst mit Substrat und Reaktionspuffer 5 min bei Raumtemperatur inkubiert. Anschließend erfolgte die Zugabe von 300 µl NADPH-Lösung (5mg/ml). Die NADPH Zugabe wurde noch zweimal wiederholt.

5 Der Reaktionsverlauf wurde durch Absorptionsmessungen bei 340 nm verfolgt, wobei die NADPH Abnahme beobachtet werden kann. NADPH wird dabei in 300 µl-Schritten zugegeben, da eine zu hohe Konzentration an NADPH in der Reaktionslösung zu einer Inaktivierung des Enzyms führt. Zur Isolierung der Produkte wurde anschließend die Reaktionslösung 3 mal mit 5 ml Diethylether extrahiert. Die vereinigten organischen Phasen wurden über MgSO4 getrocknet und eingeengt. Anschließend wurden die Produkte über DC, GC/MS und NMR charakterisiert.

Die GC/MS Analyse des Reaktionsgemisches führte zu folgendem Er-15 gebnis:

Rt[min] ¹⁾	Umsatz [%]
13.51	37
14.08	47
14.26	16
	13.51 14.08

25 1)Temperaturprogramm: 40°C 1 min isotherm / 3°C/min 95°C /10°C/min 275°C; Apparatur: Finnigan MAT 95; GC: HP 5890 Series II Split Injector; Säule: HP-5MS (Methylsiloxan) 30m x 0.25mm; Trägergas:0,065 ml/min He

30 Edukt wurde nicht mehr gefunden.

Beispiel 7:

WO 01/07630

Hydroxylierung von Aromaten, Heteroaromaten und Trimethylcyclohe-35 xenylverbindungen

a) Beispiel 6 wurde wiederholt, wobei jedoch anstelle von n-Oktan als Substrat Naphthalin eingesetzt wurde. Als Produkte wurden 1-Naphthol und cis-1,2-Dihydroxy-1,2-dihydronaphthalin identifiziert. Vom eingesetzten Naphthalin wurden 88% umgesetzt.

Analytik für Umsetzungen mit Naphthalin

GC:

40

Apparatur: Carlo Erba Strumentazion Typ HRGC 4160 on Column Injector; Säule: DB5 30m x 0,2 mm; Material: 5% Diphenyl- 95% Dimethylpolysiloxan; Trägergas: 0,5 bar H₂;

WO 01/07630 PCT/EP00/07253

22

Temperaturprogramm: 40°C 1 min isotherm / 10°C/min bis 300°C Rt(1-Naphthol) = 16.68

NMR:

- 5 Im ¹H-NMR konnte l-Naphthol und cis-1,2-Dihydroxy-1,2-dihydronaphthalin identifiziert werden.
- b) Beispiel 6 wurde wiederholt, wobei jedoch anstelle von n-Oktan als Substrat 8-Methylchinolin eingesetzt wurde. Als
 Hauptprodukt wurde 5-Hydroxy-8-methylchinolin neben weiteren Derivaten (Produktverhältnis 5:1) identifiziert. Vom eingesetzten Edukt wurden 35% umgesetzt.
- c) Beispiel 6 wurde wiederholt, wobei jedoch anstelle von n-Oktan als Substrat α-Ionon eingesetzt wurde. Als Hauptprodukt wurde 3-Hydroxy-α-ionon neben weiteren Derivaten (Produktverhältnis 76:24) identifiziert. Vom eingesetzten Edukt wurden 60% umgesetzt.
- 20 d) Beispiel 6 wurde wiederholt, wobei jedoch anstelle von n-Oktan als Substrat Cumol (i-Propylbenzol) eingesetzt wurde. Es wurden fünf Monohydroxyprodukte und ein Dihydroxyprodukt identifiziert. Vom eingesetzten Edukt wurden 70% umgesetzt.

25

30

35

LITERATUR

1. Yano, T., Oue, S., and Kagamiyama, H. (1998) Proc. Natl. Acad Sci. USA 95,5511-5515.

5

- Zhang, J.-H., Dawes, G., and Stemmer, W. P. C. (1997) Proc. Natl. Acad Sci. USA 94, 4504-4509.
- Wan, L., Twitchett, M. B., Eltis, L. D., Mauk, A. G., and
 Smith, M. (1998) Proc. Natl. Acad Sci USA 95,12825-12831.
 - 4. Cronin, C. N. (1998) J. Biol. Chem 273,24465-24469.
- Wilks, H. M., Hart, K- W., Feeney, R., Dunn, C. R., Muirhead,
 H., Chia, W. N., Barstow, D. A., Atkinson, T., Clarke, A. R.,
 Holbrook, I J. (1988) Science 242, 1541-1544.
 - 6. Hedstrom, L., Szilagyi, L., Rutter, W. J. (1992) Science 255, 1249-1253.

20

- 7. Tucker, C. L., Hurley, J. H., Miller, T. R., and Hurley, I B. (1998) Proc. Natl. Acad Sci. USA 95, 5993-5997.
- Quemeneur, E., Moutiez, J.-B. C., and Menez, A. (1998) Nature
 (London) 391, 301-303.
 - 9. Marsden, A- F. A., Wilkinson, B., Cortes, J., Dunster, N. J., Staunton, I Leadlay, P. F. (1998) Science 279, 199-201.
- 30 10. Chen, R., Greer, A., and Dean, A. M. (1998) Proc. Natl. Acad Sci. US4 95, 11666-11670.
 - 11. Boddupalli, S. S., Estabrook, R. W. and Peterson, J. A. (1990) J Biol. Chem 265, 4233-4239.

- 12. Capdevila, J. H., Wie, S., Helvig, C., Falck, J. R., Belos-ludtsev, Y., Truan, G., Graham-Lorence, S. E., and Peterson, J. A. (1996) J. Biol. Chem 271, 22663-22671.
- 40 13. Graham-Lorence, S., Truan, G., Peterson, J. A., Flack, J. R., Wel S., Helvig, C., Capdevilla, J. H. (1997) J. Biol. Chem 272,1127-1135.
- 14. Li, H., Poulos, T. L. (1997) Nat. Structural Biol., 4, 140-146.

- Ravichandran, K G., Sekhar, S., Boddupalli, S., Hasemann, C. A., Peterson, J. A., Deisenhofer, 1 (1993) Science 261,731-736.
- 5 16. Modi S., Sutcliffe, M. J., Primrose, W. U., Lian, L.- Y., Roberts, G. C. K (1996) Nat. Structural Biol. 3, 414-417.
 - 17. Oliver, C.F., ModL S., Primrose, W.U., Lian, L.Y. and Roberts, G.C.K (1997) Biochem. J 327,537-544.

10

- 18. Guengerich, F.G. (1991) J. Biol. Chem 266,10019-10022.
- 19. Cherry, J. R., Lamsa, M. H., Schneider, P., Vind, J., Svendsen, A-, Jones, A., and Pedersen, A. H. (1999) Nature Biotechnology 17, 379-384.
 - 20. Schwaneberg, U., Schmidt-Dannert, C., Schmitt, J., and Schmid, R. D. (1999) Anal Biochem. 269,359-366.
- 20 21. Schwaneberg, U, Sprauer, AL, Schmidt-Dannert, C., and Schmid, R. D. J of Chromatogr. A, in press.
- 22. Oliver, C.F., Modi, S., Sutcliffe, M.J., Primrose, W.U.,
 Lian, L.Y. and Roberts, G.C.K (1997) Biochemistry 36,
 1567-1572.
 - 23. Hart, S., Koch, KR., and Woods, D.R. (1992) J Gen. Microbiol. 138,211-216
- 30 24. Murdock, D., Ensley, B.D., Serdar, C. and Thalen, M. (1993) Bio/Technology 11, 381-385.
 - 25. O'Connor, ICE., Dobson, A-W. and Hartmans, S. (1997) Appl. Environ. Microbiol. 63, 4287-4291.

35

26. Eaton, R. W. and Chapman, P. J. (1995) J Bacteriol. 177, 6983-6988.

WO 01/07630 PCT/EP00/07253

25

Patentansprüche

 Cytochrom P450 Monooxygenase, welche zu wenigstens einer der folgenden Reaktionen befähigt ist:

- a) Oxidation gegebenenfalls substituierter N-, O- oder S-heterocyclischer ein- oder mehrkerniger armotischer Verbindungen;
- 10 b) Oxidation gegebenenfalls substituierter ein- oder mehrkerniger Aromaten;
 - c) Oxidation geradkettiger oder verzweigter Alkane und Alkene;
- d) Oxidation gegebenenfalls substituierter Cycloalkane und
 15 Cycloalkene
 - Monooxygenase nach Anspruch 1, abgeleitet von Cytochrom P450 Monooxygenasen bakteriellen Ursprungs.
- 20 3. Monooxygenase nach Anspruch 2, abgeleitet von Cytochrom P450 Monooxygenase BM-3 aus Bacillus megaterium mit einer Aminosäuresequenz gemäß SEQ ID NO:2, welche wenigstens eine funktionelle Mutation in wenigstens einem der Aminosäuresequenzbereiche 172-224, 39-43, 48-52, 67-70, 330-335, 352-356, 73-82 und 86-88 aufweist.
 - 4. Monooxygenase nach Anspruch 3, dadurch gekennzeichnet, dass sie wenigstens eine funktionelle Mutation in wenigstens einem der Sequenzbereiche 73-82, 86-88 und 172-224 aufweist.
- 30
 5. Monooxygenase nach Anspruch 4, dadurch gekennzeichnet, dass sie wenigstens eine der folgenden ein- oder mehrfachen Aminosäuresubstitutionen aufweist:
- 35 a) Phe87Val;
 - b) Phe87Val, Leu188Gln; oder
 - c) Phe87Val, Leu188Gln, Ala74Gly;

sowie funktionale Äquivalente davon.

 Nukleinsäuresequenz, kodierend für eine Monooxygenase nach einem der vorherigen Ansprüche. WO 01/07630 PCT/EP00/07253

7. Expressionskonstrukt, enthaltend unter der genetischen Kontrolle regulativer Nukleinsäuresequenzen eine kodierende Sequenz, welche eine Nukleinsäuresequenz nach Anspruch 6 umfasst.

5

- 8. Vektor, umfassend wenigstens ein Expressionskonstrukt nach Anspruch 7.
- Rekombinanter Mikroorganismus, transformiert mit wenigstens
 einem Vektor nach Anspruch 8.
 - 10. Mikroorganismus nach Anspruch 9, ausgewählt unter Bakterien der Gattung Escherichia.
- 15 11. Verfahren zur mikrobiologischen Oxidation einer Verbindung gemäß der Definition von Anspruch 1, dadurch gekennzeichnet, dass man
- al) einen rekombinanten Mikroorganismus nach Anspruch 9 oder 10 in einem Kulturmedium, in Gegenwart eines exogenen oder intermediär gebildeten Substrats, kultiviert; oder
 - a2) ein Substrat-haltiges Reaktionsmedium mit einem Enzym nach einem der Ansprüche 1 bis 5 inkubiert; und
- b) das gebildete Oxidationsprodukt oder ein Folgeprodukt davon aus dem Medium isoliert.
 - 12. Verfahren nach Anspruch 11, dadurch gekennzeichnet, dass das exogene oder intermediär gebildete Substrat ausgewählt ist unter

30

- a) gegebenenfalls substituierten N-, O- oder S-heterocyclischen ein- oder mehrkernigen armotischen Verbindungen;
- b) gegebenenfalls substituierten ein- oder mehrkernigen Aromaten;
- c) geradkettigen oder verzweigten Alkanen und Alkenen;
 - d) gegebenenfalls substituierten Cycloalkanen und Cycloalkenen.
- 13. Verfahren nach Anspruch 12, dadurch gekennzeichnet, dass das

 40 Substrat intermediär gebildetes Indol ist und man aus dem Medium das anfallende Indigo und/oder Indirubin isoliert, welches durch Oxidation von intermediär gebildetem Indol erzeugt
 wurde.
 - 45 14. Verfahren nach Anspruch 13, dadurch gekennzeichnet, dass man die Indoloxidation durch Kultivierung der Mikroorganismen in Gegenwart von Sauerstoff bei einer Kultivierungstemperatur

von etwa 20 bis 40 °C und einem pH-Wert von etwa 6 bis 9 durchführt.

- 15. Verfahren nach Anspruch 11, dadurch gekennzeichnet, dass man als exogenes Substrat wenigstens eine Verbindung, ausgewählt unter den oben definierten Gruppen a) bis d) von Verbindungen, einem Medium zusetzt und die Oxidation durch enzymatische Umsetzung des substrathaltiges Mediums in Gegenwart von Sauerstoff bei einer Temperatur von etwa 20 bis 40 °C und einem pH-Wert von etwa 6 bis 9 durchführt, wobei das substrathaltige Medium außerdem bezogen auf das Substrat einen etwa 10- bis 100-fachen molaren Überschuß an Reduktionsäquivalenten enthält.
- 15 16. Verfahren nach Anspruch 15, dadurch gekennzeichnet, dass man als exogenes Substrat eine Verbindung, ausgewählt unter Indol, n-Hexan, n-Octan, n-Decan, n-Dodecan, Cumol, 1-Methylindol, 5-Cl- oder Br-Indol, Inden, Benzothiophen, α-, β- und γ-Ionon, Acridin, Naphthalin, 6-Methyl- oder 8-Methylchinolin, Chinolin und Chinaldin, einsetzt.
 - 17. Bioreaktor, umfassend ein Enzym nach einem der Ansprüche 1 bis 5 oder einen rekombinanten Mikroorganismus nach einem der Ansprüche 9 oder 10 in immobilisierter Form.
- 18. Verwendung einer Cytochrom P450 Monooxygenase nach einem der Ansprüche 1 bis 5, eines Vektors nach Anspruch 8, oder eines Mikroorganismus nach Anspruch 9 oder 10 zur mikrobiologischen Oxidation von
 - a) gegebenenfalls substituierten N-, O- oder S-heterocyclischen ein- oder mehrkernigen armotischen Verbindungen;
 - b) gegebenenfalls substituierten ein- oder mehrkernigen Aromaten:
- 35 c) geradkettigen oder verzweigten Alkanen und Alkenen; und/
 oder
 - d) gegebenenfalls substituierten Cycloalkanen und Cycloalke-
- 40 19. Verwendung nach Anspruch 18 zur Herstellung von Indigo und/ oder Indirubin.

95

WO 01/07630

PCT/EP00/07253

-1-

SEQUENZPROTOKOLL

<110> BASF Aktiengesellschaft
<120> Neue Cytochrom P450 Monooxygenasen und deren Verwendung zur
Oxidation von organischen Substraten
<130> M/40241
<140>
<141>
<160> 9
<170> PatentIn Ver. 2.1
<210> 1
<211> 3150
<212> DNA
<213> Bacillus megaterium
<220>
<221> CDS
<222> (4)(3150)
<400> 1
atg aca att aaa gaa atg cct cag cca aaa acg ttt gga gag ctt aaa 48 Thr Ile Lys Glu Met Pro Gln Pro Lys Thr Phe Gly Glu Leu Lys
- 10
1 5 10 13
aat tta ccg tta tta aac aca gat aaa ccg gtt caa gct ttg atg aaa 96
Asn Leu Pro Leu Leu Asn Thr Asp Lys Pro Val Gln Ala Leu Met Lys
20 25 30
att gcg gat gaa tta gga gaa atc ttt aaa ttc gag gcg cct ggt cgt 144
Ile Ala Asp Glu Leu Gly Glu Ile Phe Lys Phe Glu Ala Pro Gly Arg
35 40 45
gta acg cgc tac tta tca agt cag cgt cta att aaa gaa gca tgc gat 192
Val Thr Arg Tyr Leu Ser Ser Gln Arg Leu Ile Lys Glu Ala Cys Asp
50 55 60
gaa toa ogo ttt gat aaa aac tta agt caa gog ott aaa ttt gta ogt 240
Glu Ser Arg Phe Asp Lys Asn Leu Ser Gln Ala Leu Lys Phe Val Arg
65 70 75
gat ttt gca gga gac ggg tta ttt aca agc tgg acg cat gaa aaa aat 288
THE DESCRIPTION OF THE PROPERTY OF THE DESCRIPTION

Asp Phe Ala Gly Asp Gly Leu Phe Thr Ser Trp Thr His Glu Lys Asn

85

80

-2-

taa	aaa	aaa	gcg	cat	aat	atc	tta	ctt	cca	agc	ttc	agt	cag	caq	gca	336
											Phe			_	-	
	-2-	-, -		100		-			105					110		
			+-+	a a+		~+ <i>~</i>	a+~	a+a	ga+	=+a	~~~	~+ ~	~~~	a+ +	~++	384
_					_	_					gcc				_	204
Met	гля	GLY	_	HIS	Ala	Met	met		Asp	116	Ala	val		Leu	vaı	
			115					120					125			
	_										att					432
Gln	Lys	Trp	Glu	Arg	Leu	Asn	Ala	Asp	Glu	His	Ile	Glu	Val	Pro	Glu	
		130					135					140				
gac	atg	aca	cgt	tta	acg	ctt	gat	aca	att	ggt	ctt	tgc	ggc	ttt	aac	480
Asp	Met	Thr	Arg	Leu	Thr	Leu	Asp	Thr	Ile	Gly	Leu	Cys	Gly	Phe	Asn	
	145		-			150	_				155					
+a+	cac	ttt	aac	age	ttt	tac	cga	gat	caq	cct	cat	cca	ttt	att	aca	528
											His					
_	ALG	FIIC	ASII	UCI	165	-1-	5			170					175	
160					100											
			+	~~~	ata	σa+	maa.	aca	ato	aac	aag	cta	сая	сда	gca	576
											Lys					
ser	Met	Val	MIG		neu	vsb	GIU	mid	185	*****	4 ,5			190		4.
				180					103					1,0		
_								~~~		224	cgc	cac	+++	C22	a a	624
aat	cca	qac	qac	CCa	gul	LaL	gac	gaa	auc	uug	-3-	~~			3	
	_		·		77.	m	7.00	Gl.	Acn	Ture	Ara	Gln	Dhe	Gln	Glu	
Asn	Pro	Asp	Asp	Pro	Ala	Tyr	Asp	Glų	Asn	Lys	Arg	Gln	Phe	Gln	Glu	
Asn	Pro	Asp	Asp 195	Pro	Ala	Tyr	Asp	Glu 200	Asn	Lys	Arg	Gln	Phe 205	Gln	Glu	
Asn	Pro	Asp	Asp 195	Pro	Ala	Tyr	Asp	Glų 200	Asn	Lys	Arg	Gln	Phe 205	Gln	Glu	672
Asn gat	Pro	Asp	Asp 195 gtg	Pro	Ala	Tyr	Asp cta	Glu 200 gta	Asn gat	Lys	Arg	Gln att	Phe 205 gca	Gln gat	Glu	672
Asn gat	Pro	Asp aag Lys	Asp 195 gtg	Pro	Ala	Tyr	Asp cta Leu	Glu 200 gta	Asn gat	Lys	Arg	Gln att Ile	Phe 205 gca	Gln gat	Glu	672
Asn gat	Pro	Asp	Asp 195 gtg	Pro	Ala	Tyr	Asp cta	Glu 200 gta	Asn gat	Lys	Arg	Gln att	Phe 205 gca	Gln gat	Glu	672
Asn gat Asp	Pro atc Ile	aag Lys 210	Asp 195 gtg Val	Pro atg Met	Ala aac Asn	Tyr gac Asp	Asp cta Leu 215	Glu 200 gta Val	Asn gat Asp	Lys aaa Lys	Arg att Ile	att Ile 220	Phe 205 gca Ala	Gln gat Asp	Glu cgc Arg	
Asn gat Asp	Pro atc Ile	aag Lys 210	Asp 195 gtg Val	Pro atg Met	Ala aac Asn	Tyr gac Asp	Asp cta Leu 215 gat	Glu 200 gta Val gat	Asn gat Asp	Lys aaa Lys tta	att Ile	att Ile 220	Phe 205 gca Ala atg	Gln gat Asp	Glu cgc Arg	720
Asn gat Asp aaa Lys	Pro atc Ile gca Ala	aag Lys 210	Asp 195 gtg Val	Pro atg Met	Ala aac Asn	gac Asp agc	cta Leu 215 gat Asp	Glu 200 gta Val gat	Asn gat Asp	Lys aaa Lys tta	att Ile acg Thr	att Ile 220	Phe 205 gca Ala atg	Gln gat Asp	Glu cgc Arg	
Asn gat Asp aaa Lys	Pro atc Ile	aag Lys 210	Asp 195 gtg Val	Pro atg Met	Ala aac Asn	Tyr gac Asp	cta Leu 215 gat Asp	Glu 200 gta Val gat	Asn gat Asp	Lys aaa Lys tta	att Ile	att Ile 220	Phe 205 gca Ala atg	Gln gat Asp	Glu cgc Arg	
gat Asp aaa Lys	Pro atc Ile gca Ala 225	aag Lys 210 agc Ser	Asp 195 gtg Val ggt Gly	Pro atg Met gaa Glu	aac Asn caa Gln	gac Asp agc ser 230	cta Leu 215 gat Asp	Glu 200 gta Val gat Asp	Asn gat Asp tta Leu	Lys aaa Lys tta Leu	att Ile acg Thr 235	att Ile 220 cat	Phe 205 gca Ala atg Met	Gln gat Asp cta Leu	Glu cgc Arg aac Asn	720
gat Asp aaa Lys	Pro atc Ile gca Ala 225	aag Lys 210 agc Ser	Asp 195 gtg Val ggt Gly	Pro atg Met gaa Glu	aac Asn caa Gln	gac Asp agc ser 230	cta Leu 215 gat Asp	Glu 200 gta Val gat Asp	Asn gat Asp tta Leu	Lys aaa Lys tta Leu gat	att Ile acg Thr 235	att Ile 220 cat His	Phe 205 gca Ala atg Met	Gln gat Asp cta Leu	cgc Arg aac Asn	
gat Asp aaa Lys	Pro atc Ile gca Ala 225	aag Lys 210 agc Ser	Asp 195 gtg Val ggt Gly	Pro atg Met gaa Glu	aac Asn caa Gln acg	gac Asp agc ser 230	cta Leu 215 gat Asp	Glu 200 gta Val gat Asp	Asn gat Asp tta Leu	Lys aaa Lys tta Leu gat Asp	att Ile acg Thr 235	att Ile 220 cat His	Phe 205 gca Ala atg Met	Gln gat Asp cta Leu	cgc Arg aac Asn cgc	720
gat Asp aaa Lys	Pro atc Ile gca Ala 225	aag Lys 210 agc Ser	Asp 195 gtg Val ggt Gly	Pro atg Met gaa Glu	aac Asn caa Gln	gac Asp agc ser 230	cta Leu 215 gat Asp	Glu 200 gta Val gat Asp	Asn gat Asp tta Leu	Lys aaa Lys tta Leu gat	att Ile acg Thr 235	att Ile 220 cat His	Phe 205 gca Ala atg Met	Gln gat Asp cta Leu	cgc Arg aac Asn	720
gat Asp aaa Lys gga Gly 240	Pro atc Ile gca Ala 225 aaa Lys	aag Lys 210 agc Ser gat Asp	Asp 195 gtg Val ggt Gly cca Pro	Pro atg Met gaa Glu gaa Glu	aac Asn caa Gln acg Thr 245	gac Asp agc ser 230 ggt Gly	cta Leu 215 gat Asp gag Glu	Glu 200 gta Val gat Asp	gat Asp tta Leu ctt	Lys aaa Lys tta Leu gat Asp 250	att Ile acg Thr 235 gac Asp	Gln att Ile 220 cat His gag Glu	Phe 205 gca Ala atg Met aac Asn	Gln gat Asp cta Leu att	cgc Arg aac Asn cgc Arg 255	720 768
gat Asp aaa Lys gga Gly 240	Pro atc Ile gca Ala 225 aaa Lys	aag Lys 210 agc ser gat Asp	Asp 195 gtg Val ggt Gly cca Pro	Pro atg Met gaa Glu gaa Glu	aac Asn caa Gln acg Thr 245	gac Asp agc ser 230 ggt Gly	Asp cta Leu 215 gat Asp gag Glu	Glu 200 gta Val gat Asp ccg Pro	Asn gat Asp tta Leu ctt Leu	Lys aaa Lys tta Leu gat Asp 250 cac	att Ile acg Thr 235 gac Asp	Gln att Ile 220 cat His gag Glu aca	Phe 205 gca Ala atg Met aac Asn	Gln gat Asp cta Leu att Ile	cgc Arg aac Asn cgc Arg 255	720
gat Asp aaa Lys gga Gly 240	Pro atc Ile gca Ala 225 aaa Lys	aag Lys 210 agc ser gat Asp	Asp 195 gtg Val ggt Gly cca Pro	Pro atg Met gaa Glu gaa Glu	aac Asn caa Gln acg Thr 245	gac Asp agc ser 230 ggt Gly	Asp cta Leu 215 gat Asp gag Glu	Glu 200 gta Val gat Asp ccg Pro	Asn gat Asp tta Leu ctt Leu	Lys aaa Lys tta Leu gat Asp 250 cac	att Ile acg Thr 235 gac Asp	Gln att Ile 220 cat His gag Glu aca	Phe 205 gca Ala atg Met aac Asn	gat Asp cta Leu att Ile agt Ser	cgc Arg aac Asn cgc Arg 255	720 768
gat Asp aaa Lys gga Gly 240	Pro atc Ile gca Ala 225 aaa Lys	aag Lys 210 agc ser gat Asp	Asp 195 gtg Val ggt Gly cca Pro	Pro atg Met gaa Glu gaa Glu	aac Asn caa Gln acg Thr 245	gac Asp agc ser 230 ggt Gly	Asp cta Leu 215 gat Asp gag Glu	Glu 200 gta Val gat Asp ccg Pro	Asn gat Asp tta Leu ctt Leu	Lys aaa Lys tta Leu gat Asp 250 cac	att Ile acg Thr 235 gac Asp	Gln att Ile 220 cat His gag Glu aca	Phe 205 gca Ala atg Met aac Asn	Gln gat Asp cta Leu att Ile	cgc Arg aac Asn cgc Arg 255	720 768
gat Asp aaa Lys gga Gly 240 tat Tyr	Pro atc Ile gca Ala 225 aaa Lys caa Gln	aag Lys 210 agc Ser gat Asp	Asp 195 gtg Val ggt Gly cca Pro	etg Met gaa Glu gaa Glu aca Thr	aac Asn caa Gln acg Thr 245 ttc	gac Asp agc ser 230 ggt Gly tta Leu	cta Leu 215 gat Asp Glu att Ile	Glu 200 gta Val gat Asp Ccg Pro	gat Asp tta Leu ctt Leu gga Gly 265	Lys aaa Lys tta Leu gat Asp 250 cac His	att Ile acg Thr 235 gac Asp	Gln att Ile 220 cat His gag Glu aca Thr	Phe 205 gca Ala atg Met aac Asn	gat Asp cta Leu att Ile agt ser 270	cgc Arg aac Asn cgc Arg 255	720 768
gat Asp aaa Lys gga Gly 240 tat Tyr	Pro atc Ile gca Ala 225 aaa Lys caa Gln	aag Lys 210 agc Ser gat Asp	Asp 195 gtg Val ggt Gly cca Pro	Pro atg Met gaa Glu gaa Glu aca Thr 260	aac Asn caa Gln acg Thr 245 ttc Phe	gac Asp agc ser 230 ggt Gly tta Leu	Asp cta Leu 215 gat Asp Glu att Ile	Glu 200 gta Val gat Asp ccg Pro	gat Asp tta Leu ctt Leu gga Gly 265	Lys aaa Lys tta Leu gat Asp 250 cac His	att Ile acg Thr 235 gac Asp	Gln att Ile 220 cat His gag Glu aca Thr	Phe 205 gca Ala atg Met aac Asn aca Thr	Gln gat Asp cta Leu att Ile agt Ser 270 gta	cgc Arg aac Asn cgc Arg 255 ggt Gly	720 768
gat Asp aaa Lys gga Gly 240 tat Tyr	Pro atc Ile gca Ala 225 aaa Lys caa Gln	aag Lys 210 agc Ser gat Asp att Ile	Asp 195 gtg Val ggt Gly cca Pro	Pro atg Met gaa Glu gaa Glu aca Thr 260	aac Asn caa Gln acg Thr 245 ttc Phe	gac Asp agc ser 230 ggt Gly tta Leu	Asp cta Leu 215 gat Asp Glu att Ile	Glu 200 gta Val gat Asp ccg Pro	gat Asp tta Leu ctt Leu gga Gly 265	Lys aaa Lys tta Leu gat Asp 250 cac His	att Ile acg Thr 235 gac Asp	Gln att Ile 220 cat His gag Glu aca Thr	Phe 205 gca Ala atg Met aac Asn aca Thr	Gln gat Asp cta Leu att Ile agt Ser 270 gta	cgc Arg aac Asn cgc Arg 255 ggt Gly	720 768 816
gat Asp aaa Lys gga Gly 240 tat Tyr	Pro atc Ile gca Ala 225 aaa Lys caa Gln	aag Lys 210 agc Ser gat Asp att Ile	Asp 195 gtg Val ggt Gly cca Pro	Pro atg Met gaa Glu gaa Glu aca Thr 260	aac Asn caa Gln acg Thr 245 ttc Phe	gac Asp agc ser 230 ggt Gly tta Leu	Asp cta Leu 215 gat Asp Glu att Ile	Glu 200 gta Val gat Asp ccg Pro	gat Asp tta Leu ctt Leu gga Gly 265	Lys aaa Lys tta Leu gat Asp 250 cac His	att Ile acg Thr 235 gac Asp	Gln att Ile 220 cat His gag Glu aca Thr	Phe 205 gca Ala atg Met aac Asn aca Thr	Gln gat Asp cta Leu att Ile agt Ser 270 gta	cgc Arg aac Asn cgc Arg 255 ggt Gly	720 768 816
gat Asp aaa Lys gga Gly 240 tat Tyr	Pro atc Ile gca Ala 225 aaa Lys caa Gln	aag Lys 210 agc Ser gat Asp att Ile	Asp 195 gtg Val ggt Gly cca Pro att Ile	Pro atg Met gaa Glu gaa Glu aca Thr 260	aac Asn caa Gln acg Thr 245 ttc Phe	gac Asp agc ser 230 ggt Gly tta Leu	Asp cta Leu 215 gat Asp Glu att Ile	gta Val gat Asp ccg Pro gcg Ala	gat Asp tta Leu ctt Leu gga Gly 265	Lys aaa Lys tta Leu gat Asp 250 cac His	att Ile acg Thr 235 gac Asp	Gln att Ile 220 cat His gag Glu aca Thr	Phe 205 gca Ala atg Met aac Asn aca Thr	Gln gat Asp cta Leu att Ile agt Ser 270 gta	cgc Arg aac Asn cgc Arg 255 ggt Gly	720 768 816
gat Asp aaa Lys gga Gly 240 tat Tyr	Pro atc Ile gca Ala 225 aaa Lys caa Gln tta Leu	aag Lys 210 agc Ser gat Asp att Ile	Asp 195 gtg Val ggt Gly cca Pro att Ile	Pro atg Met gaa Glu aca Thr 260 gcg Ala	aac Asn caa Gln acg Thr 245 ttc Phe	gac Asp agc ser 230 ggt Gly tta Leu tat Tyr	Asp cta Leu 215 gat Asp Glu att Ile ttc Phe	gta Val gat Asp Ccg Pro gcg Ala	gat Asp tta Leu ctt Leu gga Gly 265 gtg Val	Lys aaa Lys tta Leu gat Asp 250 cac His	att Ile acg Thr 235 gac Asp gaa Glu aat	Gln att Ile 220 cat His gag Glu aca Thr	Phe 205 gca Ala atg Met aac Asn aca Thr cat His 285	Gln gat Asp cta Leu att Ile agt Ser 270 gta Val	cgc Arg aac Asn cgc Arg 255 ggt Gly	720 768 816
gat Asp aaa Lys gga Gly 240 tat Tyr	Pro atc Ile gca Ala 225 aaa Lys caa Gln tta Leu aaa	Asp aag Lys 210 agc Ser gat Asp att Ile tca	Asp 195 gtg Val ggt Gly cca Pro att Ile ttt Phe 275 gca	Pro atg Met gaa Glu aca Thr 260 gcg Ala	aac Asn caa Gln acg Thr 245 ttc Phe ctg Leu gaa	gac Asp agc ser 230 ggt Gly tta Leu tat Tyr gca	Asp cta Leu 215 gat Asp gag Glu att Ile ttc Phe	gta Val gat Asp Ccg Pro gcg Ala tta Leu 280	Asn gat Asp tta Leu ctt Leu gga Gly 265 gtg Val	Lys aaa Lys tta Leu gat Asp 250 cac His aaa Lys	att Ile acg Thr 235 gac Asp gaa Glu aat Asn	Gln att Ile 220 cat His gag Glu aca Thr cca Pro	Phe 205 gca Ala atg Met aac Asn aca Thr cat His 285 cct	Gln gat Asp cta Leu att Ile agt Ser 270 gta val	cgc Arg aac Asn cgc Arg 255 ggt Gly tta Leu	720 768 816
gat Asp aaa Lys gga Gly 240 tat Tyr	Pro atc Ile gca Ala 225 aaa Lys caa Gln tta Leu aaa	Asp aag Lys 210 agc Ser gat Asp att Ile tca	Asp 195 gtg Val ggt Gly cca Pro att Ile ttt Phe 275 gca	Pro atg Met gaa Glu aca Thr 260 gcg Ala	aac Asn caa Gln acg Thr 245 ttc Phe ctg Leu gaa	gac Asp agc ser 230 ggt Gly tta Leu tat Tyr gca	Asp cta Leu 215 gat Asp gag Glu att Ile ttc Phe	gta Val gat Asp Ccg Pro gcg Ala tta Leu 280	Asn gat Asp tta Leu ctt Leu gga Gly 265 gtg Val	Lys aaa Lys tta Leu gat Asp 250 cac His aaa Lys	att Ile acg Thr 235 gac Asp gaa Glu aat	Gln att Ile 220 cat His gag Glu aca Thr cca Pro	Phe 205 gca Ala atg Met aac Asn aca Thr cat His 285 cct	Gln gat Asp cta Leu att Ile agt Ser 270 gta val	cgc Arg aac Asn cgc Arg 255 ggt Gly tta Leu	720 768 816

THIS PAGE BLANK USPION

								_								
-		aaa Lys														960
	305					310					315					
		ctg Leu														1008
320	HIG	Deu	nr 9	Deu	325	110	****	mu	110	330		501	204	-7-	335	
		gat														1056
Lys	GIU	Asp	THE	340	rea	GIĀ	GIÀ	GIU	345	PIO	neu	GIU	БÌЗ	350	wsb	
		atg														1104
Glu	Leu	Met	355	Leu	IIe	PIO	GIN	360 Leu	nis	Arg	Asp	гÀг	365	116	TIP	
		gat														1152
Gly	Asp	Asp 370	Val	GIU	GIU	Pne	375	PIO	GIU	ALG	rne	380	Poli	PIO	Jer	
gcg	att	ccg Pro	cag	cat	gcg	ttt	aaa	ccg	ttt	gga	aac	ggt	cag	cgt	gcg Ala	1200
	385					390					395					
tgt	atc	ggt Gly	cag	cag	ttc	gct Ala	ctt	cat His	gaa Glu	gca Ala	acg Thr	ctg Leu	gta Val	ctt Leu	ggt Gly	1248
400					405					410					415	
atg	atg	cta Leu	aaa	cac	ttt Phe	gac Asp	ttt	gaa Glu	gat Asp	cat His	aca Thr	aac Asn	tac Tyr	gag Glu	ctg Leu	1296
				420					425		•	·		430		2044
gat	att	aaa Lys	gaa Glu	act Thr	tta Leu	acg Thr	tta Leu	aaa Lys	cct Pro	gaa Glu	ggc Gly	ttt Phe	gtg Val	gta Val	aaa Lys	1344
			435					440					445			
gca	aaa	tcg Ser	aaa Lus	aaa Lvs	att Ile	ccg Pro	ctt Leu	ggc Glv	ggt Gly	att Ile	cct Pro	tca Ser	cct Pro	agc Ser	act Thr	1392
ATG	цуз	450	ביים	-2-			455	,	•			460				
gaa	cag	tct Ser	gct	aaa	aaa	gta Val	cgc Ara	aaa T.vs	aag Lvs	gca Ala	gaa Glu	aac Asn	gct Ala	cat His	aat Asn	1440
	465					470					475					
acg	ccg	ctg Leu	ctt	gtg	cta	tac	ggt Glv	tca Ser	aat	atg Met	gga Glv	aca Thr	gct Ala	gaa Glu	gga Gly	1488
480					485					490					495	
acg	gcg	cgt Arg	gat	tta	gca	gat	att	gca	atg Met	agc	aaa Lve	gga Glv	ttt Phe	gca Ala	ccg Pro	1536
Thr	Ala	Arg	ASP	500	WTG	wab	116	uta	505	JGL	د ړ د	227		510		

THIS PAGE BLANK US FROM

-4-

-	_	-	_		-		cac His	-				_	_	_		1584
_	•			-	-		tct Ser 535					_		_		1632
_	_			_	_			-				-	-	_	gta Val	1680
		_					ttt Phe									1728
							gct Ala									1776
							gac Asp									1824
							gaa Glu 615									1872
							gac Asp									1920
						Phe	gtc Val									1968
							tca Ser									2016
ctt Leu	caa Gln	cag Gln	cca Pro 675	ggc Gly	agt Ser	gca Ala	cga Arg	agc Ser 680	acg Thr	cga Arg	cat His	ctt Leu	gaa Glu 685	att Ile	gaa Glu	2064
ctt Leu	cca Pro	aaa Lys 690	gaa Glu	gct Ala	tct Ser	tat Tyr	caa Gln 695	gaa Glu	gga Gly	gat Asp	cat His	tta Leu 700	ggt Gly	gtt Val	att Ile	2112
							gta Val									2160

-5-

								-3-								
cta	gat	gca	tca	cag	caa	atc	cgt	ctg	gaa	gca	gaa	gaa	gaa	aaa	tta	2208
Leu	Asp	Ala	Ser	Gln	Gln	Ile	Arg	Leu	Glu	Ala	Glu	Glu	Glu	Lys	Leu	
720	•				725		-			730				-	735	
, _ •																
	a=+	++~	cca	ctc	act	222	aca	nt a	tcc	rrt a	ma a	gag	c++	c+a	C = 2	2256
-		_												-		2230
Ala	HIS	Leu	Pro		Ala	гÀ2	Thr	vaı		var	GIU	Glu	ren		GIn	
				740	-				745					750		
tac	gtg	gag	ctt	caa	gat	cct	gtt	acg	cgc	acg	cag	ctt	cgc	gca	atg	2304
Tyr	Val	Glu	Leu	Gln	Asp	Pro	Val	Thr	Arg	Thr	Gln	Leu	Arg	Ala	Met	
			755					760					765			
			•													
act	act	aaa	acq	qtc	tgc	ccg	ccg	cat	aaa	gta	gag	ctt	gaa	gcc	ttg	2352
_	_		_	-								Leu				
ALG	1114	770			-7-		775					780				
		, , ,														
	~~~	225	<b>~</b> ~ ~	~~~	+20	222	as a	caa	at a	cta	gca	aaa	cat	tta	aca	2400
																2400
Leu		гла	GIN	Ala	TYL		GIU	GIII	vaı	Leu		Lys	ALG	neu	IIIL	
	785					790					795					
																2440
												atg				2448
Met	Leu	Glu	Leu	Leu	Glu	Lys	Tyr	Pro	Ala		Glu	Met	Lys	Phe		
800					805					810					815	
												tat				2496
Glu	Phe	Ile	Ala	Leu	Leu	Pro	Ser	Ile	Arg	Pro	Arg	Tyr	Tyr	Ser	Ile	
				820					825	• •				830	•	
												atc				2544
Ser	Ser	Ser	Pro	Arg	Val	Asp	Glu	Lys	Gln	Ala	Ser	Ile	Thr	Val	Ser	
			835					840					845			
att	atc	tca	gga	gaa	gcg	tgg	agc	gga	tat	gga	gaa	tat	aaa	gga	att	2592
Val	Val	Ser	Glv	Glu	Ala	Trp	Ser	Gly	Tyr	Gly	Glu	Tyr	Lys	Gly	Ile	
		850	2						-	_		860				
~~~	+00	220	tat	ctt	acc	σασ	cta	caa	gaa	gga	gat	acg	att	acq	tgc	2640
312	Cor	Acn	Tyr	T.011	Δla	Glu	Leu	Gln	Glu	Glv	Asp	Thr	Ile	Thr	Cvs	
Ald		Mon	IYI	Deu	ALG	870				U-1	875				-1-	
	865					0 / 0					0,5					
						.	~~ ·		200	ata	003	222	asc.	cct	gaa.	2688
	att											aaa				2688
	att				Gln					Leu		aaa Lys			Glu	2688
	att															2688
Phe 880	att Ile	Ser	Thr	Pro	Gln 885	Ser	Glu	Phe	Thr	Leu 890	Pro	Lys	Asp	Pro	Glu 895	
Phe 880 acg	att Ile ccg	Ser	Thr	Pro	Gln 885 gtc	Ser gga	Glu	Phe gga	Thr	Leu 890 ggc	Pro	Lys	Asp	Pro ttt	Glu 895 aga	2688 2736
Phe 880 acg	att Ile ccg	Ser	Thr	Pro	Gln 885 gtc	Ser gga	Glu	Phe gga	Thr	Leu 890 ggc	Pro	Lys	Asp	Pro ttt Phe	Glu 895 aga	
Phe 880 acg	att Ile ccg	Ser	Thr	Pro	Gln 885 gtc	Ser gga	Glu	Phe gga	Thr	Leu 890 ggc	Pro	Lys	Asp	Pro ttt	Glu 895 aga	
Phe 880 acg Thr	att Ile ccg Pro	Ser ctt Leu	Thr atc Ile	atg Met 900	Gln 885 gtc Val	Ser gga Gly	Glu ccg Pro	Phe gga Gly	Thr aca Thr 905	Leu 890 ggc Gly	Pro gtc Val	Lys gcg Ala	Asp ccg Pro	ttt Phe 910	Glu 895 aga Arg	
Phe 880 acg Thr	att Ile ccg Pro	Ser ctt Leu	Thr atc Ile	atg Met 900	Gln 885 gtc Val	Ser gga Gly	Glu ccg Pro	Phe gga Gly	Thr aca Thr 905	Leu 890 ggc Gly	Pro gtc Val	Lys gcg Ala	Asp ccg Pro	ttt Phe 910	Glu 895 aga Arg	
Phe 880 acg Thr	att Ile ccg Pro	Ser ctt Leu	Thr atc Ile	Pro atg Met 900	Gln 885 gtc Val	ser gga Gly	Glu ccg Pro	Phe gga Gly	Thr aca Thr 905	Leu 890 ggc Gly gaa	Pro gtc Val	Lys gcg Ala gga	Asp ccg Pro	ttt Phe 910	Glu 895 aga Arg	2736
Phe 880 acg Thr	att Ile ccg Pro	Ser ctt Leu	Thr atc Ile	Pro atg Met 900	Gln 885 gtc Val	ser gga Gly	Glu ccg Pro	Phe gga Gly	Thr aca Thr 905	Leu 890 ggc Gly gaa	Pro gtc Val	Lys gcg Ala	Asp ccg Pro	ttt Phe 910	Glu 895 aga Arg	2736

PCT/EP00/07253

WO 01/07630

								-6-								
	-								cgt Arg							2832
_			_						caa Gln							2880
ctt Leu 960			_						aat Asn							2928
cag Gln																2976
caa Gln							Cys					Gln				3024
	Val					Met			tat Tyr		Asp					3072
Ser	gaa Glu .025	gca Ala	gac Asp	gct Ala	Arg	tta Leu 1030	tgg Trp	ctg Leu	cag Gln	Gln	cta Leu 1035	gaa Glu	gaa Glu	aaa Lys	ggc Gly	3120
	Tyr			gac Asp					taa			: •			:	3150
<212	l> 10 ?> PI	RТ	lus 1	negat	teri	2 m										
<400)> 2						Pro	Lys	Thr	Phe	Gly	Glu	Leu		Asn	
1 Leu	Pro	Leu	Leu 20	5 Asn	Thr	Asp	Lys	Pro 25	10 Val	Gln	Ala	Leu	Met 30	15 Lys	Ile	
Ala	Asp	Glu 35		Gly	Glu	Ile	Phe 40	Lys	Phe	Glu	Ala	Pro 45	Gly	Arg	Val	
Thr	Arg 50	Tyr	Leu	Ser	Ser	Gln 55	Arg	Leu	Ile	Lys	Glu 60	Ala	Cys	Asp	Glu	

THIS PAGE BLANK USPION

-7-

Ser Arg Phe Asp Lys Asn Leu Ser Gln Ala Leu Lys Phe Val Arg Asp Phe Ala Gly Asp Gly Leu Phe Thr Ser Trp Thr His Glu Lys Asn Trp Lys Lys Ala His Asn Ile Leu Leu Pro Ser Phe Ser Gln Gln Ala Met Lys Gly Tyr His Ala Met Met Val Asp Ile Ala Val Gln Leu Val Gln Lys Trp Glu Arg Leu Asn Ala Asp Glu His Ile Glu Val Pro Glu Asp Met Thr Arg Leu Thr Leu Asp Thr Ile Gly Leu Cys Gly Phe Asn Tyr Arg Phe Asn Ser Phe Tyr Arg Asp Gln Pro His Pro Phe Ile Thr Ser Met Val Arg Ala Leu Asp Glu Ala Met Asn Lys Leu Gln Arg Ala Asn Pro Asp Asp Pro Ala Tyr Asp Glu Asn Lys Arg Gln Phe Gln Glu Asp Ile Lys Val Met Asn Asp Leu Val Asp Lys Ile Ile Ala Asp Arg Lys Ala Ser Gly Glu Gln Ser Asp Asp Leu Leu Thr His Met Leu Asn Gly Lys Asp Pro Glu Thr Gly Glu Pro Leu Asp Asp Glu Asn Ile Arg Tyr Gln Ile Ile Thr Phe Leu Ile Ala Gly His Glu Thr Thr Ser Gly Leu Leu Ser Phe Ala Leu Tyr Phe Leu Val Lys Asn Pro His Val Leu Gln Lys Ala Ala Glu Glu Ala Ala Arg Val Leu Val Asp Pro Val Pro Ser Tyr Lys Gln Val Lys Gln Leu Lys Tyr Val Gly Met Val Leu Asn Glu Ala Leu Arg Leu Trp Pro Thr Ala Pro Ala Phe Ser Leu Tyr Ala Lys

Glu Asp Thr Val Leu Gly Gly Glu Tyr Pro Leu Glu Lys Gly Asp Glu Leu Met Val Leu Ile Pro Gln Leu His Arg Asp Lys Thr Ile Trp Gly Asp Asp Val Glu Glu Phe Arg Pro Glu Arg Phe Glu Asn Pro Ser Ala Ile Pro Gln His Ala Phe Lys Pro Phe Gly Asn Gly Gln Arg Ala Cys Ile Gly Gln Gln Phe Ala Leu His Glu Ala Thr Leu Val Leu Gly Met Met Leu Lys His Phe Asp Phe Glu Asp His Thr Asn Tyr Glu Leu Asp Ile Lys Glu Thr Leu Thr Leu Lys Pro Glu Gly Phe Val Val Lys Ala Lys Ser Lys Lys Ile Pro Leu Gly Gly Ile Pro Ser Pro Ser Thr Glu Gln Ser Ala Lys Lys Val Arg Lys Lys Ala Glu Asn Ala His Asn Thr Pro Leu Leu Val Leu Tyr Gly Ser Asn Met Gly Thr Ala Glu Gly Thr Ala Arg Asp Leu Ala Asp Ile Ala Met Ser Lys Gly Phe Ala Pro Gln Val Ala Thr Leu Asp Ser His Ala Gly Asn Leu Pro Arg Glu Gly Ala Val Leu Ile Val Thr Ala Ser Tyr Asn Gly His Pro Pro Asp Asn Ala Lys Gln Phe Val Asp Trp Leu Asp Gln Ala Ser Ala Asp Glu Val Lys Gly Val Arg Tyr Ser Val Phe Gly Cys Gly Asp Lys Asn Trp Ala Thr Thr Tyr Gln Lys Val Pro Ala Phe Ile Asp Glu Thr Leu Ala Ala Lys Gly Ala Glu Asn Ile Ala Asp Arg Gly Glu Ala Asp Ala Ser Asp Asp

-9-

Phe Glu Gly Thr Tyr Glu Glu Trp Arg Glu His Met Trp Ser Asp Val Ala Ala Tyr Phe Asn Leu Asp Ile Glu Asn Ser Glu Asp Asn Lys Ser Thr Leu Ser Leu Gln Phe Val Asp Ser Ala Ala Asp Met Pro Leu Ala Lys Met His Gly Ala Phe Ser Thr Asn Val Val Ala Ser Lys Glu Leu Gln Gln Pro Gly Ser Ala Arg Ser Thr Arg His Leu Glu Ile Glu Leu Pro Lys Glu Ala Ser Tyr Gln Glu Gly Asp His Leu Gly Val Ile Pro Arg Asn Tyr Glu Gly Ile Val Asn Arg Val Thr Ala Arg Phe Gly Leu Asp Ala Ser Gln Gln Ile Arg Leu Glu Ala Glu Glu Lys Leu Ala His Leu Pro Leu Ala Lys Thr Val Ser Val Glu Glu Leu Leu Gln Tyr Val Glu Leu Gln Asp Pro Val Thr Arg Thr Gln Leu Arg Ala Met Ala Ala Lys Thr Val Cys Pro Pro His Lys Val Glu Leu Glu Ala Leu Leu Glu Lys Gln Ala Tyr Lys Glu Gln Val Leu Ala Lys Arg Leu Thr Met Leu Glu Leu Leu Glu Lys Tyr Pro Ala Cys Glu Met Lys Phe Ser Glu Phe Ile Ala Leu Leu Pro Ser Ile Arg Pro Arg Tyr Tyr Ser Ile Ser Ser Ser Pro Arg Val Asp Glu Lys Gln Ala Ser Ile Thr Val Ser Val Val Ser Gly Glu Ala Trp Ser Gly Tyr Gly Glu Tyr Lys Gly Ile Ala Ser Asn Tyr Leu Ala Glu Leu Gln Glu Gly Asp Thr Ile Thr Cys Phe

30

-10-

Ile Ser Thr Pro Gln Ser Glu Phe Thr Leu Pro Lys Asp Pro Glu Thr 885 890 895

Pro Leu Ile Met Val Gly Pro Gly Thr Gly Val Ala Pro Phe Arg Gly 900 905 910

Phe Val Gln Ala Arg Lys Gln Leu Lys Glu Gln Gly Gln Ser Leu Gly 915 920 925

Glu Ala His Leu Tyr Phe Gly Cys Arg Ser Pro His Glu Asp Tyr Leu 930 935 940

Tyr Gln Glu Glu Leu Glu Asn Ala Gln Ser Glu Gly Ile Ile Thr Leu 945 950 955 960

His Thr Ala Phe Ser Arg Met Pro Asn Gln Pro Lys Thr Tyr Val Gln 965 970 975

His Val Met Glu Gln Asp Gly Lys Lys Leu Ile Glu Leu Leu Asp Gln 980 985 990

Gly Ala His Phe Tyr Ile Cys Gly Asp Gly Ser Gln Met Ala Pro Ala 995 1000 1005

Val Glu Ala Thr Leu Met Lys Ser Tyr Ala Asp Val His Gln Val Ser 1010 1015 1020

Glu Ala Asp Ala Arg Leu Trp Leu Gln Gln Leu Glu Glu Lys Gly Arg 025 1030 1035 1040

Tyr Ala Lys Asp Val Trp Ala Gly
1045

<210> 3

<211> 30

<212> DNA

<213> Synthetic sequence

<220>

<223> Description of the synthetic sequence: PCR primer

<400> 3

gcaggagacg ggttgnnnac aagctggacg

<210> 4

<211> 30

<212> DNA

<213> Synthetic sequence

<220>

<223> Description of the synthetic sequence: PCR primer

WO 01/07630

PCT/EP00/07253

-11-

<400>	4	
cgtcca	ngett gtnnncaacc cgtctcctgc	30
<210>	5	
<211>	34	
<212>	DNA	
<213>	Synthetic sequence	
<220>		
<223>	Description of the synthetic sequence: PCR primer	
<400>	5	
gaagca	atga acaagnnnca gcgagcaaat ccag	34
<210>	6	
<211>	30	
<212>		
<213>	Synthetic sequence	
		-
<220>		
<223>	Description of the synthetic sequence: PCR primer	
<400>		20
ctggat	ttgc tcgctgnnnc ttgttcattg	30
<210>		
<211>		
<212>		
<213>	Synthetic sequence	*.
<220>		
	Description of the synthetic sequence: PCR primer	
\ZZJ/	bester by the contract of the	
<400>	7	
	gataa aaacttaaag tcaannnctt aaatttgtac g	41
5	· · · · · · · · · · · · · · · · · · ·	
<210>	8	
<211>	40	
<212>	DNA	
<213>	Synthetic sequence	
<220>		
<223>	Description of the synthetic sequence: PCR primer	
<400>	•	
cgtaca	aaatt taagnnnttg acttaagttt ttatcaaagc	40
<210>	9	
<211>	1049	
<212>		
-2125	Pagillus megaterium	

THIS PAGE BLANK (115FM)

-12-

<400	> 9														
Met 1	Thr	Ile	Lys	Glu 5	Met	Pro	Gln	Pro	Lys 10	Thr	Phe	Gly	Glu	Leu 15	Lys
Asn	Leu	Pro	Leu 20	Leu	Asn	Thr	Asp	Lys 25	Pro	Val	Gln	Ala	Leu 30	Met	Lys
Ile	Ala	Asp 35	Glu	Leu	Gly	Glu	Ile 40	Phe	Lys	Phe	Glu	Ala 45	Pro	Gly	Arg
Val	Thr 50	Arg	Tyr	Leu	Ser	Ser 55	Gln	Arg	Leu	Ile	Lys 60	Glu	Ala	Cys	Asp
Glu 65	Ser	Arg	Phe	Asp	Lys 70	Asn	Leu	Ser	Gln	Ala 75	Leu	Lys	Phe	Val	Arg 80
Asp	Phe	Ala	Gly	Asp 85	Gly	Leu	Phe	Thr	Ser 90	Trp	Thr	His	Glu	Lys 95	Asn
Trp	Lys	Lys	Ala 100	His	Asn	Ile	Leu	Leu 105	Pro	Ser	Phe	Ser	Gln 110	Gln	Ala 🕐
Met	Lys	Gly 115	Tyr	His	Ala	Met	Met 120	Val	Asp	Ile	Ala	Val 125	Gln	Leu	Val
Gln	Lys 130	Trp	Glu	Arg	Leu	Asn 135	Ala	Asp	Glu	His	11e 140	Glu	Val	Pro	Glu
Asp 145	Met	Thr	Arg	Leu	Thr 150	Leu	Asp	Thr	Ile	Gly 155	Leu	Cys	Gly	Phe	Asn 160
Tyr	Arg	Phe	Asn	Ser 165	Phe	Tyr	Arg	Asp	Gln 170	Pro	His	Pro	Phe	Ile 175	Thr
Ser	Met	Val	Arg 180	Ala	Leu	Asp		Ala 185	Met	Asn	Lys	Leu	Gln 190	Arg	Ala
Asn	Pro	Asp 195	Asp	Pro	Ala	Tyr	Asp 200	Glu	Asn	Lys	Arg	Gln 205	Phe	Gln	Glu
Asp	Ile 210	Lys	Val	Met	Asn	Asp 215	Leu	Val	Asp	Lys	Ile 220	Ile	Ala	Asp	Arg
Lys 225	Ala	Ser	Gly	Glu	Gln 230	Ser	Asp	Asp	Leu	Leu 235	Thr	His	Met	Leu	Asn 240
Gly	Lys	Asp	Pro	Glu 245	Thr	Gly	Glu	Pro	Leu 250	Asp	Asp	Glu	Asn	Ile 255	Arg
Tyr	Gln	Ile	Ile 260		Phe	Leu	Ile	Ala 265		His	Glu	Thr	Thr 270	Ser	Gly

Leu Leu Ser Phe Ala Leu Tyr Phe Leu Val Lys Asn Pro His Val Leu Gln Lys Ala Ala Glu Glu Ala Ala Arg Val Leu Val Asp Pro Val Pro Ser Tyr Lys Gln Val Lys Gln Leu Lys Tyr Val Gly Met Val Leu Asn 315 -Glu Ala Leu Arg Leu Trp Pro Thr Ala Pro Ala Phe Ser Leu Tyr Ala Lys Glu Asp Thr Val Leu Gly Gly Glu Tyr Pro Leu Glu Lys Gly Asp Glu Leu Met Val Leu Ile Pro Gln Leu His Arg Asp Lys Thr Ile Trp Gly Asp Asp Val Glu Glu Phe Arg Pro Glu Arg Phe Glu Asn Pro Ser Ala Ile Pro Gln His Ala Phe Lys Pro Phe Gly Asn Gly Gln Arg Ala Cys Ile Gly Gln Gln Phe Ala Leu His Glu Ala Thr Leu Val Leu Gly Met Met Leu Lys His Phe Asp Phe Glu Asp His Thr Asn Tyr Glu Leu Asp Ile Lys Glu Thr Leu Thr Leu Lys Pro Glu Gly Phe Val Val Lys Ala Lys Ser Lys Lys Ile Pro Leu Gly Gly Ile Pro Ser Pro Ser Thr Glu Gln Ser Ala Lys Lys Val Arg Lys Lys Ala Glu Asn Ala His Asn Thr Pro Leu Leu Val Leu Tyr Gly Ser Asn Met Gly Thr Ala Glu Gly Thr Ala Arg Asp Leu Ala Asp Ile Ala Met Ser Lys Gly Phe Ala Pro Gln Val Ala Thr Leu Asp Ser His Ala Gly Asn Leu Pro Arg Glu Gly Ala Val Leu Ile Val Thr Ala Ser Tyr Asn Gly His Pro Pro Asp Asn

Ala 545	Lys	Gln	Phe	Val	Asp 550	Trp	Leu	Asp	Gln	Ala 555	Ser	Ala	Asp	Glu	Val 560
Lys	Gly	Val	Arg	Tyr 565	Ser	Val	Phe	Gly	Cys 570	Gly	Asp	Lys	Asn	Trp 575	Ala
Thr	Thr	Tyr	Gln 580	Lys	Val	Pro	Ala	Phe 585	Ile	Asp	Glu	Thr	Leu 590	Ala	Ala
Lys	Gly	Ala 595	Glu	Asn	Ile	Ala	Asp 600	Arg	Gly	Glu	Ala	Asp 605	Ala	Ser	Asp
Asp	Phe 610	Glu	Gly	Thr	Tyr	Glu 615	Glu	Trp	Arg	Glu	His 620	Met	Trp	Ser	Asp
Val 625	Ala	Ala	Tyr	Phe	Asn 630	Leu	Asp	Ile	Glu	Asn 635	Ser	Glu	Asp	Asn	Lys 640
Ser	Thr	Leu	Ser	Leu 645	Gln	Phe	Val	Asp	Ser 650	Ala	Ala	Asp	Met	Pro 655	Leu
Ala	Lys	Met	His 660	Gly	Ala	Phe	Ser	Thr 665	Asn	Val	Val	Ala	Ser 670	Lys	Glu
Leu	Gln	Gln 675	Pro	Gly	Ser	Ala	Arg 680	Ser	Thr	Arg	His	Leu 685	Glu	Ile	Glu
Leu	Pro 690	Lys	Glu	Ala	Ser	Tyr 695	Gln	Glu	Gly	Asp	His 700	Leu	Gly	Val	Ile
Pro 705	Arg	Asn	Tyr	Glu	Gly 710	Ile	Val	Asn	Arg	Val 715	Thr	Ala	Arg	Phe	Gly 720
Leu	Asp	Ala	Ser	Gln 725	Gln	Ile	Arg	Leu	Glu 730	Ala	Glu	Glu	Glu	Lys 735	Leu
Ala	His	Leu	Pro 740	Leu	Ala	Lys	Thr	Val 745	Ser	Val	Glu	Glu	Leu 750	Leu	Gln
Tyr	Val	Glu 755	Leu	Gln	Asp	Pro	Val 760	Thr	Arg	Thr	Gln	Leu 765	Arg	Ala	Met
Ala	Ala 770		Thr	Val	Cys	Pro 775		His	Lys	Val	Glu 780	Leu	Glu	Ala	Leu
Leu 785		Lys	Gln	Ala	Tyr 790		Glu	Gln	Val	Leu 795	Ala	Lys	Arg	Leu	Thr 800
Met	Leu	Glu	Leu	Leu 805		Lys	туг	Pro	Ala 810		Glu	Met	Lys	Phe 815	Ser

WO 01/07630 PCT/EP00/07253

15

- Glu Phe Ile Ala Leu Leu Pro Ser Ile Arg Pro Arg Tyr Tyr Ser Ile 820 825 830
- Ser Ser Ser Pro Arg Val Asp Glu Lys Gln Ala Ser Ile Thr Val Ser 835 840 845
- Val Val Ser Gly Glu Ala Trp Ser Gly Tyr Gly Glu Tyr Lys Gly Ile 850 855 860
- Ala Ser Asn Tyr Leu Ala Glu Leu Gln Glu Gly Asp Thr Ile Thr Cys 865 870 875 880
- Phe Ile Ser Thr Pro Gln Ser Glu Phe Thr Leu Pro Lys Asp Pro Glu 885 890 895
- Thr Pro Leu Ile Met Val Gly Pro Gly Thr Gly Val Ala Pro Phe Arg
 900 905 910
- Gly Phe Val Gln Ala Arg Lys Gln Leu Lys Glu Gln Gly Gln Ser Leu 915 920 925
- Gly Glu Ala His Leu Tyr Phe Gly Cys Arg Ser Pro His Glu Asp Tyr 930 935 940
- Leu Tyr Gln Glu Glu Leu Glu Asn Ala Gln Ser Glu Gly Ile Ile Thr 945 950 955 960
- Leu His Thr Ala Phe Ser Arg Met Pro Asn Gln Pro Lys Thr Tyr Val 965 970 975
- Gln His Val Met Glu Gln Asp Gly Lys Lys Leu Ile Glu Leu Leu Asp 980 985 990
- Gln Gly Ala His Phe Tyr Ile Cys Gly Asp Gly Ser Gln Met Ala Pro 995 1000 1005
- Ala Val Glu Ala Thr Leu Met Lys Ser Tyr Ala Asp Val His Gln Val 1010 1015 1020
- Ser Glu Ala Asp Ala Arg Leu Trp Leu Gln Gln Leu Glu Glu Lys Gly 1025 1030 1035 1040

Arg Tyr Ala Lys Asp Val Trp Ala Gly 1045

M1 40241-US = DE 195 07 546 = WO 96/27678

96-425437/42

Addnl. Data:

D16 E17

DELB- 95.03.03

D(5-H12E) E(10-C2D2, 10-C4D4, 10-C4D5, 11-M)

(28)

96-42543//42 DIO

DELBRUECK CENT MOLEKULARE MEDIZIN MAX *WO 9627678-A1 95.03.03 95DE-1007546 (96.09.12) C12P 7/02, 1/00, 15/81

Yeast vector expressing cytochrome P450 and NADPH-dependent reductase - useful for hydroxylation of long chain alkane(s) and fatty acids (Ger)

C96-134115 N(JP US) R(AT BE CH DE DK ES FI FR GB GR IE IT

LU MC NL PT SE)

ZIMMER T, KAMINSKI K, SCHUNCK W, KAERGEL E,

SCHELLER U, MAUERSBERGER S

96.03.01 96WO-DE00410

Hydroxylation of long chain alkanes, fatty acids and other alkyl cpds. comprises treatment with a monooxygenase system comprising cytochrome P450 (I) and NADPH-cytochrome P450-reductase (II).

Also new is a vector for genetic modification of *Saccharomyces* based on the YEp51 vector and contg.:

(a) DNA for (II) between SalI and BamHI restriction sites; and

(b) a second expression cassette (at a Nrul site) contg. the GAL10 promoter, (I)-encoding sequence and the ADH7 terminator.

USE

The method is esp. used to oxidise fatty acids, producing partic. hydroxy-fatty acids and long chain dicarboxylic acids.

ADVANTAGE

Oxidn. of the substrate is regioselective (hydroxylation at (sub) terminal C, with further oxidn. if the process is continued) and provides good yields in a simple procedure. Hydroxylation is much (e.g. 20 times) quicker than in systems contg. (I) only.

PREFERRED METHOD

(I) are of the CYP52 family and (II) is the *Candida maltosa* enzyme. The two components are esp. simultaneously expressed by *S. cerevisiae* transformed with the new vector. Partic. both genes are controlled by the same promoter, resulting in a 1:3 ratio of (I):(II) which provides the best yield of hydroxylated prod..

The substrate is reacted in a yeast cell homogenate (essential for alkanes) or cell suspension, and pref. is supplied as a soln. in organic (partic. alcoholic) soln. Reaction is at 30-40°C and is generally

WO 9627678-A+

complete in one hour.

PREPARATION

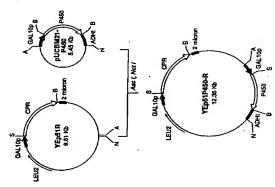
YEp51 having the (II) gene inserted at Sall-BamHI sites was modified by incorporation at the NruI site of a linker that introduces unique Ascl and Natl sites. The vector pUCBM2-P450, contg. the GAL10 promoter (amplified from YEp51), the ADH1 terminator and the cDNA for P450 cm1 or cm2, was digested with Ascl and NotI, and the fragment inserted into the corresponding sites of the modified YEp51 to produce expression vectors, e.g. YEp51 cm2-R, functional in S. cerevisiae GRF18.

EXAMPLE

An induced culture of S.cerevisiae transformed with YEp51 cm2-R was incubated with (per ml) 200 nmole 1-14C-labelled lauric acid. After 15 mins., the cells and supernatant were sepd., extd. and analysed by TLC to indicate (from radioactivity distribution) 35% hydroxylauric acid; 15% dodecanedioic acid (III) and 50% unconverted lauric acid, with 80% of prods. in the supernatant and 83% of residual starting material in the cell pellet.

When reaction was allowed to proceed for 90 mins., complete conversion of lauric acid was achieved with (III) being the main prod.

No conversion was observed when using cells transformed with YEp51 only. (GS3).



(22pp1251DwgNo.1/4) SR:1.Jnl.Ref WO9401564

WO 9627678-A